NMR spectrum analysis

1. Получение спектра

1.1 Загрузка даных

scale = 5

sns.set()

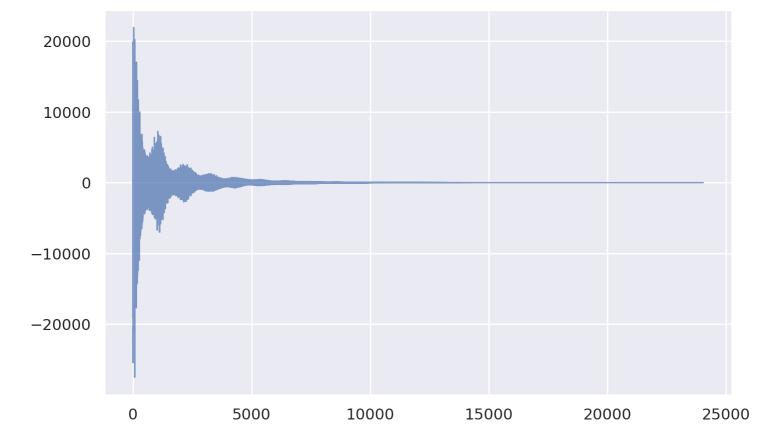
ratio = (1 + 5 ** 0.5) / 2

matplotlib.rcParams["figure.figsize"] = scale * ratio, scale

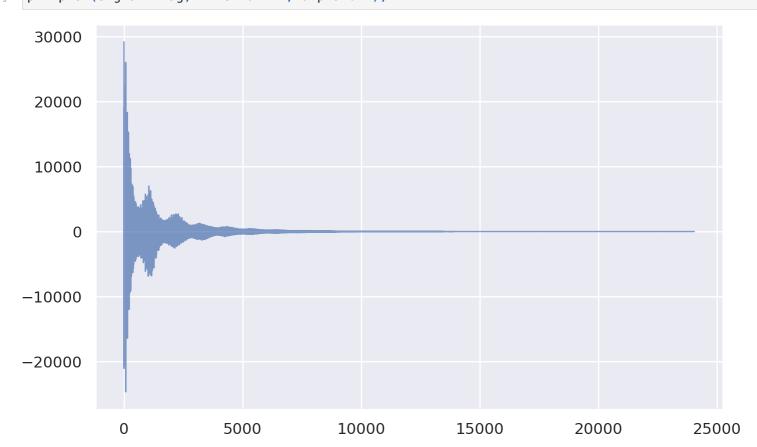
%config InlineBackend.figure_format='retina'

```
In [1]: import numpy as np
       import nmrglue as nmr
       Содержимое папки 1Н:
In [2]: ls 1H
      1H-O-CDCl3.fid/ 1H-2-CDCl3.fid/
                                      1H-4-CDCl3.fid/
                                                     Брутоформулы.txt
      1H-1-CDCl3.fid/ 1H-3-CDCl3.fid/ 1H-5-CDCl3.fid/
       Брутто-формулы (как видно наша это С6Н1202 под номером 2):
In [3]: cat 1H/Брутоформулы.txt
      0
              C4H802
      1
              C3H602
      2
              C6H1202
      3
             C8H803
             C5H1002
      5
              C4H1002
In [4]: # nmrglue.variant.read() принимает папку, а не файл
       metadata, signal = nmr.varian.read("1H/1H-2-CDCl3.fid")
       type(metadata), type(signal)
Out[4]: (dict, numpy.ndarray)
       Метаданые это большой словарь с нечитаемыми полями:
In [5]: metadata.keys()
'S_NP', 'S_NF', 'S_NI', 'S_NI2', 'procpar'])
       Описания полей можно найти только в документации производителя (и то не факт, что это открытая информация),
        nmrglue к большому сожалению их не приводит. В нём существует функция guess udic , которая экстрагирует
       наиболее важные значения и представляет в формате, описываемой документацией nmrglue. К сожалению, у
       меня не получилось заставить её работать с этими данными
       Сигнал это простой одномерный массив комплексных чисел:
In [6]: signal.shape, signal.dtype
Out[6]: ((24038,), dtype('complex64'))
        1.2 Необработанный сигнал
In [7]: import matplotlib
       import matplotlib.pyplot as plt
       import seaborn as sns
```

```
In [8]: plt.plot(signal.real, label="Re", linewidth=1, alpha=0.7);
```



