

# Лабораторная работа № 9 по курсу дискретного анализа: Графы

Выполнил студент группы М80-308Б-22 МАИ *Кочкожаров Иван*.

## Условие

Краткое описание задачи:

1. При помощи алгоритмов на графах разработать решение задачи, определяемой своим вариантом
2. *Вариант:* 6
3. *Задача:* Поиск кратчайших путей между всеми парами вершин алгоритмом Джонсона

## Метод решения

1. Так как алгоритм Дейкстры не умеет работать с отрицательными рёбрами, необходимо на время избавиться от них в нашем графе. Для этого мы добавляем в граф фиктивную вершину  $S$  и строим из неё рёбра с весом 0 в каждую вершину исходного графа.
2. Для нового графа запускаем алгоритм Беллмана – Форда, который либо обнаруживает наличие отрицательного цикла в графе и завершает алгоритм, либо возвращает кратчайшие расстояния от фиктивной вершины  $S$  до каждой вершины исходного графа. Суть алгоритма заключается в том, что мы  $V - 1$  раз проходим по всем рёбрам и релаксируем их, если

$$d[v] > d[u] + w(u, w).$$

Если на  $V$ -ой итерации происходит ещё одна релаксация, то в графе имеется отрицательный цикл. С помощью этих кратчайших расстояний мы перевзвешиваем рёбра по следующей формуле:

$$\omega'(u, v) = \omega(u, v) + \varphi(u) - \varphi(v).$$

Удаляем фиктивную вершину и запускаем алгоритм Дейкстры для каждой вершины графа, который возвращает кратчайшие расстояния до каждой другой вершины графа. Для преобразования этих расстояний к изначальному графу необходимо применить обратную формулу перевзвешивания:

$$\omega(u, v) = \omega'(u, v) - \varphi(u) + \varphi(v).$$

3. Суть алгоритма Дейкстры заключается в том, что в алгоритме поддерживается множество вершин, для которых уже вычислены длины кратчайших путей до них из  $s$ . На каждой итерации основного цикла выбирается вершина, не помеченная посещённой, которой на текущий момент соответствует минимальная оценка кратчайшего пути. Вершина добавляется в множество посещённых и производится релаксация всех исходящих из неё рёбер.

## Описание программы

Разделение по файлам, описание основных типов данных и функций.

- graph.h

```
#include <cstdint>
#include <limits>
#include <optional>
#include <queue>
#include <vector>

class Graph {
private:
    struct adjListElem {
        size_t adjNode;
        long long weight;
        adjListElem(size_t adjNode, size_t weight)
            : adjNode(adjNode), weight(weight) {}
        friend bool operator>(const adjListElem &lhs,
                               const adjListElem &rhs) {
            return lhs.weight > rhs.weight;
        }
    };

    std::vector<std::vector<adjListElem>> adjList;
    std::vector<std::vector<long long>> adjMatrix;

    std::vector<long long> Dijkstra(size_t u) {
        size_t n = adjList.size();
        std::vector<long long> distances(n,
            std::numeric_limits<long long>::max());
        distances[u] = 0;
        std::priority_queue<adjListElem,
                               std::vector<adjListElem>,
                               std::greater<adjListElem>>
            minHeap;
```

```

minHeap.emplace(u, 0);
std::vector<bool> visited(n, false);
while (!minHeap.empty()) {
    adjListElem cur = minHeap.top();
    minHeap.pop();
    u = cur.adjNode;
    if (visited[u])
        continue;
    visited[u] = true;
    for (adjListElem el : adjList[u]) {
        size_t v = el.adjNode;
        long long w = el.weight;
        if (u == v)
            continue;
        if (distances[u] < distances[v] - w) {
            distances[v] = distances[u] + w;
            minHeap.emplace(v, distances[v]);
        }
    }
}
return distances;
}

std::optional<std::vector<long long>>
BellmanFord(size_t source) {
    size_t n = adjList.size();
    std::vector<long long> distances(n,
        std::numeric_limits<long long>::max());
    distances[source] = 0;

    for (size_t i = 0; i < n; ++i) {
        for (size_t u = 0; u < n; ++u) {
            for (const adjListElem &edge : adjList[u]) {
                size_t v = edge.adjNode;
                long long weight = edge.weight;
                if (distances[u] < distances[v] - weight)
                {
                    if (i == n - 1) {
                        return std::nullopt;
                    }
                    distances[v] = distances[u] + weight;
                }
            }
        }
    }
}

