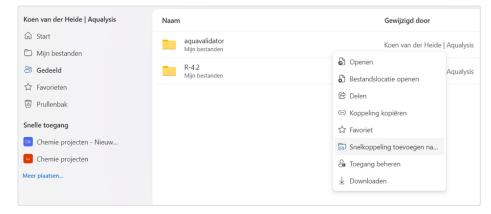
Gebruikers Handleiding

OneDrive

Om te beginnen moeten er twee folders in je OneDrive staan: "R-4.2.3" en "aquavalidator". Dit zijn gedeelde OneDrive folders.



Hierna zullen de twee folders zichtbaar zijn in je OneDrive directory. Het is belangrijk dat deze twee folders niet worden verplaatst of een andere naam krijgen.

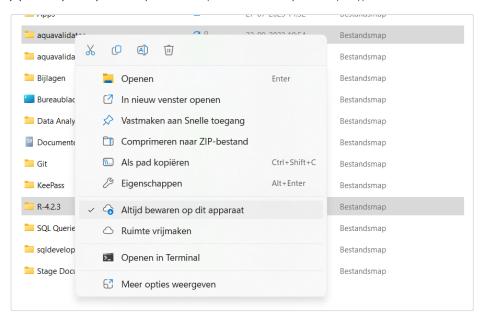
Opstarten

Om de validator op te starten staat er onder de "aquavalidator" folder een bestand genaamd "validator" (verrassend genoeg). Dit is een klein script dat de validator aanroept. Als je hierop klikt zou je dit moeten zien (exacte tekst kan veranderen):



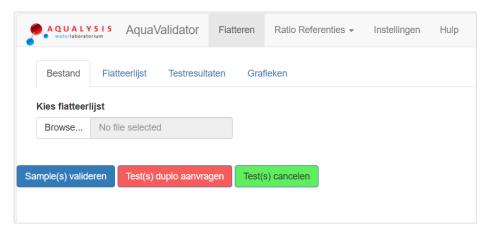
Na een paar seconden opent de validator als een browserpagina. Als dit niet het geval is of het bovenstaande scherm komt niet in beeld komt dan is er een error geweest tijdens het opstarten.

De eerste keer opstarten op een nieuwe computer zal langzaam zijn. Dit komt omdat OneDrive tijdens het gebruik plotseling doorheeft dat het allerlei onderliggende bestanden moet downloaden. De tool kan pas weer verder wanneer deze downloads klaar zijn en moet hier dan dus op wachten. Afhankelijk van OneDrive kan dit probleem zich later soms herhalen. Dit is te voorkomen door de twee folders (vooral "R-4.2.3") op te slaan op de computer. Dit doe je via rechterklik op de twee folders en "Altijd bewaren op dit apparaat" aan te vinken:



Inladen

Als we nu naar de openstaande browserpagina gaan zou je dit moeten zien:



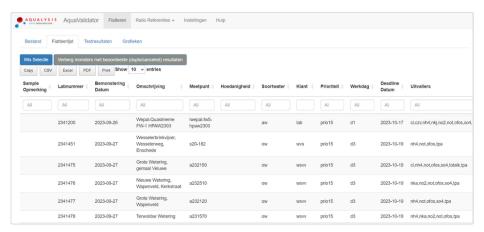
Klik op de Browse... knop en selecteer een fiatteerlijst (gemaakt vanuit de macro) om deze in te laden.

We willen hier een Excel bestand inladen dat met op dit moment uitvallende samples (zoals we in QM zien) en met de testresultaten die bij deze uitvallende samples horen (wat je normaal via "add results" zou zien). Belangrijk verschil met QM is dat we hier ook resultaten van eerdere samples toebehorend aan hetzelfde meetpunt als de uitvallend samples willen inladen.

Afhankelijk van de grootte van het bestand kan het een paar seconden duren om het in te laden (er kunnen heel wat historische resultaten zijn). Zolang rechtsonder nog "laden" staat dan is het programma nog bezig.

