CRYST1   45.900   40.700   30.100  90.00  90.00  90.00 P 21 21 21    4  
SCALE1      0.021786  0.000000  0.000000        0.00000  
SCALE2      0.000000  0.024570  0.000000        0.00000  
SCALE3      0.000000  0.000000  0.033223        0.00000  
ATOM      1  N   VAL A   1      -5.066   0.058  13.305  1.00 10.48           N  
ATOM      2  CA  VAL A   1      -4.754   0.599  11.939  1.00  9.55           C  
ATOM      3  C   VAL A   1      -3.621   1.579  12.121  1.00  8.44           C  
ATOM      4  O   VAL A   1      -3.354   2.058  13.220  1.00 10.62           O  
ATOM      5  CB  VAL A   1      -5.946   1.219  11.203  1.00 11.65           C  
ATOM      6  CG1 VAL A   1      -6.989   0.144  10.973  1.00 14.01           C  
ATOM      7  CG2 VAL A   1      -6.494   2.382  11.998  1.00 14.59           C  
ATOM      8  HA  VAL A   1      -4.445  -0.173  11.377  1.00  9.24           H  
ATOM      9  HB  VAL A   1      -5.635   1.553  10.313  1.00 12.82           H  
ATOM     10 HG11 VAL A   1      -6.562  -0.683  10.608  1.00 12.60           H  
ATOM     11 HG12 VAL A   1      -7.432  -0.078  11.843  1.00 13.43           H  
ATOM     12 HG13 VAL A   1      -7.672   0.473  10.319  1.00 13.62           H  
ATOM     13 HG21 VAL A   1      -5.771   3.050  12.171  1.00 12.34           H  
ATOM     14 HG22 VAL A   1      -7.232   2.828  11.491  1.00 13.21           H  
ATOM     15 HG23 VAL A   1      -6.850   2.060  12.878  1.00 12.98           H  
ATOM     16  N   LYS A   2      -2.935   1.920  11.013  1.00  6.92           N  
ATOM     17  CA  LYS A   2      -1.807   2.822  11.065  1.00  7.47           C  
ATOM     18  C   LYS A   2      -1.672   3.493   9.703  1.00  6.83           C  
ATOM     19  O   LYS A   2      -2.140   3.055   8.683  1.00  8.35           O  
ATOM     20  CB  LYS A   2      -0.538   2.074  11.385  1.00  9.16           C  
ATOM     21  CG  LYS A   2      -0.119   1.073  10.366  1.00 10.06           C  
ATOM     22  CD  LYS A   2       1.304   0.595  10.669  1.00 11.74           C  
ATOM     23  CE  LYS A   2       1.581  -0.556   9.740  1.00 10.06           C  
ATOM     24  NZ  LYS A   2       3.015  -0.908   9.879  1.00  8.92           N  
ATOM     25  H   LYS A   2      -3.165   1.526  10.232  1.00  5.81           H  
ATOM     26  HA  LYS A   2      -1.949   3.519  11.765  1.00  7.81           H  
ATOM     27  HB2 LYS A   2       0.091   2.867  11.370  1.00 10.15           H  
ATOM     28  HB3 LYS A   2      -0.758   1.733  12.111  1.00  9.50           H  
ATOM     29  HG2 LYS A   2      -0.891   0.464  10.320  1.00  9.57           H  
ATOM     30  HG3 LYS A   2      -0.300   1.665   9.384  1.00 10.98           H  
ATOM     31  HD2 LYS A   2       1.619   1.595  10.431  1.00 11.50           H  
ATOM     32  HD3 LYS A   2       1.034   0.564  11.537  1.00 10.74           H  
ATOM     33  HE2 LYS A   2       0.649  -0.993  10.067  1.00 10.68           H  
ATOM     34  HE3 LYS A   2       1.009   0.046   8.852  1.00 11.74           H  
ATOM     35  N   ASP A   3      -0.952   4.628   9.700  1.00  7.14           N  
ATOM     36  CA  ASP A   3      -0.648   5.350   8.487  1.00  6.46           C  
ATOM     37  C   ASP A   3       0.840   5.242   8.160  1.00  6.67           C  
ATOM     38  O   ASP A   3       1.633   5.085   9.122  1.00 10.11           O  
ATOM     39  CB  ASP A   3      -0.937   6.855   8.655  1.00  7.90           C  
ATOM     40  CG  ASP A   3      -2.359   7.175   9.091  1.00  7.51           C  
ATOM     41  OD1 ASP A   3      -3.280   6.409   8.885  1.00  8.12           O  
ATOM     42  OD2 ASP A   3      -2.501   8.311   9.661  1.00 11.17           O  
ATOM     43  H   ASP A   3      -0.590   4.929  10.481  1.00  7.42           H  
ATOM     44  HA  ASP A   3      -1.175   5.018   7.714  1.00  6.30           H  
ATOM     45  HB2 ASP A   3      -0.481   7.354   9.398  1.00  6.94           H  
ATOM     46  HB3 ASP A   3      -0.995   7.225   7.841  1.00  6.91           H  
ATOM     47  N   GLY A   4       1.236   5.367   6.913  1.00  6.14           N  
ATOM     48  CA  GLY A   4       2.647   5.435   6.627  1.00  6.31           C  
ATOM     49  C   GLY A   4       2.997   5.084   5.190  1.00  4.99           C  
ATOM     50  O   GLY A   4       2.152   4.860   4.320  1.00  5.76           O  
ATOM     51  H   GLY A   4       0.609   5.547   6.283  1.00  6.31           H  
ATOM     52  HA2 GLY A   4       3.003   6.350   6.823  1.00  6.64           H  
ATOM     53  HA3 GLY A   4       2.991   4.779   7.245  1.00  6.51           H  
ATOM     54  N   TYR A   5       4.317   5.073   4.948  1.00  5.33           N  
ATOM     55  CA  TYR A   5       4.851   4.743   3.624  1.00  4.88           C  
ATOM     56  C   TYR A   5       4.902   3.253   3.458  1.00  5.26           C  
ATOM     57  O   TYR A   5       5.649   2.562   4.175  1.00  6.74           O  
ATOM     58  CB  TYR A   5       6.255   5.298   3.473  1.00  6.57           C  
ATOM     59  CG  TYR A   5       6.326   6.818   3.470  1.00  6.43           C  
ATOM     60  CD1 TYR A   5       6.072   7.532   2.327  1.00  6.86           C  
ATOM     61  CD2 TYR A   5       6.707   7.508   4.619  1.00  8.95           C  
ATOM     62  CE1 TYR A   5       6.177   8.928   2.319  1.00  7.54           C  
ATOM     63  CE2 TYR A   5       6.799   8.889   4.612  1.00  9.94           C  
ATOM     64  CZ  TYR A   5       6.552   9.573   3.449  1.00  8.27           C  
ATOM     65  OH  TYR A   5       6.666  10.964   3.420  1.00 11.48           O  
ATOM     66  H   TYR A   5       4.903   5.254   5.609  1.00  6.40           H  
ATOM     67  HA  TYR A   5       4.269   5.156   2.926  1.00  3.98           H  
ATOM     68  HB2 TYR A   5       6.829   5.157   4.338  1.00  7.29           H  
ATOM     69  HB3 TYR A   5       6.636   5.284   2.500  1.00  6.95           H  
ATOM     70  HD1 TYR A   5       5.810   7.066   1.498  1.00  7.38           H  
ATOM     71  HD2 TYR A   5       6.909   7.009   5.443  1.00  8.06           H  
ATOM     72  HE1 TYR A   5       5.982   9.411   1.478  1.00  7.72           H  
ATOM     73  HE2 TYR A   5       7.078   9.369   5.428  1.00  9.41           H  
ATOM     74  N   ILE A   6       4.167   2.716   2.493  1.00  5.46           N  
ATOM     75  CA  ILE A   6       4.155   1.272   2.239  1.00  5.71           C  
ATOM     76  C   ILE A   6       5.483   0.860   1.615  1.00  5.21           C  
ATOM     77  O   ILE A   6       6.110   1.571   0.867  1.00  6.17           O  
ATOM     78  CB  ILE A   6       2.955   0.878   1.372  1.00  5.71           C  
ATOM     79  CG1 ILE A   6       2.766   1.753   0.138  1.00  6.22           C  
ATOM     80  CG2 ILE A   6       1.728   0.823   2.290  1.00  7.79           C  
ATOM     81  CD1 ILE A   6       1.771   1.190  -0.861  1.00  7.79           C  
ATOM     82  H   ILE A   6       3.650   3.253   1.978  1.00  7.48           H  
ATOM     83  HA  ILE A   6       4.062   0.801   3.117  1.00  6.00           H  
ATOM     84  HB  ILE A   6       3.105  -0.064   1.049  1.00  5.59           H  
ATOM     85 HG12 ILE A   6       2.455   2.656   0.426  1.00  7.75           H  
ATOM     86 HG13 ILE A   6       3.646   1.847  -0.327  1.00  7.73           H  
ATOM     87 HG21 ILE A   6       1.693   1.663   2.825  1.00  5.87           H  
ATOM     88 HG22 ILE A   6       0.909   0.726   1.727  1.00  7.70           H  
ATOM     89 HG23 ILE A   6       1.814   0.037   2.900  1.00  7.19           H  
ATOM     90 HD11 ILE A   6       2.075   0.281  -1.143  1.00  6.41           H  
ATOM     91 HD12 ILE A   6       0.885   1.098  -0.401  1.00  5.67           H  
ATOM     92 HD13 ILE A   6       1.693   1.807  -1.637  1.00  5.94           H  
ATOM     93  N   VAL A   7       5.886  -0.382   1.947  1.00  6.14           N  
ATOM     94  CA  VAL A   7       7.128  -0.945   1.406  1.00  6.04           C  
ATOM     95  C   VAL A   7       6.943  -2.384   0.982  1.00  7.64           C  
ATOM     96  O   VAL A   7       5.968  -3.045   1.368  1.00 10.22           O  
ATOM     97  CB  VAL A   7       8.256  -0.913   2.455  1.00  6.28           C  
ATOM     98  CG1 VAL A   7       8.703   0.534   2.700  1.00  7.69           C  
ATOM     99  CG2 VAL A   7       7.893  -1.608   3.748  1.00  9.21           C  
ATOM    100  H   VAL A   7       5.394  -0.882   2.516  1.00  5.83           H  
ATOM    101  HA  VAL A   7       7.427  -0.395   0.629  1.00  6.14           H  
ATOM    102  HB  VAL A   7       9.045  -1.388   2.051  1.00  8.44           H  
ATOM    103 HG11 VAL A   7       8.963   0.942   1.828  1.00  6.71           H  
ATOM    104 HG12 VAL A   7       7.959   1.035   3.136  1.00  7.61           H  
ATOM    105 HG13 VAL A   7       9.500   0.521   3.305  1.00  8.32           H  
ATOM    106 HG21 VAL A   7       7.066  -1.188   4.132  1.00  8.98           H  
ATOM    107 HG22 VAL A   7       7.707  -2.575   3.577  1.00  8.48           H  
ATOM    108 HG23 VAL A   7       8.628  -1.512   4.417  1.00  8.03           H  
ATOM    109  N   ASP A   8       7.852  -2.885   0.152  1.00  7.09           N  
ATOM    110  CA  ASP A   8       7.938  -4.294  -0.248  1.00  8.72           C  
ATOM    111  C   ASP A   8       8.572  -5.038   0.949  1.00  9.52           C  
ATOM    112  O   ASP A   8       8.789  -4.536   2.050  1.00 11.28           O  
ATOM    113  CB  ASP A   8       8.682  -4.497  -1.547  1.00  9.20           C  
ATOM    114  CG  ASP A   8      10.134  -4.140  -1.565  1.00  8.76           C  
ATOM    115  OD1 ASP A   8      10.659  -3.821  -0.483  1.00  8.60           O  
ATOM    116  OD2 ASP A   8      10.724  -4.160  -2.677  1.00 11.48           O  
ATOM    117  H   ASP A   8       8.576  -2.374  -0.064  1.00  7.37           H  
ATOM    118  HA  ASP A   8       7.004  -4.640  -0.355  1.00  8.76           H  
ATOM    119  HB2 ASP A   8       8.783  -5.429  -1.932  1.00 11.02           H  
