Лабораторная работа № 9 по курсу дискретного анализа: Графы

Выполнил студент группы М80-308Б-22 МАИ Кочкожсаров Иван.

Условие

Краткое описание задачи:

- 1. При помощи алгоритмов на графах разработать решение задачи, определяемой своим вариантом
- 2. Вариант: 6
- 3. Задача: Поиск кратчайших путей между всеми парами вершин алгоритмом Джонсона

Метод решения

- 1. Так как алгоритм Дейкстры не умеет работать с отрицательными рёбрами, необходимо на время избавиться от них в нашем графе. Для этого мы добавляем в граф фиктивную вершину S и строим из неё рёбра с весом 0 в каждую вершину исходного графа.
- 2. Для нового графа запускаем алгоритм Беллмана Форда, который либо обнаруживает наличие отрицательного цикла в графе и завершает алгоритм, либо возвращает кратчайшие расстояния от фиктивной вершины S до каждой вершины исходного графа. Суть алгоритма заключается в том, что мы V-1 раз проходим по всем рёбрам и релаксируем их, если

$$d[v] > d[u] + w(u, w).$$

Если на V-ой итерации происходит ещё одна релаксация, то в графе имеется отрицательный цикл. С помощью этих кратчайших расстояний мы перевзвешиваем рёбра по следующей формуле:

$$\omega'(u,v) = \omega(u,v) + \varphi(u) - \varphi(v).$$

Удаляем фиктивную вершину и запускаем алгоритм Дейкстры для каждой вершины графа, который возвращает кратчайшие расстояния до каждой другой вершины графа. Для преобразования этих расстояний к изначальному графу необходимо применить обратную формулу перевзвешивания:

$$\omega(u,v) = \omega'(u,v) - \varphi(u) + \varphi(v).$$

3. Суть алгоритма Дейкстры заключается в том, что в алгоритме поддерживается множество вершин, для которых уже вычислены длины кратчайших путей до них из s. На каждой итерации основного цикла выбирается вершина, не помеченная посещённой, которой на текущий момент соответствует минимальная оценка кратчайшего пути. Вершина добавляется в множество посещённых и производится релаксация всех исходящих из неё рёбер.

Описание программы

Разделение по файлам, описание основных типов данных и функций.