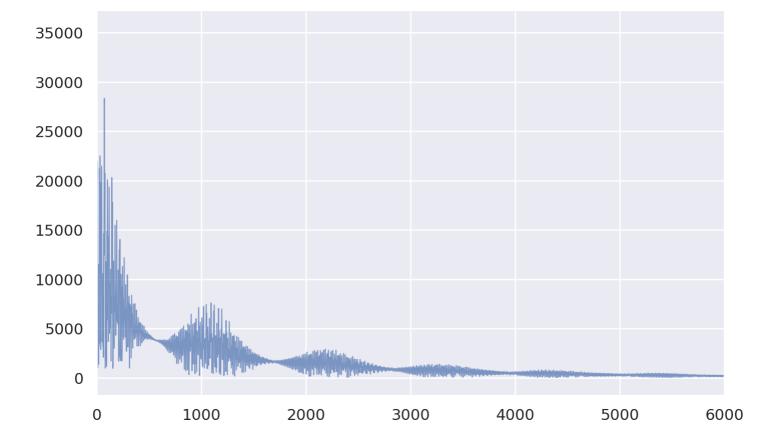
In [9]: plt.plot(signal.imag, linewidth=1, alpha=0.7);



Мнимые и действительные части очень похожи. Также после 10000 временных единиц график не отличается от нуля

```
In [10]: plt.plot(np.abs(signal), linewidth=.7, alpha=0.7)
   plt.xlim(0, 6000)
```

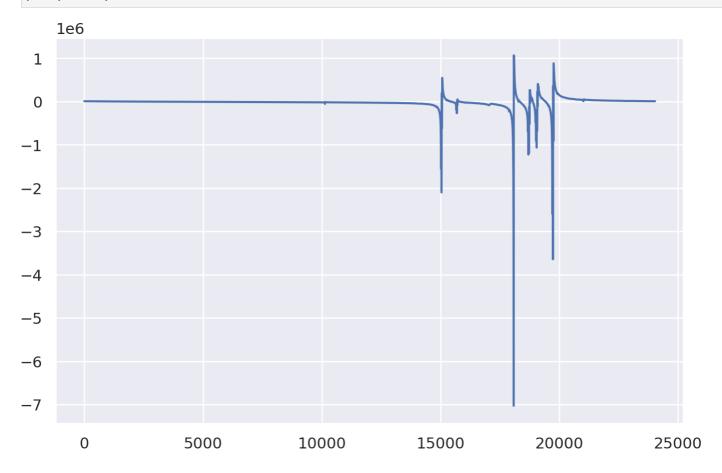
Out[10]: (0.0, 6000.0)



1.3 Необработанный спектр

```
In [11]: spectrum = nmr.process.proc_base.fft(signal)
```

In [12]: plt.plot(spectrum.real);



2. Обработка спектра

2.1 Коррекция фазы

2.1.а Встроенная ручная коррекция фазы

Коррекция фазы в ручном режиме встроенной функцией:

```
In [13]: nmr.process.proc_autophase.manual_ps(spectrum, notebook=True)
```

interactive(children=(FloatSlider(value=-0.0015926535897929917, description='phcorr0', max=3.141592653589
793, ...

Низкая скорость ответа никуда не годится, поэтому приведём гораздо более функциональный вариант.

