**use case-ek word változatai – 32-35.**

# LISTA

32. számú use case – Gombatest sikeres spórakilövése szomszédos tektonra

33. számú use case – Gombatest sikeres spórakilövése szomszédos tekton szomszédjára

34. számú use case – Gombatest sikertelen spórakilövése szomszédos tekton szomszédjára

35. számú use case – Gombatest sikertelen spórakilövése szomszédos tekton szomszédjánál távolabb lévő tektonra

# 32. számú use case – Gombatest sikeres spórakilövése szomszédos tektonra

|  |  |
| --- | --- |
| **Use-case neve** | Gombatest sikeres spórakilövése szomszédos tektonra |
| **Rövid leírás** | A FertileTectonon lévő MB gombatest A FertileTectonnal szomszédos B FertileTectonra kilövi a spóráit. |
| **Aktorok** | Tesztelő |
| **Alapállapot** | Létezik A és B FertileTecton, amelyek szomszédosak egymással. A FertileTectonon található MB gombatest. |
| **Bemenet** | Meghívódik az MB.ejectSpores(B) metódus. |
| **Kommunikációs diagram** | xxx. sz. kommunikációs diagram |
| **Forgatókönyv** | 1. MB gombatest utasítást kap, hogy lője ki a spóráit B FertileTectonra. 2. MB gombatest utasítására A FertileTecton kiszámolja, hogy milyen messze van tőle B FertileTecton. 3. MB gombatest a még megmaradt spórakilövéseinek száma és a tektontávolság alapján meghatározza, hogy el tud-e lőni B FertileTectonra. 4. Mivel MB gombatest a vizsgálat eredményeként el tud lőni B FertileTectonra és még maradt spórakilövése, MB gombatest utasítására B FertileTecton az MB gombatest által kilőtt spórákat hozzáadja a rajta (B FertileTectonon) lévő spórák listájához.  * azt h A leveszi a spóralistájából a kilőtt spórákat, ne írjuk ide? |
| **Kimenet (a szkeleton kezelői felületének terve, dialógusok)** | Tesztelő  =ejectSpores(B: FertileTecton) => MB: MushroomBody  MB: MushroomBody  =distance(B: FertileTecton) => A: FertileTecton  <= distance:int =MB: MushroomBody  =transferSpores(mushroomSpores) => B: FertileTecton |

# 33. számú use case – Gombatest sikeres spórakilövése szomszédos tekton szomszédjára

|  |  |
| --- | --- |
| **Use-case neve** | Gombatest sikeres spórakilövése szomszédos tekton szomszédjára |
| **Rövid leírás** | A FertileTectonon lévő MB gombatest A FertileTectonnal szomszédos tektonjával (B FertileTecton) szomszédos C FertileTectonra kilövi a spóráit. |
| **Aktorok** | Tesztelő |
| **Alapállapot** | Létezik A és C FertileTecton. Mindketten szomszédosak egy harmadik tektonnal (B FertileTecton), de egymásnak nem szomszédai. A FertileTectonon található MB gombatest. |
| **Bemenet** | Meghívódik az MB.ejectSpores(B) metódus. |
| **Kommunikációs diagram** | xxx. sz. kommunikációs diagram |
| **Forgatókönyv** | 1. MB gombatest utasítást kap, hogy lője ki a spóráit C FertileTectonra. 2. MB gombatest utasítására A FertileTecton kiszámolja, hogy milyen messze van tőle C FertileTecton. 3. MB gombatest a még megmaradt spórakilövéseinek száma és a tektontávolság alapján meghatározza, hogy el tud-e lőni C FertileTectonra. 4. Mivel MB gombatest a vizsgálat eredményeként el tud lőni C FertileTectonra és még maradt spórakilövése, MB gombatest utasítására C FertileTecton az MB gombatest által kilőtt spórákat hozzáadja a rajta (C FertileTectonon) lévő spórák listájához.  * azt h A leveszi a spóralistájából a kilőtt spórákat, ne írjuk ide? |
| **Kimenet (a szkeleton kezelői felületének terve, dialógusok)** | Tesztelő  =ejectSpores(C: FertileTecton) => MB: MushroomBody  MB: MushroomBody  =distance(C: FertileTecton) => A: FertileTecton  <= distance:int =MB: MushroomBody  =transferSpores(mushroomSpores) => C: FertileTecton |