ATOM    120  HB3 ASP A   8       8.414  -3.878  -2.151  1.00  9.93           H  
ATOM    121  N   ASP A   9       8.899  -6.313   0.690  1.00 11.28           N  
ATOM    122  CA  ASP A   9       9.454  -7.193   1.726  1.00 12.55           C  
ATOM    123  C   ASP A   9      10.865  -6.855   2.068  1.00 11.43           C  
ATOM    124  O   ASP A   9      11.365  -7.556   2.999  1.00 13.87           O  
ATOM    125  CB  ASP A   9       9.308  -8.657   1.265  1.00 15.17           C  
ATOM    126  CG AASP A   9      10.198  -9.003   0.070  0.50 15.80           C  
ATOM    127  CG BASP A   9       7.851  -9.100   1.119  0.50 16.40           C  
ATOM    128  OD1AASP A   9      10.052  -8.373  -1.046  0.50 16.38           O  
ATOM    129  OD1BASP A   9       7.259  -9.001  -0.022  0.50 17.40           O  
ATOM    130  H   ASP A   9       8.726  -6.667  -0.124  1.00 10.19           H  
ATOM    131  HA  ASP A   9       8.871  -7.111   2.540  1.00 11.74           H  
ATOM    132  N   VAL A  10      11.539  -5.980   1.374  1.00  9.91           N  
ATOM    133  CA  VAL A  10      12.916  -5.644   1.707  1.00  9.59           C  
ATOM    134  C   VAL A  10      13.068  -4.144   2.043  1.00  8.31           C  
ATOM    135  O   VAL A  10      14.076  -3.570   1.917  1.00  9.49           O  
ATOM    136  CB  VAL A  10      13.932  -6.097   0.625  1.00 11.34           C  
ATOM    137  CG1 VAL A  10      13.984  -7.617   0.485  1.00 12.92           C  
ATOM    138  CG2 VAL A  10      13.668  -5.443  -0.718  1.00 11.98           C  
ATOM    139  H   VAL A  10      11.101  -5.542   0.712  1.00 11.86           H  
ATOM    140  HA  VAL A  10      13.166  -6.150   2.538  1.00 10.56           H  
ATOM    141  HB  VAL A  10      14.839  -5.794   0.932  1.00 12.16           H  
ATOM    142 HG11 VAL A  10      13.471  -8.039   1.230  1.00 10.60           H  
ATOM    143 HG12 VAL A  10      13.580  -7.880  -0.391  1.00 11.92           H  
ATOM    144 HG13 VAL A  10      14.939  -7.914   0.517  1.00 12.18           H  
ATOM    145 HG21 VAL A  10      12.726  -5.099  -0.747  1.00 12.95           H  
ATOM    146 HG22 VAL A  10      14.307  -4.684  -0.851  1.00 12.37           H  
ATOM    147 HG23 VAL A  10      13.794  -6.112  -1.453  1.00 12.48           H  
ATOM    148  N   ASN A  11      11.936  -3.517   2.483  1.00  6.94           N  
ATOM    149  CA  ASN A  11      11.940  -2.158   2.979  1.00  6.66           C  
ATOM    150  C   ASN A  11      12.096  -1.088   1.929  1.00  6.99           C  
ATOM    151  O   ASN A  11      12.527   0.005   2.272  1.00  7.58           O  
ATOM    152  CB  ASN A  11      12.986  -2.002   4.112  1.00  8.06           C  
ATOM    153  CG  ASN A  11      12.724  -0.798   5.024  1.00  7.55           C  
ATOM    154  OD1 ASN A  11      11.592  -0.560   5.466  1.00  7.69           O  
ATOM    155  ND2 ASN A  11      13.780  -0.071   5.346  1.00  8.58           N  
ATOM    156  H   ASN A  11      11.194  -4.035   2.608  1.00  6.56           H  
ATOM    157  HA  ASN A  11      11.064  -2.020   3.461  1.00  7.76           H  
ATOM    158  HB2 ASN A  11      12.917  -2.580   4.708  1.00  6.72           H  
ATOM    159  HB3 ASN A  11      13.819  -1.765   3.878  1.00  8.07           H  
ATOM    160 HD21 ASN A  11      13.690   0.656   5.873  1.00  9.31           H  
ATOM    161 HD22 ASN A  11      14.592  -0.272   4.998  1.00  9.08           H  
ATOM    162  N  ACYS A  12      11.777  -1.274   0.601  0.55  4.97           N  
ATOM    163  N  BCYS A  12      11.503  -1.503   0.812  0.45  6.18           N  
ATOM    164  CA ACYS A  12      11.811  -0.298  -0.455  0.55  4.86           C  
ATOM    165  CA BCYS A  12      11.623  -0.484  -0.262  0.45  5.73           C  
ATOM    166  C  ACYS A  12      10.387   0.251  -0.721  0.55  5.05           C  
ATOM    167  C  BCYS A  12      10.271   0.199  -0.506  0.45  5.40           C  
ATOM    168  O  ACYS A  12       9.398  -0.462  -0.917  0.55  4.07           O  
ATOM    169  O  BCYS A  12       9.280  -0.529  -0.459  0.45  4.20           O  
ATOM    170  CB ACYS A  12      12.294  -0.762  -1.828  0.55  4.66           C  
ATOM    171  CB BCYS A  12      12.078  -1.246  -1.516  0.45  6.36           C  
ATOM    172  SG ACYS A  12      13.992  -0.380  -2.264  0.55  5.98           S  
ATOM    173  SG BCYS A  12      13.700  -2.026  -1.379  0.45  8.67           S  
ATOM    174  H  ACYS A  12      11.436  -2.114   0.459  0.55  5.76           H  
ATOM    175  HA ACYS A  12      12.376   0.488  -0.196  0.55  3.86           H  
ATOM    176  HB2ACYS A  12      12.185  -1.761  -1.662  0.55  4.70           H  
ATOM    177  HB3ACYS A  12      11.747  -0.345  -2.289  0.55  5.77           H  
ATOM    178  N   THR A  13      10.311   1.539  -0.709  1.00  5.86           N  
ATOM    179  CA  THR A  13       9.068   2.293  -0.965  1.00  5.13           C  
ATOM    180  C   THR A  13       8.609   2.174  -2.402  1.00  5.25           C  
ATOM    181  O   THR A  13       9.341   1.771  -3.313  1.00  6.23           O  
ATOM    182  CB  THR A  13       9.250   3.761  -0.538  1.00  6.35           C  
ATOM    183  OG1 THR A  13      10.462   4.274  -1.095  1.00  7.34           O  
ATOM    184  CG2 THR A  13       9.324   3.905   0.971  1.00  7.16           C  
ATOM    185  H   THR A  13      11.045   2.076  -0.592  1.00  5.64           H  
ATOM    186  HA  THR A  13       8.366   1.913  -0.360  1.00  4.07           H  
ATOM    187  HB  THR A  13       8.473   4.289  -0.889  1.00  6.78           H  
ATOM    188  HG1 THR A  13      10.361   4.477  -1.909  1.00  2.00           H  
ATOM    189 HG21 THR A  13       9.667   3.055   1.371  1.00  8.49           H  
ATOM    190 HG22 THR A  13       9.932   4.658   1.213  1.00  9.25           H  
ATOM    191 HG23 THR A  13       8.405   4.065   1.335  1.00  9.16           H  
ATOM    192  N   TYR A  14       7.335   2.541  -2.624  1.00  5.10           N  
ATOM    193  CA  TYR A  14       6.674   2.496  -3.919  1.00  5.49           C  
ATOM    194  C   TYR A  14       6.840   3.831  -4.650  1.00  5.79           C  
ATOM    195  O   TYR A  14       6.256   4.851  -4.232  1.00  6.57           O  
ATOM    196  CB  TYR A  14       5.179   2.245  -3.759  1.00  6.12           C  
ATOM    197  CG  TYR A  14       4.707   0.851  -3.440  1.00  6.53           C  
ATOM    198  CD1 TYR A  14       5.061   0.208  -2.279  1.00  6.97           C  
ATOM    199  CD2 TYR A  14       3.808   0.243  -4.300  1.00  8.46           C  
ATOM    200  CE1 TYR A  14       4.563  -1.057  -1.978  1.00  8.39           C  
ATOM    201  CE2 TYR A  14       3.274  -0.998  -3.988  1.00 10.40           C  
ATOM    202  CZ  TYR A  14       3.660  -1.621  -2.837  1.00  8.75           C  
ATOM    203  OH  TYR A  14       3.108  -2.870  -2.523  1.00 13.02           O  
ATOM    204  H   TYR A  14       6.834   2.811  -1.915  1.00  6.25           H  
ATOM    205  HA  TYR A  14       7.058   1.764  -4.476  1.00  6.41           H  
ATOM    206  HB2 TYR A  14       4.810   2.689  -2.878  1.00  5.53           H  
ATOM    207  HB3 TYR A  14       4.642   2.216  -4.656  1.00  7.27           H  
ATOM    208  HD1 TYR A  14       5.689   0.639  -1.651  1.00  8.06           H  
ATOM    209  HD2 TYR A  14       3.505   0.696  -5.124  1.00  7.44           H  
ATOM    210  HE1 TYR A  14       4.820  -1.503  -1.140  1.00  8.58           H  
ATOM    211  HE2 TYR A  14       2.636  -1.430  -4.607  1.00  9.70           H  
ATOM    212  N   PHE A  15       7.615   3.844  -5.714  1.00  6.18           N  
ATOM    213  CA  PHE A  15       7.753   5.017  -6.574  1.00  6.16           C  
ATOM    214  C   PHE A  15       6.395   5.378  -7.150  1.00  5.56           C  
ATOM    215  O   PHE A  15       5.604   4.519  -7.468  1.00  7.91           O  
ATOM    216  CB  PHE A  15       8.752   4.691  -7.717  1.00  8.04           C  
ATOM    217  CG  PHE A  15       8.811   5.858  -8.665  1.00  9.61           C  
ATOM    218  CD1 PHE A  15       9.547   6.984  -8.325  1.00 11.72           C  
ATOM    219  CD2 PHE A  15       8.072   5.871  -9.823  1.00 11.57           C  
ATOM    220  CE1 PHE A  15       9.531   8.120  -9.145  1.00 13.48           C  
ATOM    221  CE2 PHE A  15       8.038   7.002 -10.634  1.00 13.05           C  
ATOM    222  CZ  PHE A  15       8.770   8.118 -10.279  1.00 13.51           C  
ATOM    223  H   PHE A  15       7.977   3.062  -6.006  1.00  7.88           H  
ATOM    224  HA  PHE A  15       8.144   5.761  -6.051  1.00  5.06           H  
ATOM    225  HB2 PHE A  15       9.738   4.752  -7.378  1.00  8.83           H  
ATOM    226  HB3 PHE A  15       8.356   4.099  -8.473  1.00  8.18           H  
ATOM    227  HD1 PHE A  15      10.063   7.004  -7.486  1.00 11.05           H  
ATOM    228  HD2 PHE A  15       7.515   5.092 -10.059  1.00 11.21           H  
ATOM    229  HE1 PHE A  15      10.070   8.899  -8.886  1.00 11.96           H  
ATOM    230  HE2 PHE A  15       7.510   6.988 -11.466  1.00 13.03           H  
ATOM    231  HZ  PHE A  15       8.789   8.899 -10.885  1.00 13.63           H  
ATOM    232  N   CYS A  16       6.165   6.679  -7.332  1.00  6.10           N  
ATOM    233  CA  CYS A  16       4.916   7.132  -7.901  1.00  5.65           C  
ATOM    234  C   CYS A  16       5.095   8.504  -8.553  1.00  6.13           C  
ATOM    235  O   CYS A  16       6.005   9.231  -8.253  1.00  7.35           O  
ATOM    236  CB  CYS A  16       3.857   7.235  -6.794  1.00  6.05           C  
ATOM    237  SG  CYS A  16       4.339   8.344  -5.401  1.00  5.83           S  
ATOM    238  H   CYS A  16       6.796   7.284  -7.090  1.00  5.28           H  
ATOM    239  HA  CYS A  16       4.581   6.479  -8.572  1.00  5.68           H  
ATOM    240  HB2 CYS A  16       3.151   7.713  -7.341  1.00  7.72           H  
ATOM    241  HB3 CYS A  16       3.840   6.451  -6.561  1.00  7.60           H  
ATOM    242  N   GLY A  17       4.113   8.823  -9.417  1.00  7.53           N  