2.1.b Ручная коррекция фазы

Для создание минимального UI будем пользоваться виджетами Jupyter-a. Возможно они требуют установки отдельной библиотеки, возможно она уже установилась при установки самого Juputer

```
In [14]: import ipywidgets as widgets
```

Ввод коэффициентов для коррекции фазы:

```
In [15]: p0_slider = widgets.FloatSlider(
             value=0,
             min = -180,
             max=180,
             step=.5,
         p0 input = widgets.FloatText(
             value=0,
             min = -180,
             max=180,
             step=.5,
         p0 label = widgets.Label(value="Zero order phase $\\;p 0$, degrees:")
         link = widgets.link((p0_slider, 'value'), (p0_input, 'value'))
         p0_block = widgets.VBox([p0_label, p0_slider, p0_input])
In [16]: p1_slider = widgets.FloatSlider(
             min=-180,
             max=180,
             step=.5,
         p1_input = widgets.FloatText(
             value=0,
             min = -180,
             max=180,
             step=.5,
         p1 label = widgets.Label(value="First order phase $\\;p 1$, degrees:")
         link = widgets.link((p1_slider, 'value'), (p1_input, 'value'))
         p1_block = widgets.VBox([p1_label, p1_slider, p1_input])
In [17]:
         phase_correction = widgets.HBox([
             p0 block,
             p1 block
         ])
```

Дополнительные параметры

```
In [18]: logscale = widgets.Checkbox(
    description="Use logscale for y axis",
    value=False,
    indent=False,
)

subsampling = widgets.Checkbox(
    description="Operate on every 10th point",
    value=False,
    indent=False,
)

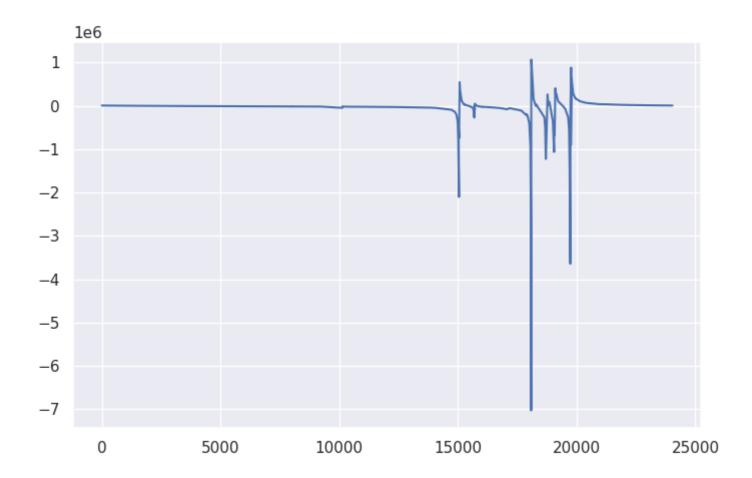
fit_y = widgets.Button(
    description="Fit y axis limits",
)

options = widgets.VBox([
    subsampling,
    logscale,
    fit_y,
])
```

Чтобы получить быстрое обновление графиков (и бонусом навигацию), заменим бэкенд matplotlib на ipyml. Чтобы это можно было сделать, нужно установить библиотеку с таким же названием.

```
In [20]: %matplotlib ipympl
         matplotlib.style.use('fast') # Could theoretically speed up rendering
         if 'figure' in globals():
             # With ipympl you have to manually close previous figures,
             # even from previous runs of the same cell
             plt.close(figure)
         figure = plt.figure()
         line, = plt.plot(spectrum.real)
         xrange = np.arange(spectrum.shape[0])
         xrange subsampled = xrange[::10]
         spectrum subsampled = spectrum[::10]
         last_phased_spectrum = np.array([])
         last_xrange = np.array([])
         def update ylims(button clicked):
             x_{min}, x_{max} = plt.xlim()
             visible_spectrum = last_phased_spectrum[
                 (x_min <= last_xrange) & (last_xrange <= x_max)</pre>
             y min, y max = visible spectrum.min(), visible spectrum.max()
             yrange = y_max - y_min
             plt.ylim(y min - 0.1 * yrange, y max + 0.1 * yrange)
         fit y.on click(update ylims)
         def redraw spectrum(p0, p1, subsampling, logscale):
             xrange = xrange if not subsampling else xrange subsampled
             spectrum_ = spectrum if not subsampling else spectrum_subsampled
             phased spectrum = nmr.proc base.ps(spectrum , p0, p1).real
             if logscale:
                 xrange_ = xrange_[phased_spectrum > 0]
                 phased_spectrum = np.log(phased_spectrum[phased_spectrum > 0])
             line.set data(xrange , phased spectrum)
             figure.canvas.draw()
             figure.canvas.flush events() # Probably not needed
             global last phased_spectrum, last_xrange
             last phased spectrum = phased spectrum
             last xrange = xrange
         out = widgets.interactive output(
             redraw_spectrum,
                 'p0': p0 slider,
                  'p1': p1_slider,
                 'subsampling': subsampling,
                 'logscale': logscale,
             }
         widgets.VBox([controls, out])
```