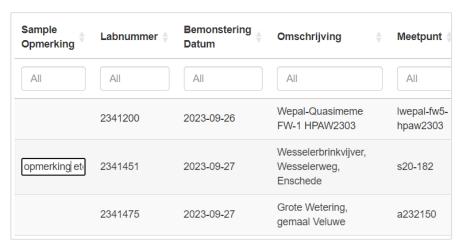
Fiatteerlijst

Wanneer het programma klaar is met inladen zal het beeld automatisch verschuiven naar de fiatteerlijst:

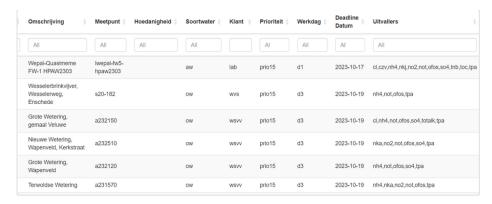


Deze fiatteerlijst heeft een vergelijkbare indeling als in Quality Manager maar met enkele extra kolommen. Laten we een paar van deze behandelen:

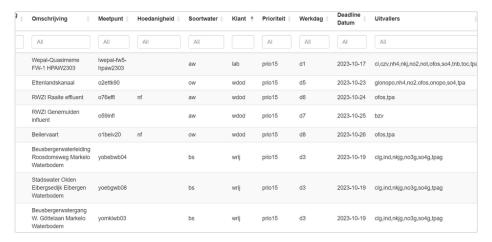
In de Sample Opmerking kolom staan eerdere opmerkingen en kan je zelf **een opmerking toevoegen op sample niveau** door dubbel te klikken op het lege veld waarna er een tekst balk verschijnt. Hier kan je dan de opmerking in typen:



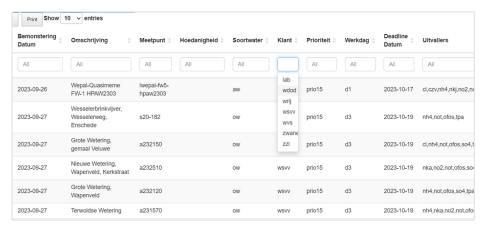
In de laatste kolom staan de uitvallende testen, hier kun je de testen zien die voor dit labnummer uitvallen:



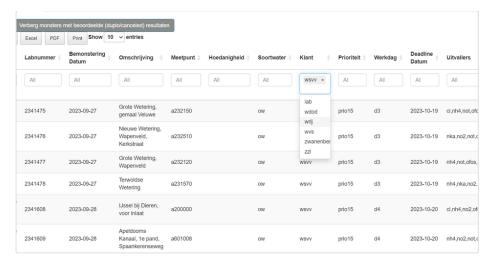
De fiatteerlijst heeft verschillende manieren om te **sorteren**. Je kan samples sorteren op een kolom door op de kolomnaam te klikken. De pijlen tonen aan wanneer de lijst gesorteerd is op deze kolom. Hier sorteren we bijvoorbeeld samples alfabetisch op klant:



Het is ook mogelijk om een filter toe te passen. Hiervoor type je waarop je wil filteren in de lege tekst vakken onder de kolomnamen. Voor sommige kolommen krijg je al te zien welke mogelijke filters je kan toepassen als je dit vak aanklikt. Hier zien we bijvoorbeeld de klanten die op dit moment uitvallende samples hebben:



Uit dit menu kun je dan 1 (of meerdere) namen klikken om alleen samples van deze klant te tonen:



Hetzelfde principe kan je ook gebruiken om te filteren op soortwater etc.

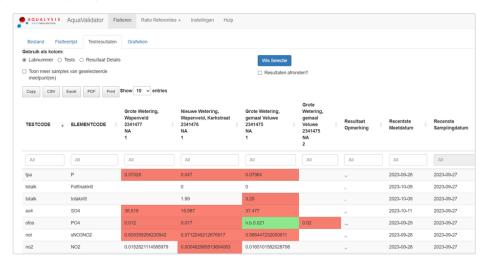
Om testresultaten te bekijken klik je een (of meerdere) rijen aan:



Als je (te) veel rijen hebt aangeklikt dat kun je eenvoudig deze selectie ongedaan maken door op "wis selectie" linksboven te klikken.