ATOM    243  CA  GLY A  17       3.942  10.152  -9.973  1.00  8.90           C  
ATOM    244  C   GLY A  17       2.535  10.693  -9.740  1.00  9.99           C  
ATOM    245  O   GLY A  17       2.387  11.926  -9.600  1.00 16.17           O  
ATOM    246  H   GLY A  17       3.420   8.244  -9.536  1.00  6.44           H  
ATOM    247  HA2 GLY A  17       4.604  10.777  -9.565  1.00  9.04           H  
ATOM    248  HA3 GLY A  17       4.107   9.982 -10.905  1.00  8.81           H  
ATOM    249  N   ARG A  18       1.558   9.847  -9.618  1.00  9.44           N  
ATOM    250  CA  ARG A  18       0.163  10.300  -9.501  1.00  9.26           C  
ATOM    251  C   ARG A  18      -0.498   9.862  -8.231  1.00  7.87           C  
ATOM    252  O   ARG A  18      -0.307   8.714  -7.772  1.00  8.29           O  
ATOM    253  CB  ARG A  18      -0.666   9.718 -10.643  1.00 12.70           C  
ATOM    254  CG  ARG A  18      -0.267  10.158 -12.033  1.00 15.30           C  
ATOM    255  CD  ARG A  18      -1.116   9.474 -13.101  0.50 17.35           C  
ATOM    256  NE  ARG A  18      -1.042   8.024 -13.088  0.50 20.10           N  
ATOM    257  CZ  ARG A  18       0.049   7.280 -13.213  0.50 21.11           C  
ATOM    258  NH1 ARG A  18       1.237   7.847 -13.407  0.50 22.58           N  
ATOM    259  NH2 ARG A  18      -0.022   5.960 -13.116  0.50 22.13           N  
ATOM    260  H   ARG A  18       1.711   8.961  -9.758  1.00 10.73           H  
ATOM    261  HA  ARG A  18       0.164  11.294  -9.595  1.00 10.02           H  
ATOM    262  HB2 ARG A  18      -0.768   8.627 -11.036  1.00 12.20           H  
ATOM    263  HB3 ARG A  18      -1.728  10.048 -11.045  1.00 12.57           H  
ATOM    264  HG2 ARG A  18      -0.628  11.026 -12.422  1.00 15.10           H  
ATOM    265  HG3 ARG A  18       0.533   9.983 -12.613  1.00 15.26           H  
ATOM    266  N   ASN A  19      -1.363  10.688  -7.674  1.00  7.55           N  
ATOM    267  CA  ASN A  19      -2.058  10.300  -6.461  1.00  7.40           C  
ATOM    268  C   ASN A  19      -2.966   9.127  -6.651  1.00  7.25           C  
ATOM    269  O   ASN A  19      -3.066   8.242  -5.771  1.00  8.19           O  
ATOM    270  CB  ASN A  19      -2.870  11.496  -5.945  1.00  8.53           C  
ATOM    271  CG  ASN A  19      -1.986  12.577  -5.392  1.00  8.01           C  
ATOM    272  OD1 ASN A  19      -0.840  12.350  -4.997  1.00  8.77           O  
ATOM    273  ND2 ASN A  19      -2.493  13.807  -5.344  1.00  9.73           N  
ATOM    274  H   ASN A  19      -1.496  11.508  -8.038  1.00  9.28           H  
ATOM    275  HA  ASN A  19      -1.383  10.107  -5.742  1.00  8.29           H  
ATOM    276  HB2 ASN A  19      -3.242  11.942  -6.549  1.00  9.64           H  
ATOM    277  HB3 ASN A  19      -3.410  11.378  -5.236  1.00  8.33           H  
ATOM    278 HD21 ASN A  19      -2.015  14.497  -5.013  1.00  8.59           H  
ATOM    279 HD22 ASN A  19      -3.342  13.946  -5.634  1.00  9.35           H  
ATOM    280  N   ALA A  20      -3.650   9.042  -7.798  1.00  7.56           N  
ATOM    281  CA  ALA A  20      -4.590   7.961  -8.024  1.00  8.42           C  
ATOM    282  C   ALA A  20      -3.934   6.593  -8.004  1.00  7.67           C  
ATOM    283  O   ALA A  20      -4.528   5.608  -7.577  1.00  9.18           O  
ATOM    284  CB  ALA A  20      -5.400   8.141  -9.310  1.00 10.15           C  
ATOM    285  H   ALA A  20      -3.557   9.712  -8.399  1.00  7.31           H  
ATOM    286  HA  ALA A  20      -5.275   7.990  -7.285  1.00  9.58           H  
ATOM    287  HB1 ALA A  20      -5.344   9.155  -9.351  1.00  9.26           H  
ATOM    288  HB2 ALA A  20      -4.724   7.766  -9.968  1.00  8.56           H  
ATOM    289  HB3 ALA A  20      -6.077   7.733  -9.078  1.00  8.85           H  
ATOM    290  N   TYR A  21      -2.707   6.534  -8.541  1.00  7.79           N  
ATOM    291  CA  TYR A  21      -1.943   5.282  -8.526  1.00  7.42           C  
ATOM    292  C   TYR A  21      -1.735   4.846  -7.100  1.00  6.57           C  
ATOM    293  O   TYR A  21      -1.952   3.665  -6.735  1.00  7.74           O  
ATOM    294  CB  TYR A  21      -0.619   5.486  -9.259  1.00  8.82           C  
ATOM    295  CG  TYR A  21       0.371   4.360  -9.016  1.00  7.96           C  
ATOM    296  CD1 TYR A  21       0.181   3.112  -9.608  1.00 10.66           C  
ATOM    297  CD2 TYR A  21       1.434   4.494  -8.115  1.00  8.00           C  
ATOM    298  CE1 TYR A  21       1.067   2.075  -9.388  1.00 11.07           C  
ATOM    299  CE2 TYR A  21       2.288   3.453  -7.861  1.00  9.35           C  
ATOM    300  CZ  TYR A  21       2.102   2.262  -8.505  1.00  9.92           C  
ATOM    301  OH  TYR A  21       2.947   1.179  -8.287  1.00 11.91           O  
ATOM    302  H   TYR A  21      -2.307   7.289  -8.829  1.00  8.70           H  
ATOM    303  HA  TYR A  21      -2.457   4.585  -9.027  1.00  6.38           H  
ATOM    304  HB2 TYR A  21      -0.715   5.329 -10.292  1.00  9.31           H  
ATOM    305  HB3 TYR A  21       0.048   6.152  -8.814  1.00  9.61           H  
ATOM    306  HD1 TYR A  21      -0.564   2.998 -10.246  1.00 10.42           H  
ATOM    307  HD2 TYR A  21       1.554   5.364  -7.665  1.00  9.19           H  
ATOM    308  HE1 TYR A  21       0.913   1.210  -9.838  1.00 11.01           H  
ATOM    309  HE2 TYR A  21       3.047   3.565  -7.243  1.00 10.13           H  
ATOM    310  N   CYS A  22      -1.300   5.749  -6.206  1.00  6.13           N  
ATOM    311  CA  CYS A  22      -1.096   5.365  -4.825  1.00  5.88           C  
ATOM    312  C   CYS A  22      -2.396   5.024  -4.126  1.00  5.09           C  
ATOM    313  O   CYS A  22      -2.425   4.122  -3.294  1.00  5.96           O  
ATOM    314  CB  CYS A  22      -0.390   6.501  -4.099  1.00  5.79           C  
ATOM    315  SG  CYS A  22       1.328   6.728  -4.582  1.00  5.43           S  
ATOM    316  H   CYS A  22      -1.149   6.589  -6.503  1.00  7.08           H  
ATOM    317  HA  CYS A  22      -0.484   4.571  -4.798  1.00  6.90           H  
ATOM    318  HB2 CYS A  22      -0.942   7.273  -4.475  1.00  5.61           H  
ATOM    319  HB3 CYS A  22      -0.491   6.247  -3.322  1.00  2.96           H  
ATOM    320  N   ASN A  23      -3.474   5.741  -4.437  1.00  5.53           N  
ATOM    321  CA  ASN A  23      -4.745   5.388  -3.810  1.00  6.14           C  
ATOM    322  C   ASN A  23      -5.070   3.928  -4.112  1.00  6.71           C  
ATOM    323  O   ASN A  23      -5.504   3.201  -3.219  1.00  7.98           O  
ATOM    324  CB  ASN A  23      -5.845   6.337  -4.252  1.00  7.05           C  
ATOM    325  CG  ASN A  23      -7.030   6.210  -3.324  1.00  7.03           C  
ATOM    326  OD1 ASN A  23      -6.971   6.627  -2.180  1.00  9.27           O  
ATOM    327  ND2 ASN A  23      -8.149   5.680  -3.809  1.00 10.16           N  
ATOM    328  H   ASN A  23      -3.407   6.389  -5.060  1.00  6.36           H  
ATOM    329  HA  ASN A  23      -4.657   5.490  -2.819  1.00  5.33           H  
ATOM    330  HB2 ASN A  23      -5.690   7.152  -4.132  1.00  7.10           H  
ATOM    331  HB3 ASN A  23      -6.271   6.199  -5.031  1.00  7.70           H  
ATOM    332 HD21 ASN A  23      -8.881   5.593  -3.291  1.00  9.01           H  
ATOM    333 HD22 ASN A  23      -8.155   5.390  -4.671  1.00  7.43           H  
ATOM    334  N   GLU A  24      -4.881   3.516  -5.341  1.00  7.08           N  
ATOM    335  CA  GLU A  24      -5.136   2.127  -5.742  1.00  7.97           C  
ATOM    336  C   GLU A  24      -4.210   1.172  -5.012  1.00  7.47           C  
ATOM    337  O   GLU A  24      -4.678   0.155  -4.494  1.00  8.46           O  
ATOM    338  CB  GLU A  24      -4.965   1.952  -7.249  1.00 11.82           C  
ATOM    339  CG AGLU A  24      -5.938   2.589  -8.197  0.50 14.37           C  
ATOM    340  CG BGLU A  24      -5.083   0.492  -7.667  0.50 15.77           C  
ATOM    341  CD AGLU A  24      -5.450   2.702  -9.627  0.50 17.13           C  
ATOM    342  CD BGLU A  24      -5.516   0.208  -9.078  0.50 17.79           C  
ATOM    343  OE1AGLU A  24      -4.535   1.980 -10.096  0.50 18.86           O  
ATOM    344  OE1BGLU A  24      -5.560   1.170  -9.874  0.50 19.33           O  
ATOM    345  OE2AGLU A  24      -5.987   3.569 -10.363  0.50 19.96           O  
ATOM    346  OE2BGLU A  24      -5.825  -0.966  -9.404  0.50 19.68           O  
ATOM    347  H   GLU A  24      -4.552   4.086  -5.967  1.00  6.89           H  
ATOM    348  HA  GLU A  24      -6.084   1.908  -5.518  1.00  8.29           H  
ATOM    349  N   GLU A  25      -2.903   1.441  -4.966  1.00  7.20           N  
ATOM    350  CA  GLU A  25      -1.986   0.539  -4.309  1.00  7.31           C  
ATOM    351  C   GLU A  25      -2.315   0.431  -2.831  1.00  7.50           C  
ATOM    352  O   GLU A  25      -2.198  -0.652  -2.205  1.00  9.34           O  
ATOM    353  CB  GLU A  25      -0.531   0.944  -4.553  1.00  9.29           C  
ATOM    354  CG  GLU A  25      -0.126   0.766  -6.017  1.00 10.46           C  
ATOM    355  CD  GLU A  25      -0.247  -0.643  -6.553  1.00 11.79           C  
ATOM    356  OE1 GLU A  25       0.121  -1.596  -5.871  1.00 11.46           O  
ATOM    357  OE2 GLU A  25      -0.773  -0.812  -7.683  1.00 15.50           O  
ATOM    358  H   GLU A  25      -2.620   2.193  -5.389  1.00  8.25           H  
ATOM    359  HA  GLU A  25      -2.085  -0.374  -4.724  1.00  7.91           H  
ATOM    360  HB2 GLU A  25      -0.206   2.030  -4.527  1.00 10.61           H  
ATOM    361  HB3 GLU A  25       0.329   0.311  -4.146  1.00  9.44           H  
ATOM    362  HG2 GLU A  25      -0.614   1.147  -6.616  1.00 10.67           H  
ATOM    363  HG3 GLU A  25       0.691   0.879  -6.197  1.00 10.93           H  
ATOM    364  N   CYS A  26      -2.686   1.527  -2.178  1.00  6.50           N  