Figure

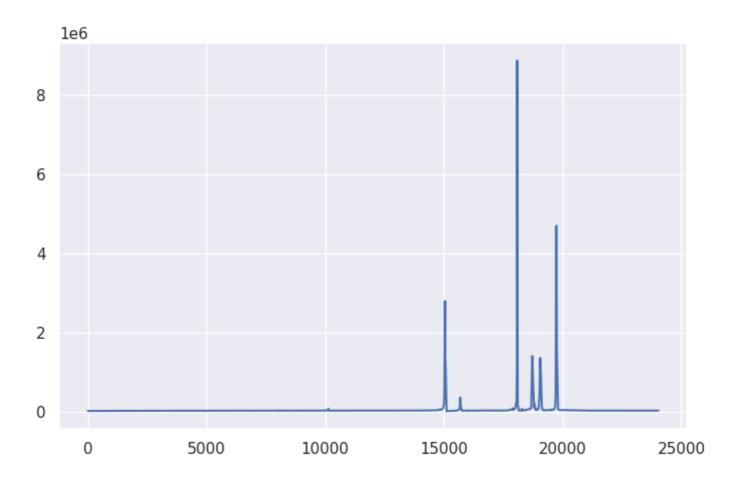


Значения только что подобранных вручную коэффициентов:

```
In [55]: p0_manual = p0_slider.value
p1_manual = p1_slider.value
p0_manual, p1_manual
Out[55]: (-123.0, 0.0)
```

Интерактивный бекэнд может быть не очень удобен, вернёмся к обычному

2.1.с Автоматическая коррекция фазы



2.1.d Результирующая фаза

```
In [56]:
        phase_correction_type = widgets.ToggleButtons(
             options=["Manual", "Automatic"]
         p0, p1 = None, None
         phased_spectrum = []
         out = widgets.Output()
         def update phase correction type(phase correction type):
             global p0, p1, phased_spectrum
             if phase_correction_type == "Manual":
                 p0, p1 = p0_manual, p1_manual
             else:
                 p0, p1 = p0_automatic, p1_automatic
             phased_spectrum = nmr.proc_base.ps(spectrum, p0, p1).real
             print(f"Using '{phase_correction_type}' phase correction")
         out = widgets.interactive output(
             update_phase_correction_type,
             dict(phase_correction_type=phase_correction_type)
         widgets.VBox([phase_correction_type, out])
```

2.2 Коррекция базового уровня

Out[56]: VBox(children=(ToggleButtons(options=('Manual', 'Automatic'), value='Manual'), Output()))