• graph.h

```
#include <cstddef>
#include inits>
#include <optional>
#include <queue>
#include <vector>
class Graph {
private:
    struct adjListElem {
        size_t adjNode;
        long long weight;
        adjListElem(size_t adjNode, size_t weight)
             : adjNode(adjNode), weight(weight) {}
        friend bool operator > (const adjListElem &lhs,
                              const adjListElem &rhs) {
            return lhs.weight > rhs.weight;
        }
    };
    std::vector<std::vector<adjListElem>> adjList;
    std::vector<std::vector<long long>> adjMatrix;
    std::vector<long long> Dijkstra(size t u) {
        size t n = adjList.size();
        std::vector<long long> distances(n,
            std::numeric limits<long long>::max());
        distances[u] = 0;
        std::priority queue<adjListElem,
                             std::vector<adjListElem>,
                             std::greater<adjListElem>>
            minHeap;
```

```
minHeap.emplace(u, 0);
    std::vector<bool> visited(n, false);
    while (!minHeap.empty()) {
        adjListElem cur = minHeap.top();
        minHeap.pop();
        u = cur.adjNode;
        if (visited[u])
            continue;
        visited[u] = true;
        for (adjListElem el : adjList[u]) {
            size t v = el.adjNode;
            long long w = el.weight;
            if (u = v)
                continue;
            if (distances[u] < distances[v] - w) {
                distances[v] = distances[u] + w;
                minHeap.emplace(v, distances[v]);
            }
        }
    return distances;
}
std::optional<std::vector<long long>>
     BellmanFord(size_t source) {
    size t n = adjList.size();
    std::vector<long long> distances(n,
                std::numeric_limits<long long>::max());
    distances[source] = 0;
    for (size t i = 0; i < n; ++i) {
        for (size t u = 0; u < n; ++u) {
            for (const adjListElem &edge : adjList[u]) {
                size t v = edge.adjNode;
                long long weight = edge.weight;
                if (distances[u] < distances[v] - weight)
                    if (i = n - 1)  {
                        return std::nullopt;
                    distances[v] = distances[u] + weight;
                }
```

```
}
        }
        return distances;
    }
public:
    Graph(size_t verticesCount) : adjList(verticesCount + 1),
                                   adjMatrix(
            verticesCount+1,
            std::vector<long long>(verticesCount+1,
                    std::numeric limits<long long>::max())) {
        //prepare adjList
        for (size t i = 1; i < verticesCount + 1; ++i) {
            adjList [0].emplace back(i, 0);
        //prepare adjMatrix
        for (size_t i = 1; i < verticesCount+1; ++i) {
            adjMatrix[i][i] = 0;
            for (const auto &edge : adjList[i]) {
                adjMatrix[i][edge.adjNode] = edge.weight;
        }
    }
    void AddEdge(size t u, size t v, long long weight) {
        adjList[u].emplace_back(v, weight);
    }
    std::optional<std::vector
        <std::vector<long long>>> Johnson() {
        auto potentials = BellmanFord(0);
        if (!potentials) {
            return std::nullopt;
        for (size t u = 1; u < adjList.size(); ++u) {
            for (auto &el : adjList |u|) {
                auto v = el.adjNode;
                if (el.weight !=
                         std::numeric limits<long long>::max())
                     el.weight = el.weight + (*potentials)[u]
```

```
- (*potentials)[v];
        }
    std::vector<std::vector<long long>> res(
        adjList.size(),
        std::vector<long long>(adjList.size()));
    for (size t i = 1; i < adjList.size(); ++i) {
        res[i] = Dijkstra(i);
        for (size_t j = 1; j < res[i]. size(); ++j) {
            if (res[i][j]!=
                std::numeric_limits<long long>::max())
                 res[i][j] = res[i][j] + (*potentials)[j]
                    - (*potentials)[i];
        }
    return res;
}
std::vector<std::vector<long long>> FloydWarshall() {
    size t n = adjList.size();
    auto distance = adjMatrix;
    for (size t k = 1; k < n; ++k) {
        for (size t i = 1; i < n; ++i) {
            for (size_t j = 1; j < n; ++j) {
                 \mathbf{if} (distance [i][k] !=
                     std::numeric_limits<long long>::max()
                    &&
                     distance [k][j] !=
                     std::numeric limits<long long>::max()
                    &&
                     distance[i][j] >
                         distance[i][k] + distance[k][j]) {
                     distance[i][j] =
                         distance [i][k] + distance [k][j];
                }
            }
        }
    }
    return distance;
}
```

```
Graph() = delete;
 };
• main.cpp
 #include <cstddef>
 #include <iostream>
 #include "graph.h"
 int main() {
      size t n, m;
      std :: cin >> n >> m;
      Graph graph (n);
      for (size_t i = 0; i < m; ++i) {
          size t u, v;
          long long w;
          std::cin >> u >> v >> w;
          graph.AddEdge(u, v, w);
      }
     auto allDistances = graph.Johnson();
      if (!allDistances) {
          std::cout << "Negative_cycle\n";
          return 0;
      for (size_t i = 1; i < n+1; ++i) {
          for (size_t j = 1; j < n+1; ++j) {
              auto x = (*allDistances)[i][j];
              if (x = std :: numeric limits < long long > :: max()) {
                  std::cout << "inf_";
              else {
                  std::cout << x << ', ';
          std::cout << '\n';
 }
```

Функции-члены класса: Приватные:

1. std::optional<std::vector<long long» BellmanFord(size_t source) - функция, которая возвращает вектор, содержащий кратчайшие расстояния от source до всех узлов. Если есть негативный цикл - возвращает std::nullopt.