ATOM    365  CA  CYS A  26      -3.033   1.523  -0.782  1.00  6.63           C  
ATOM    366  C   CYS A  26      -4.307   0.712  -0.501  1.00  7.61           C  
ATOM    367  O   CYS A  26      -4.387  -0.002   0.502  1.00  8.80           O  
ATOM    368  CB  CYS A  26      -3.250   2.950  -0.289  1.00  6.35           C  
ATOM    369  SG  CYS A  26      -1.746   3.969  -0.276  1.00  6.29           S  
ATOM    370  H   CYS A  26      -2.743   2.296  -2.667  1.00  8.34           H  
ATOM    371  HA  CYS A  26      -2.290   1.123  -0.242  1.00  6.81           H  
ATOM    372  HB2 CYS A  26      -3.840   3.258  -1.057  1.00  6.27           H  
ATOM    373  HB3 CYS A  26      -3.527   2.788   0.468  1.00  5.73           H  
ATOM    374  N   THR A  27      -5.286   0.822  -1.381  1.00  6.88           N  
ATOM    375  CA  THR A  27      -6.533   0.077  -1.198  1.00  8.71           C  
ATOM    376  C   THR A  27      -6.330  -1.426  -1.528  1.00  8.34           C  
ATOM    377  O   THR A  27      -7.026  -2.268  -0.904  1.00  9.71           O  
ATOM    378  CB  THR A  27      -7.730   0.691  -1.906  1.00 10.40           C  
ATOM    379  OG1 THR A  27      -7.464   0.694  -3.280  1.00 13.04           O  
ATOM    380  CG2 THR A  27      -8.019   2.132  -1.466  1.00 12.49           C  
ATOM    381  H   THR A  27      -5.181   1.347  -2.109  1.00  7.54           H  
ATOM    382  HA  THR A  27      -6.742   0.107  -0.212  1.00  7.91           H  
ATOM    383  HB  THR A  27      -8.554   0.148  -1.706  1.00 12.04           H  
ATOM    384 HG21 THR A  27      -7.937   2.198  -0.474  1.00 10.72           H  
ATOM    385 HG22 THR A  27      -7.372   2.742  -1.919  1.00 11.64           H  
ATOM    386 HG23 THR A  27      -8.953   2.358  -1.745  1.00 12.02           H  
ATOM    387  N   LYS A  28      -5.405  -1.773  -2.375  1.00  8.49           N  
ATOM    388  CA  LYS A  28      -5.086  -3.185  -2.662  1.00  9.61           C  
ATOM    389  C   LYS A  28      -4.668  -3.833  -1.348  1.00  9.86           C  
ATOM    390  O   LYS A  28      -4.919  -5.054  -1.109  1.00 12.76           O  
ATOM    391  CB  LYS A  28      -3.977  -3.367  -3.676  1.00 11.94           C  
ATOM    392  CG  LYS A  28      -4.342  -3.101  -5.119  1.00 12.09           C  
ATOM    393  CD  LYS A  28      -3.168  -3.379  -6.034  1.00 14.96           C  
ATOM    394  CE  LYS A  28      -3.440  -3.020  -7.488  1.00 16.03           C  
ATOM    395  NZ  LYS A  28      -2.174  -3.122  -8.245  1.00 17.91           N  
ATOM    396  H   LYS A  28      -4.909  -1.122  -2.766  1.00  8.82           H  
ATOM    397  HA  LYS A  28      -5.915  -3.622  -3.006  1.00 10.21           H  
ATOM    398  HB2 LYS A  28      -3.374  -2.620  -3.359  1.00 12.08           H  
ATOM    399  HB3 LYS A  28      -3.786  -4.159  -3.530  1.00 12.18           H  
ATOM    400  HG2 LYS A  28      -5.232  -3.525  -5.165  1.00 12.32           H  
ATOM    401  HG3 LYS A  28      -4.728  -2.007  -5.012  1.00 13.68           H  
ATOM    402  HD2 LYS A  28      -2.597  -2.710  -5.415  1.00 15.32           H  
ATOM    403  HD3 LYS A  28      -3.153  -4.212  -5.673  1.00 15.27           H  
ATOM    404  HE2 LYS A  28      -4.355  -3.587  -7.409  1.00 16.98           H  
ATOM    405  HE3 LYS A  28      -4.033  -2.034  -7.087  1.00 16.87           H  
ATOM    406  N   LEU A  29      -3.945  -3.106  -0.474  1.00  9.10           N  
ATOM    407  CA  LEU A  29      -3.451  -3.542   0.820  1.00  9.56           C  
ATOM    408  C   LEU A  29      -4.455  -3.350   1.939  1.00  9.64           C  
ATOM    409  O   LEU A  29      -4.122  -3.584   3.124  1.00 11.26           O  
ATOM    410  CB  LEU A  29      -2.116  -2.869   1.159  1.00 11.05           C  
ATOM    411  CG  LEU A  29      -0.996  -3.117   0.174  1.00 12.40           C  
ATOM    412  CD1 LEU A  29       0.196  -2.207   0.418  1.00 15.44           C  
ATOM    413  CD2 LEU A  29      -0.530  -4.569   0.233  1.00 15.24           C  
ATOM    414  H   LEU A  29      -3.795  -2.241  -0.723  1.00 10.61           H  
ATOM    415  HA  LEU A  29      -3.242  -4.527   0.751  1.00  9.11           H  
ATOM    416  HB2 LEU A  29      -2.221  -1.866   1.003  1.00 12.12           H  
ATOM    417  HB3 LEU A  29      -1.618  -3.148   2.014  1.00 11.59           H  
ATOM    418  HG  LEU A  29      -1.324  -2.944  -0.756  1.00 13.44           H  
ATOM    419 HD11 LEU A  29      -0.091  -1.441   0.995  1.00 14.24           H  
ATOM    420 HD12 LEU A  29       0.920  -2.715   0.884  1.00 14.05           H  
ATOM    421 HD13 LEU A  29       0.543  -1.865  -0.455  1.00 13.63           H  
ATOM    422 HD21 LEU A  29      -1.305  -5.163   0.435  1.00 13.26           H  
ATOM    423 HD22 LEU A  29      -0.128  -4.819  -0.648  1.00 13.79           H  
ATOM    424 HD23 LEU A  29       0.157  -4.659   0.954  1.00 13.00           H  
ATOM    425  N   LYS A  30      -5.687  -2.978   1.623  1.00  9.47           N  
ATOM    426  CA  LYS A  30      -6.779  -2.805   2.562  1.00 10.01           C  
ATOM    427  C   LYS A  30      -6.688  -1.536   3.408  1.00  9.44           C  
ATOM    428  O   LYS A  30      -7.351  -1.400   4.412  1.00 11.09           O  
ATOM    429  CB  LYS A  30      -7.080  -4.048   3.415  1.00 12.48           C  
ATOM    430  CG  LYS A  30      -7.393  -5.279   2.581  1.00 16.21           C  
ATOM    431  H   LYS A  30      -5.867  -2.851   0.736  1.00  9.76           H  
ATOM    432  HA  LYS A  30      -7.617  -2.698   1.997  1.00  9.83           H  
ATOM    433  HB2 LYS A  30      -6.157  -4.147   3.803  1.00 12.25           H  
ATOM    434  HB3 LYS A  30      -7.738  -3.758   3.816  1.00 11.81           H  
ATOM    435  N   GLY A  31      -5.875  -0.579   2.961  1.00  8.44           N  
ATOM    436  CA  GLY A  31      -5.900   0.734   3.588  1.00  8.30           C  
ATOM    437  C   GLY A  31      -7.122   1.504   3.077  1.00  6.92           C  
ATOM    438  O   GLY A  31      -7.834   1.093   2.161  1.00 10.06           O  
ATOM    439  H   GLY A  31      -5.457  -0.695   2.162  1.00  9.65           H  
ATOM    440  HA2 GLY A  31      -5.989   0.635   4.577  1.00  6.40           H  
ATOM    441  HA3 GLY A  31      -5.068   1.109   3.308  1.00  6.48           H  
ATOM    442  N   GLU A  32      -7.359   2.624   3.705  1.00  6.83           N  
ATOM    443  CA  GLU A  32      -8.473   3.500   3.374  1.00  7.04           C  
ATOM    444  C   GLU A  32      -8.274   4.240   2.069  1.00  6.22           C  
ATOM    445  O   GLU A  32      -9.139   4.301   1.198  1.00  7.62           O  
ATOM    446  CB  GLU A  32      -8.611   4.567   4.489  1.00  7.60           C  
ATOM    447  CG  GLU A  32      -9.704   5.600   4.243  1.00  9.51           C  
ATOM    448  CD  GLU A  32      -9.458   6.927   4.880  1.00 10.07           C  
ATOM    449  OE1 GLU A  32      -8.544   7.631   4.503  1.00 10.31           O  
ATOM    450  OE2 GLU A  32     -10.213   7.269   5.813  1.00 14.26           O  
ATOM    451  H   GLU A  32      -6.835   2.901   4.402  1.00  8.05           H  
ATOM    452  HA  GLU A  32      -9.321   2.978   3.358  1.00  7.67           H  
ATOM    453  HB2 GLU A  32      -8.996   4.291   5.518  1.00  6.99           H  
ATOM    454  HB3 GLU A  32      -7.784   5.344   4.627  1.00  8.18           H  
ATOM    455  HG2 GLU A  32      -9.822   5.873   3.434  1.00  8.19           H  
ATOM    456  HG3 GLU A  32     -10.456   5.422   4.594  1.00 10.53           H  
ATOM    457  N   SER A  33      -7.085   4.864   1.908  1.00  5.65           N  
ATOM    458  CA  SER A  33      -6.795   5.772   0.811  1.00  5.56           C  
ATOM    459  C   SER A  33      -5.318   6.092   0.860  1.00  5.39           C  
ATOM    460  O   SER A  33      -4.610   5.660   1.789  1.00  6.32           O  
ATOM    461  CB  SER A  33      -7.590   7.061   1.011  1.00  6.71           C  
ATOM    462  OG  SER A  33      -7.135   7.787   2.147  1.00  7.48           O  
ATOM    463  H   SER A  33      -6.505   4.846   2.611  1.00  6.24           H  
ATOM    464  HA  SER A  33      -7.054   5.376  -0.062  1.00  2.47           H  
ATOM    465  HB2 SER A  33      -7.437   7.418   0.287  1.00  6.38           H  
ATOM    466  HB3 SER A  33      -8.495   6.641   1.230  1.00  7.79           H  
ATOM    467  N   GLY A  34      -4.831   6.815  -0.123  1.00  4.98           N  
ATOM    468  CA  GLY A  34      -3.458   7.257  -0.074  1.00  5.60           C  
ATOM    469  C   GLY A  34      -3.156   8.206  -1.216  1.00  5.35           C  
ATOM    470  O   GLY A  34      -4.036   8.514  -2.049  1.00  6.98           O  
ATOM    471  H   GLY A  34      -5.385   7.130  -0.771  1.00  6.21           H  
ATOM    472  HA2 GLY A  34      -3.288   7.723   0.795  1.00  4.03           H  
ATOM    473  HA3 GLY A  34      -2.974   6.428  -0.145  1.00  5.74           H  
ATOM    474  N   TYR A  35      -1.902   8.672  -1.268  1.00  4.50           N  
ATOM    475  CA  TYR A  35      -1.517   9.652  -2.271  1.00  5.03           C  
ATOM    476  C   TYR A  35      -0.026   9.520  -2.521  1.00  4.57           C  
ATOM    477  O   TYR A  35       0.677   8.786  -1.814  1.00  4.98           O  
ATOM    478  CB  TYR A  35      -1.893  11.095  -1.817  1.00  5.97           C  
ATOM    479  CG  TYR A  35      -1.019  11.612  -0.699  1.00  6.02           C  
ATOM    480  CD1 TYR A  35      -1.219  11.242   0.632  1.00  7.22           C  
ATOM    481  CD2 TYR A  35       0.043  12.484  -0.944  1.00  7.07           C  
ATOM    482  CE1 TYR A  35      -0.388  11.662   1.636  1.00  7.84           C  
ATOM    483  CE2 TYR A  35       0.890  12.904   0.047  1.00  7.67           C  
ATOM    484  CZ  TYR A  35       0.679  12.485   1.343  1.00  7.72           C  
ATOM    485  OH  TYR A  35       1.521  12.888   2.359  1.00  9.92           O  
ATOM    486  H   TYR A  35      -1.325   8.444  -0.612  1.00  6.19           H  
ATOM    487  HA  TYR A  35      -2.019   9.476  -3.114  1.00  3.89           H  