```

```

        }
    }
}

    return distances;
}

public:
    Graph(size_t verticesCount) : adjList(verticesCount + 1),
                                   adjMatrix(
                                       verticesCount+1,
                                       std::vector<long long>(verticesCount+1,
                                                                std::numeric_limits<long long>::max())) {
        //prepare adjList
        for (size_t i = 1; i < verticesCount + 1; ++i) {
            adjList[i].emplace_back(i, 0);
        }
        //prepare adjMatrix
        for (size_t i = 1; i < verticesCount+1; ++i) {
            adjMatrix[i][i] = 0;
            for (const auto &edge : adjList[i]) {
                adjMatrix[i][edge.adjNode] = edge.weight;
            }
        }
    }

    void AddEdge(size_t u, size_t v, long long weight) {
        adjList[u].emplace_back(v, weight);
    }

    std::optional<std::vector<
        <std::vector<long long>>> Johnson() {
        auto potentials = BellmanFord(0);
        if (!potentials) {
            return std::nullopt;
        }
        for (size_t u = 1; u < adjList.size(); ++u) {
            for (auto &el : adjList[u]) {
                auto v = el.adjNode;
                if (el.weight !=
                    std::numeric_limits<long long>::max())
                    el.weight = el.weight + (*potentials)[u]

```

```

        - (*potentials)[v];
    }
}
std::vector<std::vector<long long>> res(
    adjList.size(),
    std::vector<long long>(adjList.size()));
for (size_t i = 1; i < adjList.size(); ++i) {
    res[i] = Dijkstra(i);
    for (size_t j = 1; j < res[i].size(); ++j) {
        if (res[i][j] !=
            std::numeric_limits<long long>::max())
            res[i][j] = res[i][j] + (*potentials)[j]
                - (*potentials)[i];
    }
}
return res;
}

std::vector<std::vector<long long>> FloydWarshall() {
    size_t n = adjList.size();
    auto distance = adjMatrix;

    for (size_t k = 1; k < n; ++k) {
        for (size_t i = 1; i < n; ++i) {
            for (size_t j = 1; j < n; ++j) {
                if (distance[i][k] !=
                    std::numeric_limits<long long>::max()
                    &&
                    distance[k][j] !=
                    std::numeric_limits<long long>::max()
                    &&
                    distance[i][j] >
                        distance[i][k] + distance[k][j]) {
                    distance[i][j] =
                        distance[i][k] + distance[k][j];
                }
            }
        }
    }

    return distance;
}

```

```

        Graph() = delete;
};

```

- main.cpp

```

#include <cstdint>
#include <iostream>
#include "graph.h"

int main() {
    size_t n, m;
    std::cin >> n >> m;
    Graph graph(n);
    for (size_t i = 0; i < m; ++i) {
        size_t u, v;
        long long w;
        std::cin >> u >> v >> w;
        graph.AddEdge(u, v, w);
    }
    auto allDistances = graph.Johnson();
    if (!allDistances) {
        std::cout << "Negative_cycle\n";
        return 0;
    }
    for (size_t i = 1; i < n+1; ++i) {
        for (size_t j = 1; j < n+1; ++j) {
            auto x = (*allDistances)[i][j];
            if (x == std::numeric_limits<long long>::max()) {
                std::cout << "inf_";
            }
            else {
                std::cout << x << '_';
            }
        }
        std::cout << '\n';
    }
}

```

Функции-члены класса: Приватные:

1. `std::optional<std::vector<long long> BellmanFord(size_t source)` - функция, которая возвращает вектор, содержащий кратчайшие расстояния от source до всех узлов. Если есть негативный цикл - возвращает `std::nullopt`.

2. `std::vector<long long> Dijkstra(size_t u)` - возвращает вектор, содержащий кратчайшие расстояния от `source` до всех узлов. Не работает на графах с отрицательными весами.