2. std::vector<long long> Dijkstra(size_t u) - возвращает вектор, содержащий кратчайшие расстояния от source до всех узлов. Не работает на графах с отрицательными весами.

Публичные

- 1. Graph(size_t verticesCount) создает граф в виде списка смежности и матрицы смежности.
- 2. void AddEdge(size t u, size t v, long long weight) добавляет ребро в граф.
- 3. std::optional<std::vector<std::vector<long long»> Johnson() возвращает матрицу кратчайших расстояний для графа.
- 4. std::optional<std::vector<std::vector<long long»> FloydWarshall() возвращает матрицу кратчайших расстояний для графа (реализован для сравнения с предыдущим алгоритмом)

Дневник отладки

Во время реализации я столкнулся с проблемами:

- 1. Проблема с переполнением. При вычислении потенциалов Джонсона переменные с бесконечностями обрабатывались некорректно.
- 2. Проблема с RE на чекере. Проблема возникала из-за того, что я возвращал кол ошибки 1 при обнаружении отрицательного цикла. После замены кода на 0 код прошел чекер.

Тест производительности

```
#include <chrono>
#include <random>
#include <iostream>
#include "graph.h"

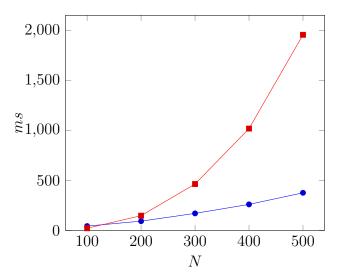
int main(int argc, char* argv[]) {
    if (argc < 3) {
        std::cerr << "Usage:_" << argv[0]
        << "_<number_of_nodes>_<number_of_edges>\n";
        return 1;
    }

    size_t n = std::strtoull(argv[1], nullptr, 10);
    size_t m = std::strtoull(argv[2], nullptr, 10);
```

```
std::mt19937 rng(42);
    std::uniform int distribution < size t > nodeDist(1, n);
    std::uniform_int_distribution < long long > weightDist(0, 1000);
    for (size t i = 0; i < m; ++i) {
        size t u = nodeDist(rng);
        size t v = nodeDist(rng);
        long long w = weightDist(rng);
        graph.AddEdge(u, v, w);
    }
    auto start = std::chrono::high resolution clock::now();
    auto johnsonResult = graph.Johnson();
    auto end = std::chrono::high resolution clock::now();
    auto johnsonDuration = std::chrono::duration cast
            <std::chrono::milliseconds>(end - start).count();
    if (!johnsonResult) {
        std::cout <<
        "Negative_cycle_detected_in_Johnson_algorithm\n";
    } else {
        std::cout
        << "Johnson_algorithm_completed_in_"</pre>
        << johnsonDuration << "_ms\n";</pre>
    }
    start = std::chrono::high resolution clock::now();
    auto floydWarshallResult = graph.FloydWarshall();
    end = std::chrono::high resolution clock::now();
    auto floydDuration = std::chrono::duration cast
        <std::chrono::milliseconds>(end - start).count();
    std::cout << "Floyd-Warshall_algorithm_completed_in_"
   << floydDuration << "_ms\n";</pre>
    return 0;
}
```

Graph graph(n);

Количество ребер будет фиксированным и равным 4000. Будем изменять количество вершин



Красный граф - алгорит Флойда-Уоршелла, синий - Джонсона. Таким образом видим, что алгоритм Джонсона отлично подходит для разреженного графа. А Флойд-Уоршелл может обгонять его на полных графах, что видно в начале (у графа с 100 вершин максимальное количество ребер - 4950).

Сложность алгоритма Джонсона - O(n(n+m)logn), т.к. мы используем алгоритм Дейкстры со сложностью O((n+m)logn) n раз.

Выводы

В ходе выполнения лабораторной работы я изучил алгоритм Джонсона и применил его для решения задачи нахождения кратчайших путей между всеми парами вершин в графе. Полученные знания позволили успешно реализовать и проверить работу алгоритма на практике.