ATOM    488  HB2 TYR A  35      -1.605  11.790  -2.540  1.00  7.20           H  
ATOM    489  HB3 TYR A  35      -2.714  11.125  -1.176  1.00  7.00           H  
ATOM    490  HD1 TYR A  35      -1.956  10.610   0.829  1.00  6.57           H  
ATOM    491  HD2 TYR A  35       0.218  12.752  -1.881  1.00  7.10           H  
ATOM    492  HE1 TYR A  35      -0.536  11.355   2.564  1.00  7.41           H  
ATOM    493  HE2 TYR A  35       1.648  13.499  -0.154  1.00  8.07           H  
ATOM    494  N   CYS A  36       0.459  10.184  -3.560  1.00  5.17           N  
ATOM    495  CA  CYS A  36       1.875  10.178  -3.920  1.00  5.06           C  
ATOM    496  C   CYS A  36       2.556  11.357  -3.256  1.00  4.94           C  
ATOM    497  O   CYS A  36       2.291  12.516  -3.602  1.00  6.31           O  
ATOM    498  CB  CYS A  36       2.038  10.268  -5.435  1.00  6.19           C  
ATOM    499  SG  CYS A  36       3.743  10.200  -5.981  1.00  6.26           S  
ATOM    500  H   CYS A  36      -0.094  10.707  -4.055  1.00  7.19           H  
ATOM    501  HA  CYS A  36       2.289   9.324  -3.607  1.00  5.92           H  
ATOM    502  HB2 CYS A  36       1.556   9.407  -5.674  1.00  6.63           H  
ATOM    503  HB3 CYS A  36       1.688  11.009  -5.543  1.00  7.33           H  
ATOM    504  N   GLN A  37       3.423  11.070  -2.271  1.00  5.53           N  
ATOM    505  CA  GLN A  37       4.190  12.119  -1.631  1.00  5.76           C  
ATOM    506  C   GLN A  37       5.411  12.400  -2.520  1.00  5.18           C  
ATOM    507  O   GLN A  37       6.363  11.613  -2.559  1.00  6.36           O  
ATOM    508  CB  GLN A  37       4.656  11.710  -0.231  1.00  6.75           C  
ATOM    509  CG  GLN A  37       5.540  12.730   0.464  1.00  7.89           C  
ATOM    510  CD  GLN A  37       4.801  13.995   0.780  1.00  8.46           C  
ATOM    511  OE1 GLN A  37       3.848  13.963   1.587  1.00  9.97           O  
ATOM    512  NE2 GLN A  37       5.103  15.102   0.112  1.00 10.00           N  
ATOM    513  H   GLN A  37       3.599  10.203  -2.089  1.00  6.09           H  
ATOM    514  HA  GLN A  37       3.651  12.950  -1.538  1.00  6.20           H  
ATOM    515  HB2 GLN A  37       3.922  11.652   0.633  1.00  8.00           H  
ATOM    516  HB3 GLN A  37       5.385  10.832  -0.106  1.00  8.22           H  
ATOM    517  HG2 GLN A  37       5.801  12.543   1.268  1.00  7.24           H  
ATOM    518  HG3 GLN A  37       6.173  13.054  -0.001  1.00  6.49           H  
ATOM    519 HE21 GLN A  37       4.661  15.871   0.268  1.00 10.95           H  
ATOM    520 HE22 GLN A  37       5.782  15.070  -0.489  1.00  9.69           H  
ATOM    521  N   TRP A  38       5.385  13.530  -3.229  1.00  6.86           N  
ATOM    522  CA  TRP A  38       6.538  13.919  -4.005  1.00  7.16           C  
ATOM    523  C   TRP A  38       7.588  14.407  -3.014  1.00  7.24           C  
ATOM    524  O   TRP A  38       7.344  15.048  -2.015  1.00  7.85           O  
ATOM    525  CB  TRP A  38       6.185  15.063  -4.980  1.00  9.33           C  
ATOM    526  CG  TRP A  38       5.545  14.544  -6.214  1.00  9.42           C  
ATOM    527  CD1 TRP A  38       4.339  13.901  -6.347  1.00 11.07           C  
ATOM    528  CD2 TRP A  38       6.094  14.551  -7.550  1.00  9.73           C  
ATOM    529  NE1 TRP A  38       4.122  13.540  -7.641  1.00 11.35           N  
ATOM    530  CE2 TRP A  38       5.200  13.901  -8.403  1.00 10.56           C  
ATOM    531  CE3 TRP A  38       7.300  15.031  -8.090  1.00 11.01           C  
ATOM    532  CZ2 TRP A  38       5.417  13.747  -9.776  1.00 12.08           C  
ATOM    533  CZ3 TRP A  38       7.513  14.866  -9.443  1.00 12.37           C  
ATOM    534  CH2 TRP A  38       6.583  14.237 -10.272  1.00 13.08           C  
ATOM    535  H   TRP A  38       4.684  14.094  -3.113  1.00  7.99           H  
ATOM    536  HA  TRP A  38       6.886  13.166  -4.551  1.00  6.92           H  
ATOM    537  HB2 TRP A  38       5.390  15.627  -4.631  1.00  9.60           H  
ATOM    538  HB3 TRP A  38       6.944  15.423  -5.523  1.00 10.22           H  
ATOM    539  HD1 TRP A  38       3.718  13.743  -5.588  1.00 10.79           H  
ATOM    540  HE1 TRP A  38       3.360  13.094  -7.956  1.00 11.34           H  
ATOM    541  HE3 TRP A  38       7.965  15.476  -7.517  1.00 11.25           H  
ATOM    542  HZ2 TRP A  38       4.748  13.304 -10.351  1.00 11.34           H  
ATOM    543  HZ3 TRP A  38       8.357  15.208  -9.834  1.00 12.19           H  
ATOM    544  HH2 TRP A  38       6.778  14.142 -11.235  1.00 12.11           H  
ATOM    545  N   ALA A  39       8.828  14.084  -3.349  1.00  7.48           N  
ATOM    546  CA  ALA A  39       9.943  14.601  -2.543  1.00  8.61           C  
ATOM    547  C   ALA A  39       9.917  14.271  -1.068  1.00  8.64           C  
ATOM    548  O   ALA A  39      10.256  15.026  -0.201  1.00  9.54           O  
ATOM    549  CB  ALA A  39      10.173  16.108  -2.729  1.00 10.35           C  
ATOM    550  H   ALA A  39       9.021  13.667  -4.130  1.00  5.09           H  
ATOM    551  HA  ALA A  39      10.773  14.179  -2.938  1.00  8.89           H  
ATOM    552  HB1 ALA A  39      10.081  16.125  -3.740  1.00  8.23           H  
ATOM    553  HB2 ALA A  39       9.288  16.421  -2.335  1.00  9.29           H  
ATOM    554  HB3 ALA A  39      10.886  16.168  -2.324  1.00  9.24           H  
ATOM    555  N   SER A  40       9.540  13.021  -0.752  1.00  7.76           N  
ATOM    556  CA  SER A  40       9.712  12.471   0.580  1.00  7.61           C  
ATOM    557  C   SER A  40      11.231  12.238   0.728  1.00  6.70           C  
ATOM    558  O   SER A  40      11.987  12.329  -0.230  1.00  7.19           O  
ATOM    559  CB  SER A  40       8.967  11.144   0.715  1.00  8.20           C  
ATOM    560  OG  SER A  40       9.760  10.023   0.326  1.00  6.56           O  
ATOM    561  H   SER A  40       9.369  12.430  -1.432  1.00  7.97           H  
ATOM    562  HA  SER A  40       9.401  13.092   1.286  1.00  8.04           H  
ATOM    563  HB2 SER A  40       8.821  11.164   1.525  1.00  6.81           H  
ATOM    564  HB3 SER A  40       8.257  11.317   0.005  1.00  7.20           H  
ATOM    565  N   PRO A  41      11.677  11.868   1.922  1.00  7.94           N  
ATOM    566  CA  PRO A  41      13.102  11.542   2.126  1.00  7.62           C  
ATOM    567  C   PRO A  41      13.555  10.358   1.282  1.00  6.57           C  
ATOM    568  O   PRO A  41      14.775  10.150   1.130  1.00  8.38           O  
ATOM    569  CB  PRO A  41      13.239  11.236   3.617  1.00 10.06           C  
ATOM    570  CG  PRO A  41      12.017  11.827   4.236  1.00 11.73           C  
ATOM    571  CD  PRO A  41      10.924  11.783   3.171  1.00  9.85           C  
ATOM    572  HA  PRO A  41      13.632  12.357   1.885  1.00  8.08           H  
ATOM    573  HB2 PRO A  41      13.159  10.326   3.633  1.00  9.40           H  
ATOM    574  HB3 PRO A  41      13.920  11.732   3.834  1.00 11.60           H  
ATOM    575  HG2 PRO A  41      11.684  11.265   4.780  1.00 11.21           H  
ATOM    576  HG3 PRO A  41      12.136  12.758   4.266  1.00 11.75           H  
ATOM    577  HD2 PRO A  41      10.482  10.942   3.133  1.00 10.60           H  
ATOM    578  HD3 PRO A  41      10.384  12.569   3.183  1.00  9.99           H  
ATOM    579  N   TYR A  42      12.633   9.621   0.696  1.00  6.94           N  
ATOM    580  CA  TYR A  42      12.893   8.438  -0.118  1.00  7.11           C  
ATOM    581  C   TYR A  42      12.605   8.705  -1.565  1.00  7.70           C  
ATOM    582  O   TYR A  42      12.523   7.775  -2.385  1.00  9.32           O  
ATOM    583  CB  TYR A  42      11.997   7.270   0.377  1.00  8.82           C  
ATOM    584  CG  TYR A  42      11.860   7.260   1.880  1.00 10.33           C  
ATOM    585  CD1 TYR A  42      12.968   7.048   2.672  1.00 12.00           C  
ATOM    586  CD2 TYR A  42      10.640   7.484   2.517  1.00 11.80           C  
ATOM    587  CE1 TYR A  42      12.885   7.095   4.050  1.00 13.07           C  
ATOM    588  CE2 TYR A  42      10.540   7.506   3.895  1.00 13.73           C  
ATOM    589  CZ  TYR A  42      11.665   7.302   4.649  1.00 14.19           C  
ATOM    590  OH  TYR A  42      11.571   7.341   6.031  1.00 18.37           O  
ATOM    591  H   TYR A  42      11.758   9.828   0.862  1.00  7.24           H  
ATOM    592  HA  TYR A  42      13.837   8.146   0.020  1.00  8.06           H  
ATOM    593  HB2 TYR A  42      10.991   7.450   0.160  1.00  9.50           H  
ATOM    594  HB3 TYR A  42      12.481   6.348   0.411  1.00  9.83           H  
ATOM    595  HD1 TYR A  42      13.855   6.906   2.256  1.00 11.87           H  
ATOM    596  HD2 TYR A  42       9.841   7.637   1.958  1.00 12.06           H  
ATOM    597  HE1 TYR A  42      13.688   6.941   4.604  1.00 13.70           H  
ATOM    598  HE2 TYR A  42       9.666   7.670   4.318  1.00 13.71           H  
ATOM    599  N   GLY A  43      12.464   9.970  -1.946  1.00  7.14           N  
ATOM    600  CA  GLY A  43      12.054  10.317  -3.316  1.00  7.60           C  
ATOM    601  C   GLY A  43      10.534  10.269  -3.361  1.00  6.54           C  
ATOM    602  O   GLY A  43       9.862  10.268  -2.301  1.00  9.00           O  
ATOM    603  H   GLY A  43      12.485  10.621  -1.317  1.00  7.11           H  
ATOM    604  HA2 GLY A  43      12.376  11.236  -3.518  1.00  7.53           H  
ATOM    605  HA3 GLY A  43      12.471   9.625  -3.825  1.00  6.93           H  
ATOM    606  N   ASN A  44       9.960  10.256  -4.520  1.00  6.08           N  
ATOM    607  CA  ASN A  44       8.498  10.152  -4.596  1.00  6.03           C  
ATOM    608  C   ASN A  44       8.089   8.784  -4.045  1.00  5.77           C  
ATOM    609  O   ASN A  44       8.648   7.755  -4.456  1.00  7.67           O  