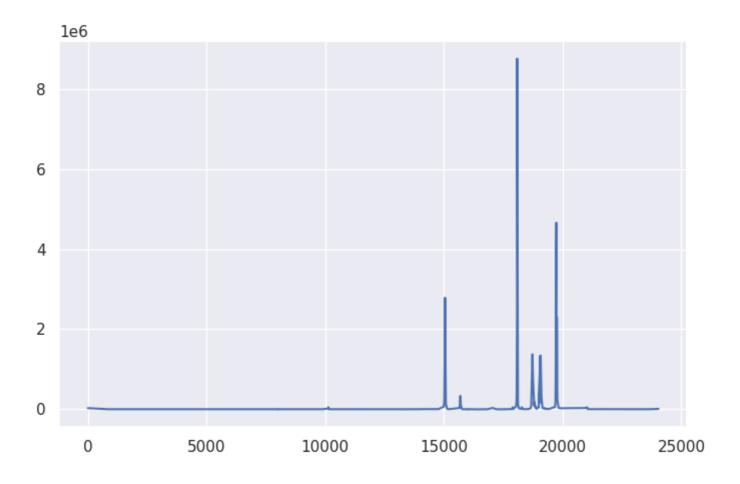
Коррекция базового уровня выполняется с помощью функций подмодуля nmrglue.proc_bl . К сожалению их документация слишком скудна чтобы понять, как их правильно использовать, поэтому воспользуемся одной из тех, что не требуют обязательных параметров...

```
In [57]: based_spectrum = nmr.proc_bl.baseline_corrector(phased_spectrum)
In [58]: if 'figure_baseline' in globals():
        plt.close(figure_baseline)
```

```
figure_baseline = plt.figure()
plt.plot(based_spectrum)
```

Out[58]: [<matplotlib.lines.Line2D at 0x7f2512ec4590>]

Figure



Базовая линия действительно улучшилась

2.3 Zero correction

???

3 Анализ спектров

3.1 Интегрирование пиков

```
In [99]:
         peak_x_ranges = [
             (15000, 15100),
             (15600, 15800),
             (17900, 18300),
             (18600, 18900),
             (18900, 19200),
             (19600, 19900),
         ]
         # Peaks can also be determined automatically:
         nmr.analysis.peakpick.pick(based_spectrum, pthres=50000, table=True, algorithm="connected")
Out[99]: rec.array([(15046., 1, 41.06307847, 5.85426476e+07),
                    (15690., 2, 40.60130856, 5.73133439e+06),
                    (18084., 3, 5.1545009, 8.80216711e+07),
                    (18281., 4, 0.
                                      , 5.00907780e+04),
                    (18727., 5, 52.09752476, 6.84428003e+07),
                    (19075., 6, 70.68254105, 6.75792311e+07),
                    (19736., 7, 26.47597166, 1.02817858e+08)],
```

Автоматическое определение пиков занижает ширину некоторых пиков и даёт ложные срабатывания, поэтому будем использовать размеченные вручную.

dtype=[('X_AXIS', '<f8'), ('cID', '<i8'), ('X_LW', '<f8'), ('VOL', '<f8')])</pre>

nmrglue.analysis.integration, он содержит всего две функции (для одномерного и многомерного интегрирования). По неизвестным причинам он в качестве обязательного параметра принимает filebaseio.unit_conversion - объект, предназначенный для работы с размерностями. При создании напрямую он требует 5 обязательных параметров, которые не хочется искать. Адекватный способ создания в документации приведён, но зависит от формата данных (так как подтягивает эти параметры из метаданных, которые у каждого формата свои). У вариана этой функции нет. Можно сконвертировать в ріре, но эти значения будут заполнены случайно.

Вместо всего это безобразия вызванного незрелостью библиотеки достаточно просто сделать np.sum().

```
In [105...
         peak_integrals = [
             based_spectrum[x_min:x_max].sum()
             for x_min, x_max in peak_x_ranges
         peak_integrals
Out[105... [58238456.23718143,
          6670076.602838319,
          92937634.68829516,
          70907265.46877395,
          71248163.58329341,
          107596764.32771905]
In [115... relative_integrals = peak_integrals / peak_integrals[0]
         print(*[f"{value:.2f}" for value in relative integrals], sep="\n")
        1.00
        0.11
        1.60
        1.22
        1.22
        1.85
In [117... mult = 5
         print(*[f"{value:.2f}" for value in relative_integrals * mult], sep=" ")
        5.00 0.57 7.98 6.09 6.12 9.24
```

3.2 Химические сдвиги

Как их рассчитать без нуля.... И в чём они вообще... И чё с шкалой частоты делать???

3.3 Расщепления

Ну тут все смогут пик приблизить и посмотреть на него... Правда в нескольких местах действительно неочевидно из-за фона

Результы/Выводы

ту ту та ту ту то