Testresultaten

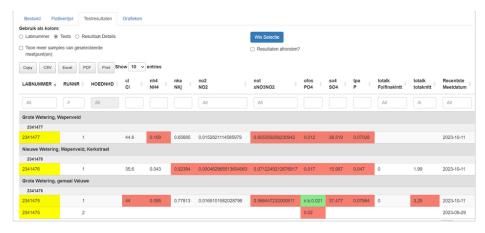
De resultaten van deze aangeklikte monsters zijn vervolgens te zien onder de testresultaten tab:



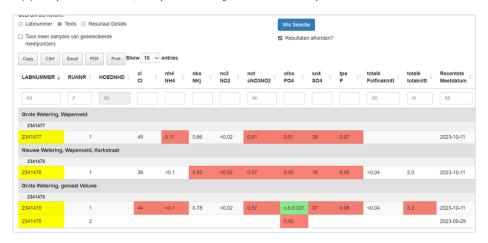
Indeling

Deze tabel kan de resultaten op verschillende manieren tonen, je ziet hier de standaardindeling waarbij ieder labnummer + runnummer een eigen kolom vormt. Iedere test vormt dan zijn eigen rij.

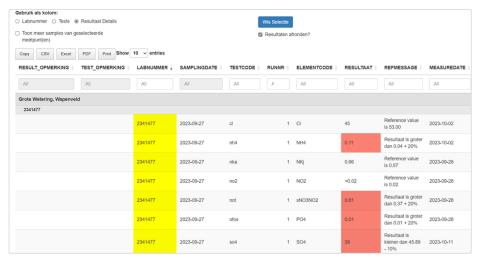
We kunnen dit ook omdraaien door de testen als kolommen en labnummers als rijen te gebuiken:



Sommige tests bebben standaard (te) veel cijfers achter de komma, mocht ie de resultaten afgerond willen zien dan kun ie dat aanvinken en dan komt het overzicht er zo uit te zien:



 $Als \ laatste \ is \ er \ nog \ een \ indeling \ waar \ ieder \ individueel \ resultaat \ als \ rij \ wordt \ gebruikt:$

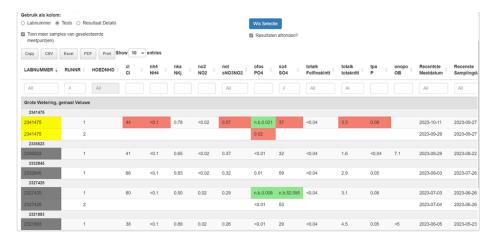


Kleuren

Testresultaten die uitvallen (en dus moeten worden beoordeeld) krijgen hier een rode achtergrondkleur, gecancelde resultaten krijgen een groene achtergrondkleur (dit is vergelijkbaar met de QM kleuren).

Labnummer(s) van sample(s) dat op de fiatteerlijst staan krijgen een gele kleur, andere labnummers krijgen een grijze kleur. Dit is duidelijker te zien in het volgende voorbeeld.

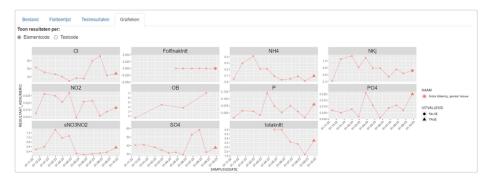
Door "toon meer samples van geselecteerde meetpunt(en)" aan te vinken krijgen we de 10 meest recente samples (hoeveelheid aanpasbaar in instellingen) te zien voor dezelfde meetpunt(en). Hier is dus bijvoorbeeld te zien dat 2341475 ons huidig uitvallend sample is:



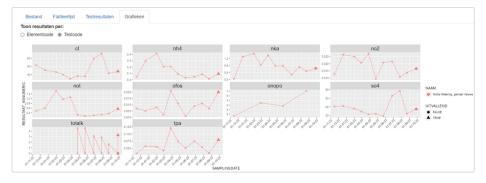
Dit is waarschijnlijk overzichtelijker in de vorm van grafieken, laten we verder gaan naar de grafiek tab:

Grafieken

In de grafieken tab zien we als eerste de testresultaten voor opnieuw de 10 meest recente samples uit hetzelfde meetpunt. We kunnen hier kiezen om ieder element(code) in zijn eigen grafiek te zetten:

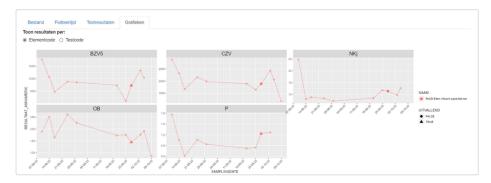


Of om de resultaten per test(code) op te splitsen:



Merk op dat de x-as (sampling datum) voor alle grafieken hetzelfde blijft maar dat de y-as (testresultaat) verschilt.