ATOM    610  CB  ASN A  44       8.009  10.254  -6.018  1.00  7.76           C  
ATOM    611  CG  ASN A  44       8.239  11.591  -6.714  1.00  7.73           C  
ATOM    612  OD1 ASN A  44       8.731  12.521  -6.107  1.00  8.05           O  
ATOM    613  ND2 ASN A  44       7.855  11.621  -7.986  1.00 10.09           N  
ATOM    614  H   ASN A  44      10.443  10.229  -5.286  1.00  7.00           H  
ATOM    615  HA  ASN A  44       8.089  10.869  -4.042  1.00  6.32           H  
ATOM    616  HB2 ASN A  44       8.391   9.775  -6.592  1.00  6.54           H  
ATOM    617  HB3 ASN A  44       7.122  10.209  -6.195  1.00  8.79           H  
ATOM    618 HD21 ASN A  44       7.978  12.393  -8.453  1.00  9.63           H  
ATOM    619 HD22 ASN A  44       7.490  10.907  -8.390  1.00  7.87           H  
ATOM    620  N   ALA A  45       7.115   8.772  -3.145  1.00  4.90           N  
ATOM    621  CA  ALA A  45       6.707   7.508  -2.518  1.00  4.85           C  
ATOM    622  C   ALA A  45       5.257   7.558  -2.132  1.00  4.49           C  
ATOM    623  O   ALA A  45       4.751   8.605  -1.644  1.00  5.25           O  
ATOM    624  CB  ALA A  45       7.531   7.281  -1.258  1.00  6.44           C  
ATOM    625  H   ALA A  45       6.755   9.548  -2.862  1.00  5.65           H  
ATOM    626  HA  ALA A  45       6.899   6.766  -3.153  1.00  4.51           H  
ATOM    627  HB1 ALA A  45       8.455   7.443  -1.656  1.00  6.13           H  
ATOM    628  HB2 ALA A  45       7.268   8.119  -0.750  1.00  5.58           H  
ATOM    629  HB3 ALA A  45       7.283   6.522  -1.061  1.00  5.92           H  
ATOM    630  N   CYS A  46       4.548   6.440  -2.268  1.00  4.32           N  
ATOM    631  CA  CYS A  46       3.165   6.376  -1.845  1.00  4.26           C  
ATOM    632  C   CYS A  46       3.054   6.354  -0.285  1.00  4.30           C  
ATOM    633  O   CYS A  46       3.774   5.646   0.420  1.00  5.02           O  
ATOM    634  CB  CYS A  46       2.493   5.107  -2.312  1.00  4.72           C  
ATOM    635  SG  CYS A  46       2.250   4.981  -4.129  1.00  5.37           S  
ATOM    636  H   CYS A  46       4.954   5.705  -2.606  1.00  4.66           H  
ATOM    637  HA  CYS A  46       2.655   7.170  -2.165  1.00  5.39           H  
ATOM    638  HB2 CYS A  46       3.203   4.435  -2.040  1.00  5.03           H  
ATOM    639  HB3 CYS A  46       1.771   5.172  -1.919  1.00  5.54           H  
ATOM    640  N   TYR A  47       2.095   7.147   0.193  1.00  4.57           N  
ATOM    641  CA  TYR A  47       1.760   7.245   1.622  1.00  4.64           C  
ATOM    642  C   TYR A  47       0.295   6.824   1.750  1.00  4.27           C  
ATOM    643  O   TYR A  47      -0.550   7.304   0.984  1.00  5.82           O  
ATOM    644  CB  TYR A  47       1.940   8.676   2.105  1.00  5.84           C  
ATOM    645  CG  TYR A  47       1.811   8.865   3.600  1.00  6.15           C  
ATOM    646  CD1 TYR A  47       0.572   8.998   4.224  1.00  6.39           C  
ATOM    647  CD2 TYR A  47       2.925   8.833   4.415  1.00  7.45           C  
ATOM    648  CE1 TYR A  47       0.453   9.156   5.594  1.00  7.22           C  
ATOM    649  CE2 TYR A  47       2.825   8.984   5.793  1.00  8.29           C  
ATOM    650  CZ  TYR A  47       1.581   9.126   6.377  1.00  7.03           C  
ATOM    651  OH  TYR A  47       1.480   9.304   7.750  1.00 10.66           O  
ATOM    652  H   TYR A  47       1.579   7.616  -0.385  1.00  5.25           H  
ATOM    653  HA  TYR A  47       2.334   6.631   2.149  1.00  5.00           H  
ATOM    654  HB2 TYR A  47       2.922   9.021   2.015  1.00  6.01           H  
ATOM    655  HB3 TYR A  47       1.103   9.293   1.969  1.00  6.96           H  
ATOM    656  HD1 TYR A  47      -0.237   9.023   3.657  1.00  6.13           H  
ATOM    657  HD2 TYR A  47       3.821   8.715   4.017  1.00  8.35           H  
ATOM    658  HE1 TYR A  47      -0.434   9.278   6.000  1.00  8.02           H  
ATOM    659  HE2 TYR A  47       3.631   8.970   6.355  1.00  9.29           H  
ATOM    660  N   CYS A  48       0.002   5.937   2.694  1.00  4.33           N  
ATOM    661  CA  CYS A  48      -1.332   5.405   2.872  1.00  4.40           C  
ATOM    662  C   CYS A  48      -1.882   5.722   4.254  1.00  4.59           C  
ATOM    663  O   CYS A  48      -1.161   5.793   5.261  1.00  6.18           O  
ATOM    664  CB  CYS A  48      -1.353   3.883   2.735  1.00  5.67           C  
ATOM    665  SG  CYS A  48      -0.637   3.205   1.222  1.00  5.99           S  
ATOM    666  H   CYS A  48       0.680   5.612   3.205  1.00  6.35           H  
ATOM    667  HA  CYS A  48      -1.936   5.780   2.172  1.00  5.20           H  
ATOM    668  HB2 CYS A  48      -0.741   3.675   3.519  1.00  6.80           H  
ATOM    669  HB3 CYS A  48      -2.171   3.772   2.785  1.00  6.81           H  
ATOM    670  N   TYR A  49      -3.209   5.855   4.333  1.00  4.70           N  
ATOM    671  CA  TYR A  49      -3.936   6.044   5.581  1.00  4.92           C  
ATOM    672  C   TYR A  49      -4.690   4.763   5.967  1.00  4.83           C  
ATOM    673  O   TYR A  49      -5.290   4.128   5.107  1.00  6.21           O  
ATOM    674  CB  TYR A  49      -4.960   7.170   5.420  1.00  5.63           C  
ATOM    675  CG  TYR A  49      -4.315   8.511   5.198  1.00  5.32           C  
ATOM    676  CD1 TYR A  49      -3.783   9.215   6.256  1.00  7.21           C  
ATOM    677  CD2 TYR A  49      -4.292   9.095   3.939  1.00  6.50           C  
ATOM    678  CE1 TYR A  49      -3.217  10.479   6.069  1.00  7.81           C  
ATOM    679  CE2 TYR A  49      -3.719  10.353   3.740  1.00  7.15           C  
ATOM    680  CZ  TYR A  49      -3.195  11.023   4.822  1.00  6.43           C  
ATOM    681  OH  TYR A  49      -2.674  12.287   4.618  1.00  7.90           O  
ATOM    682  H   TYR A  49      -3.696   5.740   3.574  1.00  3.98           H  
ATOM    683  HA  TYR A  49      -3.320   6.302   6.317  1.00  2.33           H  
ATOM    684  HB2 TYR A  49      -5.474   7.108   4.514  1.00  5.40           H  
ATOM    685  HB3 TYR A  49      -5.371   7.518   6.315  1.00  6.07           H  
ATOM    686  HD1 TYR A  49      -3.795   8.836   7.169  1.00  6.54           H  
ATOM    687  HD2 TYR A  49      -4.680   8.619   3.170  1.00  6.85           H  
ATOM    688  HE1 TYR A  49      -2.832  10.960   6.839  1.00  7.48           H  
ATOM    689  HE2 TYR A  49      -3.721  10.747   2.840  1.00  6.42           H  
ATOM    690  N   LYS A  50      -4.674   4.486   7.239  1.00  5.91           N  
ATOM    691  CA  LYS A  50      -5.491   3.412   7.821  1.00  6.53           C  
ATOM    692  C   LYS A  50      -5.249   2.041   7.215  1.00  6.12           C  
ATOM    693  O   LYS A  50      -6.167   1.273   6.948  1.00  7.56           O  
ATOM    694  CB  LYS A  50      -6.983   3.783   7.840  1.00  8.38           C  
ATOM    695  CG  LYS A  50      -7.273   5.057   8.588  1.00 11.73           C  
ATOM    696  CD  LYS A  50      -8.772   5.315   8.711  1.00 13.72           C  
ATOM    697  CE  LYS A  50      -9.006   6.662   9.378  0.50 13.38           C  
ATOM    698  H   LYS A  50      -4.243   5.008   7.841  1.00  2.00           H  
ATOM    699  HA  LYS A  50      -5.223   3.365   8.792  1.00  6.96           H  
ATOM    700  HB2 LYS A  50      -7.068   3.952   6.849  1.00  9.58           H  
ATOM    701  HB3 LYS A  50      -7.272   3.100   8.200  1.00  9.49           H  
ATOM    702  HG2 LYS A  50      -6.664   4.966   9.360  1.00 11.89           H  
ATOM    703  HG3 LYS A  50      -6.633   5.802   7.967  1.00 12.14           H  
ATOM    704  HD2 LYS A  50      -8.815   5.214   7.643  1.00 13.29           H  
ATOM    705  HD3 LYS A  50      -8.821   4.498   9.101  1.00 12.47           H  
ATOM    706  N   LEU A  51      -3.969   1.695   7.094  1.00  5.96           N  
ATOM    707  CA  LEU A  51      -3.602   0.341   6.761  1.00  6.42           C  
ATOM    708  C   LEU A  51      -3.834  -0.589   7.938  1.00  6.70           C  
ATOM    709  O   LEU A  51      -3.719  -0.214   9.087  1.00  7.46           O  
ATOM    710  CB  LEU A  51      -2.083   0.293   6.501  1.00  6.17           C  
ATOM    711  CG  LEU A  51      -1.593   1.085   5.309  1.00  6.61           C  
ATOM    712  CD1 LEU A  51      -0.089   1.311   5.420  1.00  8.55           C  
ATOM    713  CD2 LEU A  51      -1.886   0.377   3.990  1.00  8.31           C  
ATOM    714  H   LEU A  51      -3.320   2.258   7.392  1.00  6.83           H  
ATOM    715  HA  LEU A  51      -4.060   0.007   5.946  1.00  5.05           H  
ATOM    716  HB2 LEU A  51      -1.611   0.796   7.239  1.00  6.03           H  
ATOM    717  HB3 LEU A  51      -1.689  -0.619   6.216  1.00  7.30           H  
ATOM    718  HG  LEU A  51      -2.046   1.975   5.295  1.00  8.10           H  
ATOM    719 HD11 LEU A  51       0.156   1.477   6.372  1.00  7.67           H  
ATOM    720 HD12 LEU A  51       0.384   0.493   5.091  1.00  7.74           H  
ATOM    721 HD13 LEU A  51       0.174   2.092   4.857  1.00  8.01           H  
ATOM    722 HD21 LEU A  51      -2.837   0.074   3.966  1.00  7.15           H  
ATOM    723 HD22 LEU A  51      -1.718   1.015   3.237  1.00  8.47           H  
ATOM    724 HD23 LEU A  51      -1.283  -0.413   3.893  1.00  7.94           H  
ATOM    725  N   PRO A  52      -4.104  -1.871   7.664  1.00  7.18           N  
ATOM    726  CA  PRO A  52      -4.128  -2.838   8.755  1.00  7.81           C  
ATOM    727  C   PRO A  52      -2.747  -2.876   9.447  1.00  6.59           C  
ATOM    728  O   PRO A  52      -1.684  -2.689   8.855  1.00  7.27           O  
ATOM    729  CB  PRO A  52      -4.342  -4.188   8.028  1.00 10.23           C  
ATOM    730  CG  PRO A  52      -4.901  -3.836   6.695  1.00 10.26           C  
ATOM    731  CD  PRO A  52      -4.348  -2.454   6.351  1.00  8.42           C  