# 34. számú use case – Gombatest sikertelen spórakilövése szomszédos tekton szomszédjára

|  |  |
| --- | --- |
| **Use-case neve** | Gombatest sikertelen spórakilövése szomszédos tekton szomszédjára |
| **Rövid leírás** | A tectonon MB gombatest, C A szomszédjával szomszédos tectonra kilőné spóráit, de nem tudja, mert nem utolsó kilövése |
| **Aktorok** | Tesztelő |
| **Alapállapot** | Létezik A,B,C és D tektonok, ezek szomszédosak a következő képpen: A-B-C-D. A-n van egy MB MushroomBody |
| **Bemenet** | A köv. Metódus hivódik meg: MB.ejectSpores(C) |
| **Kommunikációs diagram** | xxx. sz. kommunikációs diagram |
| **Forgatókönyv** | 1. MB jelet kap hogy lője ki spóráit C-re 2. A kiszámolja hogy C milyen messze van tőle 3. Eldönti hogy tud e lőni oda (mennyi lövése maradt, milyen messze van) 4. Nem tud oda lőni, mert nem utolsó lövése, C viszont szomszédjának szomszédja  * itt meg kellene határozni, hogy hány lövése van még a gombatestnek * azt is bele kellene írni h a 2. pontban minek a hatására számolja ki az A tekton a távolságot * fölöslegesen beszélünk D tektonról itt * Honnan tudja A tekton h C a szomszédja szomszédja, ha nem vesszük bele a szekvenciadiagramba a B-t? * hogy ne legyen absztrakt, beírnám azt h fertiletekton a leírásba |
| **Kimenet (a szkeleton kezelői felületének terve, dialógusok)** | Tesztelő  =ejectSpores(C: FertileTecton) => MB: MushroomBody  MB: MushroomBody  =distance(C: FertileTecton) => A: FertileTecton  <= distance:int =MB: MushroomBody |

# 35. számú use case – Gombatest sikertelen spórakilövése szomszédos tekton szomszédjánál távolabb lévő tektonra

|  |  |
| --- | --- |
| **Use-case neve** | Gombatest sikertelen spórakilövése szomszédos tekton szomszédjánál távolabb lévő tektonra |
| **Rövid leírás** | A tectonon MB gombatest, D-re , azaz A-tól 3ra lévő tectonra kilőné spóráit, de nem tudja, mert túl messze van |
| **Aktorok** | Tesztelő |
| **Alapállapot** | Létezik A,B,C és D tektonok, ezek szomszédosak a következő képpen: A-B-C-D. A-n van egy MB MushroomBody |
| **Bemenet** | A köv. Metódus hivódik meg: MB.ejectSpores(D) |
| **Kommunikációs diagram** | xxx. sz. kommunikációs diagram |
| **Forgatókönyv** | 1. MB jelet kap hogy lője ki spóráit D-re 2. A kiszámolja hogy D milyen messze van tőle 3. Eldönti hogy tud e lőni oda (mennyi lövése maradt, milyen messze van) 4. Nem tud oda lőni, mert túl messze van  * itt meg kellene határozni, hogy hány lövése van még a gombatestnek * azt is bele kellene írni h a 2. pontban minek a hatására számolja ki az A tekton a távolságot * Honnan tudja A tekton h D túl messze van, ha nem vesszük bele a többi tektont a szekvenciadiagramba? * hogy ne legyen absztrakt, beírnám azt h fertiletekton a leírásba |
| **Kimenet (a szkeleton kezelői felületének terve, dialógusok)** | Tesztelő  =ejectSpores(D: FertileTecton) => MB: MushroomBody  MB: MushroomBody  =distance(D: FertileTecton) => A: FertileTecton  <= distance:int =MB: MushroomBody |