## Публичные

1. `Graph(size_t verticesCount)` - создает граф в виде списка смежности и матрицы смежности.
2. `void AddEdge(size_t u, size_t v, long long weight)` - добавляет ребро в граф.
3. `std::optional<std::vector<std::vector<long long>>> Johnson()` - возвращает матрицу кратчайших расстояний для графа.
4. `std::optional<std::vector<std::vector<long long>>> FloydWarshall()` - возвращает матрицу кратчайших расстояний для графа (реализован для сравнения с предыдущим алгоритмом)

## Дневник отладки

Во время реализации я столкнулся с проблемами:

1. Проблема с переполнением. При вычислении потенциалов Джонсона переменные с бесконечностями обрабатывались некорректно.
2. Проблема с RE на чекере. Проблема возникала из-за того, что я возвращал код ошибки 1 при обнаружении отрицательного цикла. После замены кода на 0 код прошел чекер.

## Тест производительности

```
#include <chrono>
#include <random>
#include <iostream>
#include "graph.h"

int main(int argc, char* argv[]) {
    if (argc < 3) {
        std::cerr << "Usage: _" << argv[0]
            << " _<number_of_nodes> _<number_of_edges>\n";
        return 1;
    }

    size_t n = std::strtoull(argv[1], nullptr, 10);
    size_t m = std::strtoull(argv[2], nullptr, 10);
```

```

Graph graph(n);

std::mt19937 rng(42);
std::uniform_int_distribution<size_t> nodeDist(1, n);
std::uniform_int_distribution<long long> weightDist(0, 1000);

for (size_t i = 0; i < m; ++i) {
    size_t u = nodeDist(rng);
    size_t v = nodeDist(rng);
    long long w = weightDist(rng);
    graph.AddEdge(u, v, w);
}

auto start = std::chrono::high_resolution_clock::now();
auto johnsonResult = graph.Johnson();
auto end = std::chrono::high_resolution_clock::now();
auto johnsonDuration = std::chrono::duration_cast
    <std::chrono::milliseconds>(end - start).count();

if (!johnsonResult) {
    std::cout <<
        "Negative_cycle_detected_in_Johnson_algorithm\n";
} else {
    std::cout
        << "Johnson_algorithm_completed_in_"
        << johnsonDuration << "_ms\n";
}

start = std::chrono::high_resolution_clock::now();
auto floydWarshallResult = graph.FloydWarshall();
end = std::chrono::high_resolution_clock::now();
auto floydDuration = std::chrono::duration_cast
    <std::chrono::milliseconds>(end - start).count();

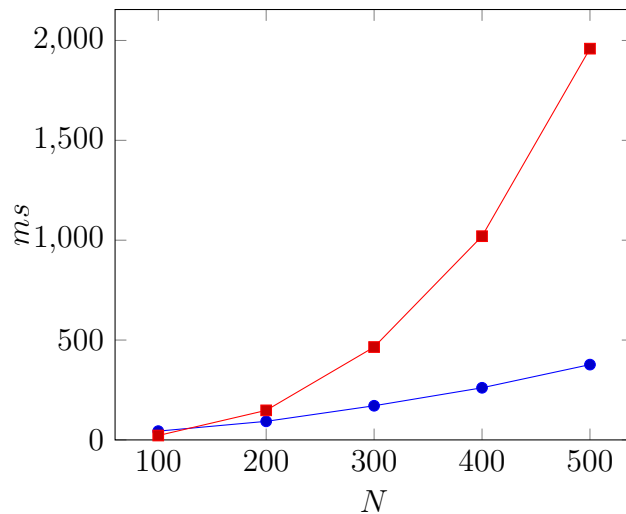
std::cout << "Floyd-Warshall_algorithm_completed_in_"
<< floydDuration << "_ms\n";

return 0;
}

```

Количество ребер будет фиксированным и равным 4000. Будем изменять количество вершин





Красный граф - алгоритм Флойда-Уоршелла, синий - Джонсона. Таким образом видим, что алгоритм Джонсона отлично подходит для разреженного графа. А Флойд-Уоршелл может обгонять его на полных графах, что видно в начале (у графа с 100 вершин максимальное количество ребер - 4950).

Сложность алгоритма Джонсона -  $O(n(n + t)\log n)$ , т.к. мы используем алгоритм Дейкстры со сложностью  $O((n + t)\log n)$   $n$  раз.

## Выводы

В ходе выполнения лабораторной работы я изучил алгоритм Джонсона и применил его для решения задачи нахождения кратчайших путей между всеми парами вершин в графе. Полученные знания позволили успешно реализовать и проверить работу алгоритма на практике.