ATOM    732  HA  PRO A  52      -4.901  -2.646   9.356  1.00  7.29           H  
ATOM    733  HB2 PRO A  52      -3.478  -4.460   7.920  1.00  7.88           H  
ATOM    734  HB3 PRO A  52      -4.981  -4.515   8.520  1.00  9.76           H  
ATOM    735  HG2 PRO A  52      -4.507  -4.278   6.089  1.00  8.92           H  
ATOM    736  HG3 PRO A  52      -5.797  -3.578   6.819  1.00  9.11           H  
ATOM    737  HD2 PRO A  52      -3.490  -2.495   5.944  1.00  7.37           H  
ATOM    738  HD3 PRO A  52      -5.012  -1.891   5.964  1.00  8.54           H  
ATOM    739  N   ASP A  53      -2.771  -3.262  10.729  1.00  6.97           N  
ATOM    740  CA  ASP A  53      -1.576  -3.311  11.539  1.00  7.36           C  
ATOM    741  C   ASP A  53      -0.564  -4.337  11.063  1.00  6.81           C  
ATOM    742  O   ASP A  53       0.605  -4.230  11.405  1.00  8.41           O  
ATOM    743  CB  ASP A  53      -1.962  -3.609  12.998  1.00  8.36           C  
ATOM    744  CG  ASP A  53      -2.720  -2.538  13.699  1.00  9.41           C  
ATOM    745  OD1 ASP A  53      -2.622  -1.348  13.352  1.00 11.12           O  
ATOM    746  OD2 ASP A  53      -3.392  -2.870  14.736  1.00 14.07           O  
ATOM    747  H   ASP A  53      -3.575  -3.377  11.139  1.00  6.53           H  
ATOM    748  HA  ASP A  53      -1.131  -2.412  11.544  1.00  7.60           H  
ATOM    749  HB2 ASP A  53      -2.620  -4.356  13.174  1.00  8.04           H  
ATOM    750  HB3 ASP A  53      -1.212  -3.586  13.493  1.00  7.81           H  
ATOM    751  N   HIS A  54      -1.002  -5.335  10.296  1.00  6.40           N  
ATOM    752  CA  HIS A  54      -0.071  -6.346   9.829  1.00  7.27           C  
ATOM    753  C   HIS A  54       0.751  -5.908   8.633  1.00  7.36           C  
ATOM    754  O   HIS A  54       1.771  -6.570   8.332  1.00  8.27           O  
ATOM    755  CB  HIS A  54      -0.816  -7.647   9.493  1.00  8.42           C  
ATOM    756  CG  HIS A  54      -1.841  -7.528   8.418  1.00  9.83           C  
ATOM    757  ND1 HIS A  54      -3.192  -7.617   8.632  1.00 14.06           N  
ATOM    758  CD2 HIS A  54      -1.679  -7.407   7.089  1.00 11.58           C  
ATOM    759  CE1 HIS A  54      -3.814  -7.506   7.472  1.00 12.58           C  
ATOM    760  NE2 HIS A  54      -2.933  -7.398   6.497  1.00 14.15           N  
ATOM    761  H   HIS A  54      -1.881  -5.371  10.087  1.00  5.06           H  
ATOM    762  HA  HIS A  54       0.556  -6.556  10.585  1.00  6.13           H  
ATOM    763  HB2 HIS A  54      -0.205  -8.324   8.985  1.00  8.64           H  
ATOM    764  HB3 HIS A  54      -1.534  -7.913  10.108  1.00  8.81           H  
ATOM    765  HD1 HIS A  54      -3.599  -7.711   9.463  1.00 11.35           H  
ATOM    766  HD2 HIS A  54      -0.823  -7.338   6.582  1.00 12.23           H  
ATOM    767  HE1 HIS A  54      -4.804  -7.521   7.353  1.00 13.10           H  
ATOM    768  N   VAL A  55       0.418  -4.800   7.958  1.00  6.33           N  
ATOM    769  CA  VAL A  55       1.158  -4.351   6.765  1.00  6.68           C  
ATOM    770  C   VAL A  55       2.456  -3.699   7.156  1.00  6.99           C  
ATOM    771  O   VAL A  55       2.463  -2.876   8.093  1.00  8.93           O  
ATOM    772  CB  VAL A  55       0.270  -3.375   5.947  1.00  7.38           C  
ATOM    773  CG1 VAL A  55       1.031  -2.691   4.820  1.00  8.76           C  
ATOM    774  CG2 VAL A  55      -0.955  -4.071   5.388  1.00  9.05           C  
ATOM    775  H   VAL A  55      -0.330  -4.374   8.229  1.00  6.79           H  
ATOM    776  HA  VAL A  55       1.311  -5.142   6.177  1.00  6.60           H  
ATOM    777  HB  VAL A  55      -0.038  -2.670   6.589  1.00  6.82           H  
ATOM    778 HG11 VAL A  55       1.398  -3.394   4.208  1.00  7.94           H  
ATOM    779 HG12 VAL A  55       0.398  -2.120   4.294  1.00  8.88           H  
ATOM    780 HG13 VAL A  55       1.766  -2.135   5.197  1.00  7.63           H  
ATOM    781 HG21 VAL A  55      -0.675  -4.857   4.840  1.00  6.83           H  
ATOM    782 HG22 VAL A  55      -1.534  -4.378   6.143  1.00  9.16           H  
ATOM    783 HG23 VAL A  55      -1.468  -3.432   4.812  1.00  9.10           H  
ATOM    784  N   ARG A  56       3.544  -4.001   6.481  1.00  6.94           N  
ATOM    785  CA  ARG A  56       4.815  -3.370   6.745  1.00  7.11           C  
ATOM    786  C   ARG A  56       4.863  -1.961   6.158  1.00  6.38           C  
ATOM    787  O   ARG A  56       4.546  -1.753   4.995  1.00  8.01           O  
ATOM    788  CB  ARG A  56       5.957  -4.194   6.135  1.00  8.26           C  
ATOM    789  CG  ARG A  56       7.336  -3.772   6.602  1.00  9.68           C  
ATOM    790  CD  ARG A  56       8.473  -4.482   5.849  1.00 11.45           C  
ATOM    791  NE  ARG A  56       8.738  -5.853   6.319  1.00 12.48           N  
ATOM    792  CZ  ARG A  56       9.493  -6.122   7.380  1.00 13.47           C  
ATOM    793  NH1 ARG A  56      10.049  -5.127   8.062  1.00 13.98           N  
ATOM    794  NH2 ARG A  56       9.711  -7.382   7.734  1.00 14.50           N  
ATOM    795  H   ARG A  56       3.472  -4.577   5.777  1.00  7.42           H  
ATOM    796  HA  ARG A  56       4.979  -3.326   7.728  1.00  4.64           H  
ATOM    797  HB2 ARG A  56       6.266  -5.307   6.269  1.00  9.76           H  
ATOM    798  HB3 ARG A  56       6.472  -4.078   5.082  1.00  9.84           H  
ATOM    799  HG2 ARG A  56       7.751  -2.920   6.227  1.00  8.46           H  
ATOM    800  HG3 ARG A  56       7.850  -3.910   7.448  1.00 10.61           H  
ATOM    801  HD2 ARG A  56       8.396  -4.698   4.821  1.00 10.18           H  
ATOM    802  HD3 ARG A  56       9.434  -4.256   6.013  1.00 11.34           H  
ATOM    803  HE  ARG A  56       8.198  -6.535   5.986  1.00 13.00           H  
ATOM    804 HH11 ARG A  56       9.877  -4.246   7.814  1.00 13.34           H  
ATOM    805 HH12 ARG A  56      10.574  -5.320   8.808  1.00 13.39           H  
ATOM    806 HH21 ARG A  56       9.335  -8.076   7.240  1.00 13.84           H  
ATOM    807 HH22 ARG A  56      10.248  -7.564   8.475  1.00 14.25           H  
ATOM    808  N   THR A  57       5.309  -1.020   6.984  1.00  5.64           N  
ATOM    809  CA  THR A  57       5.597   0.332   6.527  1.00  5.34           C  
ATOM    810  C   THR A  57       7.104   0.590   6.740  1.00  5.53           C  
ATOM    811  O   THR A  57       7.800  -0.159   7.424  1.00  6.04           O  
ATOM    812  CB  THR A  57       4.713   1.382   7.180  1.00  6.50           C  
ATOM    813  OG1 THR A  57       4.707   1.195   8.609  1.00  7.66           O  
ATOM    814  CG2 THR A  57       3.295   1.280   6.638  1.00  7.16           C  
ATOM    815  H   THR A  57       5.575  -1.245   7.821  1.00  6.69           H  
ATOM    816  HA  THR A  57       5.437   0.371   5.539  1.00  4.53           H  
ATOM    817  HB  THR A  57       5.070   2.299   6.990  1.00  7.29           H  
ATOM    818 HG21 THR A  57       2.969   0.341   6.760  1.00  6.87           H  
ATOM    819 HG22 THR A  57       2.706   1.913   7.140  1.00  8.19           H  
ATOM    820 HG23 THR A  57       3.288   1.486   5.662  1.00  7.36           H  
ATOM    821  N   LYS A  58       7.579   1.686   6.159  1.00  5.75           N  
ATOM    822  CA  LYS A  58       9.001   1.950   6.152  1.00  5.52           C  
ATOM    823  C   LYS A  58       9.625   2.028   7.516  1.00  5.87           C  
ATOM    824  O   LYS A  58       9.147   2.691   8.443  1.00  7.81           O  
ATOM    825  CB  LYS A  58       9.209   3.274   5.382  1.00  7.12           C  
ATOM    826  CG  LYS A  58      10.673   3.678   5.203  1.00  7.51           C  
ATOM    827  CD  LYS A  58      11.424   2.783   4.234  1.00  7.05           C  
ATOM    828  CE  LYS A  58      12.841   3.267   4.022  1.00  8.37           C  
ATOM    829  NZ  LYS A  58      13.586   2.453   3.023  1.00  9.37           N  
ATOM    830  H   LYS A  58       7.042   2.173   5.610  1.00  6.89           H  
ATOM    831  HA  LYS A  58       9.452   1.242   5.605  1.00  5.35           H  
ATOM    832  HB2 LYS A  58       8.850   2.961   4.504  1.00  4.07           H  
ATOM    833  HB3 LYS A  58       8.845   3.767   5.935  1.00  4.69           H  
ATOM    834  HG2 LYS A  58      10.552   4.653   5.091  1.00  8.09           H  
ATOM    835  HG3 LYS A  58      10.976   3.703   6.323  1.00  7.72           H  
ATOM    836  HD2 LYS A  58      11.221   1.975   4.916  1.00  8.53           H  
ATOM    837  HD3 LYS A  58      10.718   2.893   3.673  1.00  9.65           H  
ATOM    838  HE2 LYS A  58      12.463   4.278   4.035  1.00  8.81           H  
ATOM    839  HE3 LYS A  58      12.966   3.292   5.233  1.00  9.09           H  
ATOM    840  N   GLY A  59      10.758   1.347   7.663  1.00  5.43           N  
ATOM    841  CA  GLY A  59      11.598   1.397   8.862  1.00  6.11           C  
ATOM    842  C   GLY A  59      12.990   1.816   8.482  1.00  5.32           C  
ATOM    843  O   GLY A  59      13.277   2.118   7.314  1.00  6.52           O  
ATOM    844  H   GLY A  59      11.118   0.915   6.947  1.00  6.43           H  
ATOM    845  HA2 GLY A  59      11.197   2.050   9.504  1.00  5.93           H  
ATOM    846  HA3 GLY A  59      11.518   0.486   9.162  1.00  6.50           H  
ATOM    847  N   PRO A  60      13.895   1.827   9.451  1.00  5.00           N  
ATOM    848  CA  PRO A  60      15.259   2.242   9.192  1.00  6.28           C  
ATOM    849  C   PRO A  60      15.959   1.321   8.222  1.00  5.52           C  
ATOM    850  O   PRO A  60      15.702   0.132   8.143  1.00  6.66           O  
ATOM    851  CB  PRO A  60      15.927   2.223  10.577  1.00  7.03           C  
ATOM    852  CG  PRO A  60      15.069   1.310  11.409  1.00  6.81           C  
ATOM    853  CD  PRO A  60      13.672   1.471  10.862  1.00  6.37           C  
ATOM    854  HA  PRO A  60      15.270   3.160   8.805  1.00  5.02           H  