De driehoeken geven resultaten aan die uitvallen. De vetgedrukte en grotere punten geven resultaten aan die toebehoren aan onze aangeklikte sample(s). (Een vetgedrukt grote driehoek is dus een uitvallend resultaat van het huidig sample). Het kan best gebeuren dat hetzelfde meetpunt meerdere uitvallende samples heeft, RWZI Etten influent papierfabriek is hier een voorbeeld van:



Hier is direct te zien dat er nog 3 samples van RWZI Etten influent papierfabriek zijn die recenter zijn dan ons huidig aangeklikte sample en dat ze ook uitvallende resultaten hebben.

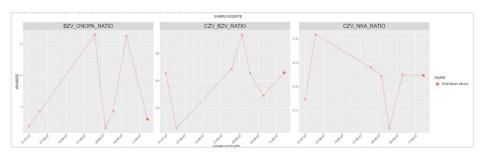
Ratio's

Naast de testresultaten berekent de validator ook ratio's om te helpen met fiatteren. Op dit moment probeert het 6 ratio's te berekenen:

- 1. BZV over ONOPA
- 2. CZV over BZV
- 3. CZV over NKa
- 4. CZV over TNb
- 5. CZV over TOC
- 6. OFOS over TPA

(Natuurlijk hebben meeste meetpunten niet al deze tests aangevraagd en ze zullen dus ook niet allemaal deze ratio's hebben)

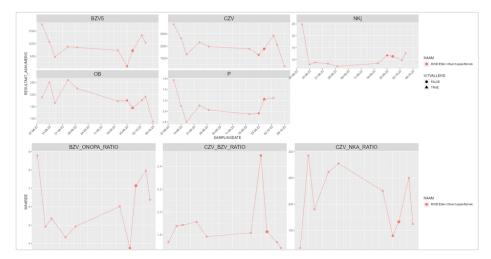
De ratio's van de 10 meest recente samples worden onder de testresultaten grafieken getoond:



Net als bij de testresultaten worden de ratio's van het huidige sample hier vetgedrukt. Er zijn hier geen driehoeken omdat het nog niet helemaal duidelijk is wanneer een ratio "uitvallend" is (als 1 van de 2 resultaten uitvallen? Of allebei? Of moet de ratio zelf afwijken van de norm?)

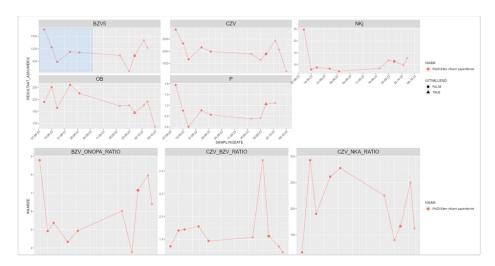
Selectie

Al deze grafieken zijn interactief; als je bijvoorbeeld wilt zien welke resultaten nou precies bij een sample horen dan kan dit door **dubbel te klikken** op een meetresultaat of ratio. Als we dit bijvoorbeeld doen voor de CZV/BZV ratio van 25-09 dan zien we dit:



Alle resultaten en ratio's die bij dit sample horen worden vetgedrukt en vergroot (merk op dat onze oorspronkelijke fiatteersample ook nog vetgedrukt & vergroot blijft maar iets groter is)

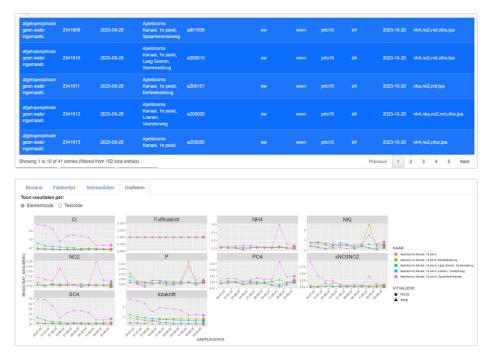
Dubbel klikken is dus handig om de resultaten van een enkel sample te bekijken. Het is ook mogelijk om een **gebied te selecteren** om meerdere samples tegelijk te pakken. Dit gebeurt er als we een gebied over de eerste vijf BZV metingen trekken:



Onderaan de grafieken staat nog een tabel met de resultaten van deze geselecteerde samples:

RWZI Etten influent pa	apierfabriek						
2337434							
2337434	1 bzv	BZV5	1111.51	Reference value is 1082.62	Het deeimonster is onjuist geconserveerd en/of in een verkeerde verpakking aangeleverd, waardon het resultaat mogelijk minder betrouwbaar is. Het resultaat voor BZV is verkregen uit 2 verdunningen welke in enkelvoud zijn ingezet.	2023-08-29	2023-08-30
2337434	1 czvcuv	CZV	1985	Reference value is 2048.67		2023-08-29	2023-08-29
2337434	1 nka	NKj	7.15068	Resultaat is kleiner dan 14.50 - 20%		2023-08-29	2023-08-30
2337434	1 onopa	ОВ	225.3333	Reference value is 225.47	Inzetvolume 150 ml.	2023-08-29	2023-08-29
2337434	1 tpa	Р	0.93447	Reference value is 0.96		2023-08-29	2023-08-30
2336854							
2336854	1 bzv	BZV5	1128.97	Reference value is 1260.61	Het resultaat voor BZV is verkregen uit 2 verdunningen welke in enkelvoud zijn ingezet.	2023-08-24	2023-08-24
2336854	1 czvcuv	czv	2160	Reference value is 2292.00		2023-08-24	2023-08-2
2336854	1 nka	NKj	n.b.1			2023-08-24	2023-08-3
2336854	2 nka	NKJ	8.265	Reference value is 7.94		2023-08-24	2023-08-3
2336854	1 onopa	ОВ	260.5634	Resultaat is groter dan 201.65 + 20%	Inzetvolume 142 ml.	2023-08-24	2023-08-2

Ten slotte is het ook nog mogelijk om meerdere meetpunten tegelijk te tonen in de grafieken. Als je in de fiatteerlijst samples van verschillende meetpunten tegelijk selecteert dan zie je deze meetpunten samen terug in de grafieken:



Fiatteren

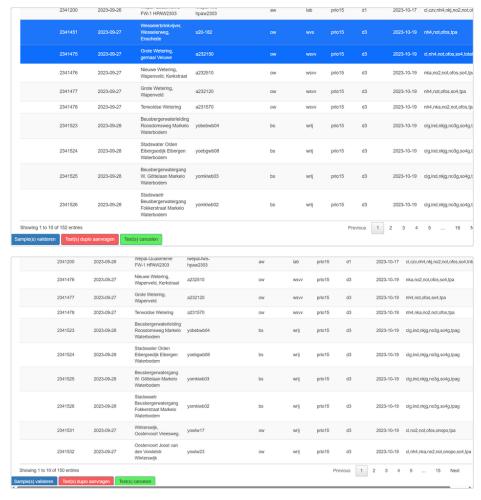
Er staan drie knoppen onderaan de validator:



Sample(s) valideren is bedoeld om een geheel labnummer in 1 keer goed te keuren. Test(s) duplo aanvragen/cancelen is bedoeld om individuele resultaten in duplo te zetten/te cancelen.

Samples valideren

Als je bijvoorbeeld deze geselecteerde labnummers van 27-09 wilt goedkeuren dan hoef je enkel op de valideer knop te drukken. Het sample wordt weggeschreven als een goedgekeurd sample en verdwijnt uit de fiatteerlijst:



Huidig aangeklikte samples kunnen trouwens in ieder scherm worden goedgekeurd. Het is niet nodig om terug te gaan naar de fiatteerlijst tab om een sample goed te keuren.

Je kan bijvoorbeeld vanaf de grafieken tab de samples die je aan het bekijken bent al goedkeuren. Het is moeilijk een voorbeeld te geven met afbeeldingen maar het programma laadt hierna automatisch de grafieken in van het volgende monster op de fiatteerlijst.

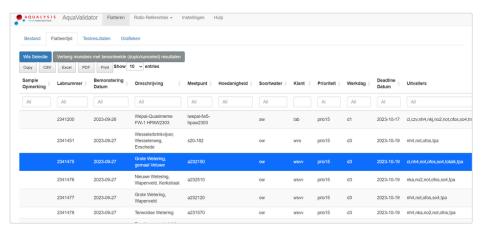
Testresultaten duplo/cancelen

Testresultaten beoordelen werkt een beetje anders omdat dit moet gebeuren voor individuele testen i.p.v. het gehele monster. Hierdoor kan het alleen in de testresultaten tabel en alleen in de laatste indeling waarbij ieder resultaat in zijn eigen rij staat. Net als dat je monsters selecteert in de fiatteerlijst is het mogelijk om hier resultaten te selecteren:

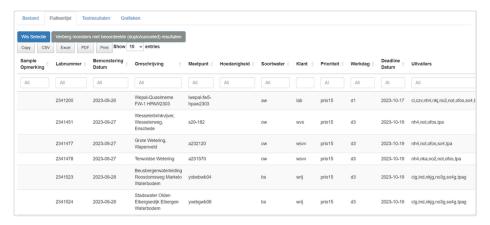


Om resultaat in duplo te zetten of te cancelen selecteer je de rij met het verdachte resultaat en klik je op de gewilde knop, het resultaat wordt dan ook weggeschreven. In tegenstelling tot valideren wordt het sample na deze beoordeling resultaten niet automatisch uit de fiatteerlijst gehaald. Het is namelijk goed mogelijk dat je bijvoorbeeld een resultaat wil cancelen en een ander resultaat van hetzelfde sample in duplo wilt zetten. Dan wil je niet dat het sample na de eerste beoordeling al wordt verwijderd.

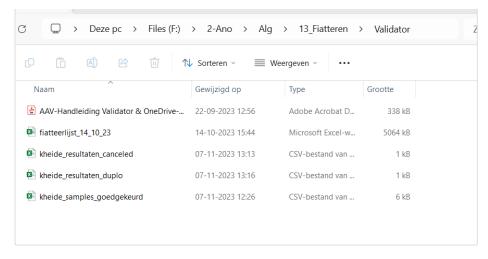
Het is natuurlijk wel nodig om, wanneer je klaar bent met alle resultaten beoordelen, dit sample te kunnen verbergen uit de fiatteerlijst om het overzichtelijk te houden. Dit kan door terug naar de fiatteerlijst te gaan en (bovenaan) op de "verberg monsters" knop te klikken:



Dit verbergt alle monsters waarvoor je resultaten hebt beoordeeld (in dit voorbeeld 2341475 en 2341476):



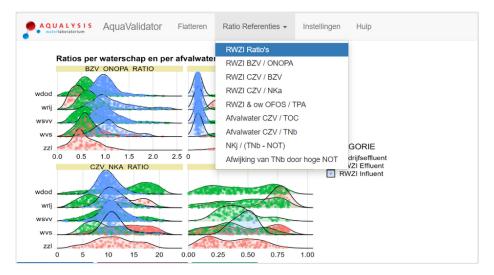
Al deze gevalideerde samples, gecancelde of duplo gezette resultaten worden, inclusief toegevoegd commentaar, weggeschreven in hun eigen Excel bestand in de Validator map onder 13_Fiatteren:



De validator kan dus (nog) niet direct een opdracht geven voor een duplo etc. Dit moet voor nu nog gebeuren via QM maar deze bestanden kunnen alvast gebruikt worden om je eigen keuzes bij te houden.

Referenties

Om een idee te geven van "normale" ratio's staan er een aantal grafieken onder Ratio Referenties:



Deze voorbeeld ratio's zijn berekend over alle samples uit het eerste halfjaar van 2023 (behalve CZV / TOC die berekend is met alle samples vanaf 2020)

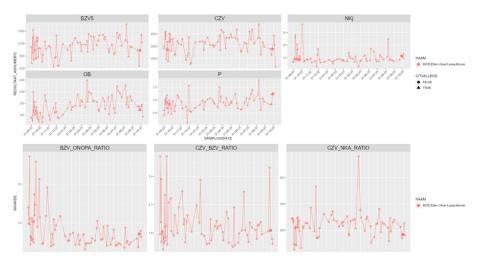
Ratio's die niet veel bij RWZI's voorkomen (CZV / TOC en CZV / TNb) worden alleen per waterschap getoond. Ratio's die veel bij RWZI's voorkomen zijn verder opgesplitst om eventuele verschillen tussen influent en effluent te tonen (al is dit niet 100% nauwkeurig!). Voor OFOS / TPA laten we ook de ratio verdeling voor oppervlaktewater zien.

Instellingen

Op dit moment is er eigenlijk maar 1 relevante instelling: hoeveel samples moeten er worden getoond als je meer historische samples tijdens het fiatteren wilt zien? Standaard staat dit op 10:



Als voorbeeld: zetten we dit naar 100 dan zien de grafieken van RWZI Etten influent papierfabriek er zo uit:



Onder "input" staan nog instellingen voor eventuele andere namen van het inputbestand.