ATOM    855  HB2 PRO A  60      16.695   1.763  10.389  1.00  8.19           H  
ATOM    856  HB3 PRO A  60      15.782   3.034  10.843  1.00  5.05           H  
ATOM    857  HG2 PRO A  60      15.229   0.510  11.182  1.00  7.36           H  
ATOM    858  HG3 PRO A  60      14.957   1.715  12.247  1.00  7.64           H  
ATOM    859  HD2 PRO A  60      13.189   0.650  10.821  1.00  6.85           H  
ATOM    860  HD3 PRO A  60      13.219   2.235  11.206  1.00  5.14           H  
ATOM    861  N   GLY A  61      16.881   1.916   7.457  1.00  7.94           N  
ATOM    862  CA  GLY A  61      17.676   1.218   6.461  1.00  9.24           C  
ATOM    863  C   GLY A  61      17.305   1.787   5.111  1.00  9.58           C  
ATOM    864  O   GLY A  61      16.118   1.916   4.748  1.00 11.30           O  
ATOM    865  H   GLY A  61      17.047   2.805   7.568  1.00  6.57           H  
ATOM    866  HA2 GLY A  61      18.643   1.386   6.655  1.00  9.49           H  
ATOM    867  HA3 GLY A  61      17.412   0.308   6.597  1.00  9.58           H  
ATOM    868  N   ARG A  62      18.309   2.050   4.286  1.00  7.50           N  
ATOM    869  CA  ARG A  62      18.100   2.624   2.975  1.00  8.34           C  
ATOM    870  C   ARG A  62      17.834   1.542   1.936  1.00  8.43           C  
ATOM    871  O   ARG A  62      18.500   0.530   1.866  1.00 11.05           O  
ATOM    872  CB  ARG A  62      19.319   3.473   2.590  1.00  9.91           C  
ATOM    873  CG  ARG A  62      19.054   4.313   1.352  1.00 11.93           C  
ATOM    874  CD  ARG A  62      19.888   5.584   1.258  1.00 12.91           C  
ATOM    875  NE  ARG A  62      19.493   6.321   0.054  1.00 14.89           N  
ATOM    876  CZ  ARG A  62      20.081   6.002  -1.074  1.00 13.12           C  
ATOM    877  NH1 ARG A  62      21.049   5.118  -1.093  1.00 16.96           N  
ATOM    878  NH2 ARG A  62      19.688   6.575  -2.209  1.00 17.03           N  
ATOM    879  H   ARG A  62      19.163   1.934   4.579  1.00  8.85           H  
ATOM    880  HA  ARG A  62      17.319   3.247   2.993  1.00  7.68           H  
ATOM    881  HB2 ARG A  62      19.829   4.387   3.089  1.00 10.80           H  
ATOM    882  HB3 ARG A  62      20.255   3.164   1.940  1.00 11.08           H  
ATOM    883  HG2 ARG A  62      19.487   4.052   0.470  1.00 12.47           H  
ATOM    884  HG3 ARG A  62      18.268   4.861   1.055  1.00 12.03           H  
ATOM    885  HD2 ARG A  62      19.852   6.364   1.959  1.00 13.74           H  
ATOM    886  HD3 ARG A  62      20.835   5.579   0.929  1.00 14.01           H  
ATOM    887  HE  ARG A  62      18.732   6.850   0.050  1.00 14.53           H  
ATOM    888 HH11 ARG A  62      21.327   4.686  -0.313  1.00 15.87           H  
ATOM    889 HH12 ARG A  62      21.460   4.871  -1.897  1.00 16.62           H  
ATOM    890 HH21 ARG A  62      19.005   7.210  -2.205  1.00 15.14           H  
ATOM    891 HH22 ARG A  62      20.102   6.340  -3.015  1.00 15.61           H  
ATOM    892  N  ACYS A  63      16.871   1.817   1.057  0.55  7.70           N  
ATOM    893  N  BCYS A  63      16.797   1.803   1.157  0.45  8.41           N  
ATOM    894  CA ACYS A  63      16.527   0.904  -0.048  0.55  7.13           C  
ATOM    895  CA BCYS A  63      16.504   1.194  -0.118  0.45  8.11           C  
ATOM    896  C  ACYS A  63      16.031   1.870  -1.097  0.55  6.18           C  
ATOM    897  C  BCYS A  63      16.161   2.287  -1.131  0.45  7.71           C  
ATOM    898  O  ACYS A  63      15.103   2.665  -0.799  0.55  6.77           O  
ATOM    899  O  BCYS A  63      15.365   3.212  -0.939  0.45  9.47           O  
ATOM    900  CB ACYS A  63      15.514  -0.162   0.380  0.55  6.14           C  
ATOM    901  CB BCYS A  63      15.326   0.201  -0.097  0.45  8.06           C  
ATOM    902  SG ACYS A  63      15.153  -1.347  -0.932  0.55  6.67           S  
ATOM    903  SG BCYS A  63      15.029  -0.564  -1.707  0.45  9.98           S  
ATOM    904  H  ACYS A  63      16.415   2.600   1.112  0.55  7.34           H  
ATOM    905  HA ACYS A  63      17.354   0.441  -0.352  0.55  6.34           H  
ATOM    906  HB2ACYS A  63      16.093  -0.615   1.083  0.55  6.78           H  
ATOM    907  HB3ACYS A  63      14.887   0.342   0.554  0.55  6.85           H  
ATOM    908  N   HIS A  64      16.667   1.980  -2.306  1.00  8.43           N  
ATOM    909  CA  HIS A  64      16.335   2.912  -3.371  1.00  8.17           C  
ATOM    910  C   HIS A  64      16.238   2.182  -4.697  1.00  7.55           C  
ATOM    911  O   HIS A  64      15.051   1.876  -5.120  1.00 10.65           O  
ATOM    912  CB  HIS A  64      17.380   4.037  -3.368  1.00  9.77           C  
ATOM    913  CG  HIS A  64      17.149   5.121  -4.362  1.00 11.46           C  
ATOM    914  ND1 HIS A  64      15.991   5.895  -4.340  1.00 14.03           N  
ATOM    915  CD2 HIS A  64      17.886   5.559  -5.401  1.00 13.67           C  
ATOM    916  CE1 HIS A  64      16.060   6.755  -5.334  1.00 15.20           C  
ATOM    917  NE2 HIS A  64      17.182   6.596  -5.997  1.00 14.67           N  
ATOM    918  OXT HIS A  64      17.303   1.884  -5.289  1.00  7.95           O  
ATOM    919  H   HIS A  64      17.346   1.385  -2.405  1.00  8.68           H  
ATOM    920  HA  HIS A  64      15.449   3.338  -3.173  1.00  9.33           H  
ATOM    921  HB2 HIS A  64      17.301   4.641  -2.520  1.00 11.22           H  
ATOM    922  HB3 HIS A  64      18.238   3.850  -3.810  1.00 10.16           H  
ATOM    923  HD1 HIS A  64      15.301   5.816  -3.729  1.00 13.57           H  
ATOM    924  HD2 HIS A  64      18.769   5.215  -5.686  1.00 12.68           H  
ATOM    925  HE1 HIS A  64      15.365   7.438  -5.545  1.00 14.32           H  
TER  
HETATM  927  O   HOH A  65      18.211  -2.172  -2.443  0.30 17.72           O  
HETATM  928  O   HOH A  66      18.413  -0.321  -2.910  0.50 14.33           O  
HETATM  929  O   HOH A  67      19.184   0.597  -2.439  0.50 11.74           O  
HETATM  930  O   HOH A  68      20.476   2.361  -2.599  0.50 12.72           O  
HETATM  931  O   HOH A  69       2.334  -0.608  14.844  0.50 27.48           O  
HETATM  932  O   HOH A  70       0.569  -1.058  14.111  0.50 27.48           O  
HETATM  933  O   HOH A  71      -0.459  -0.056  14.527  0.50 18.01           O  
HETATM  934  O   HOH A  72       6.562   3.125   9.158  0.60 10.86           O  
HETATM  935  O   HOH A  73       6.827   1.942  10.104  0.40 14.51           O  
HETATM  936  O   HOH A  74      16.785  -3.920   2.003  0.50 16.31           O  
HETATM  937  O   HOH A  75      18.164  -2.057   0.700  0.50 21.07           O  
HETATM  938  O   HOH A  76      16.489  -3.841   0.886  0.50 18.85           O  
HETATM  939  O   HOH A  77      17.377  -4.392  -1.182  0.30 16.12           O  
HETATM  940  O   HOH A  78      16.023  -4.100  -3.238  0.70 20.45           O  
HETATM  941  O   HOH A  79       1.104  14.253  -8.682  0.30 20.89           O  
HETATM  942  O   HOH A  80       1.017  14.024  -6.845  0.70 18.08           O  
HETATM  943  O   HOH A  81       1.178  14.510  -5.280  0.30 14.75           O  
HETATM  944  O   HOH A  82      -0.797  16.210  -5.093  0.50 15.21           O  
HETATM  945  O   HOH A  83       0.900  15.002  -3.576  0.50 15.16           O  
HETATM  946  O   HOH A  84       3.317  15.681  -2.773  0.50 16.73           O  
HETATM  947  O   HOH A  85       2.147  15.650  -1.222  0.40 26.83           O  
HETATM  948  O   HOH A  86      -0.002  16.297  -1.005  0.60 20.79           O  
HETATM  949  O   HOH A  87      18.072   4.481   8.399  0.70 26.21           O  
HETATM  950  O   HOH A  88      17.168   4.788   7.303  0.30 12.88           O  
HETATM  951  O   HOH A  89      17.694   6.221   5.969  0.50 13.63           O  
HETATM  952  O   HOH A  90      16.945   5.643   4.121  0.50 18.24           O  
HETATM  953  O   HOH A  91      15.558   4.729   5.896  0.50 16.37           O  
HETATM  954  O   HOH A  92      14.558   4.748   6.682  0.50 17.85           O  
HETATM  955  O   HOH A  93      12.946   5.321   7.755  0.40 22.72           O  
HETATM  956  O   HOH A  94       9.521  -5.160  -4.813  0.60 15.54           O  
HETATM  957  O   HOH A  95       6.983  -7.442   4.545  0.80 18.09           O  
HETATM  958  O   HOH A  96       7.708  -8.629   4.854  0.20 14.36           O  
HETATM  959  O   HOH A  97      17.830   7.974  -8.616  0.50 18.45           O  
HETATM  960  O   HOH A  98      19.410   7.591  -8.945  0.50 22.60           O  
HETATM  961  O   HOH A  99      11.142  -2.998   8.525  0.20  8.45           O  
HETATM  962  O   HOH A 100      10.696  -2.257   7.773  0.60 16.20           O  
HETATM  963  O   HOH A 101       9.975  -2.071   7.087  0.20  7.42           O  
HETATM  964  O   HOH A 102      -8.777   0.766   6.869  0.60 23.32           O  
HETATM  965  O   HOH A 103      -7.560  -1.063   7.313  0.40 19.87           O  
HETATM  966  O   HOH A 104     -10.439   0.757   1.305  0.50 23.40           O  
HETATM  967  O   HOH A 105      -9.795  -0.914   0.834  0.50 27.96           O  
HETATM  968  O   HOH A 106      23.032   1.189   3.627  0.50 34.18           O  
HETATM  969  O   HOH A 107      21.133  -0.158   2.878  0.50 24.77           O  
HETATM  970  O   HOH A 108       5.857   3.956  -0.483  1.00  6.84           O  
HETATM  971  O   HOH A 109      13.581  -1.500   8.886  1.00  7.36           O  
HETATM  972  O   HOH A 110      12.702   3.158   0.230  1.00  8.49           O  
HETATM  973  O   HOH A 111      15.450   4.330   1.963  1.00 11.24           O  
HETATM  974  O   HOH A 112     -11.172   9.757   6.769  1.00 13.04           O  
HETATM  975  O   HOH A 113      -6.086  10.105  -2.977  1.00 12.64           O  
HETATM  976  O   HOH A 114       5.306   1.875  -7.248  1.00 12.53           O  
HETATM  977  O   HOH A 115      11.455   7.241  -4.979  1.00 13.42           O  
HETATM  978  O   HOH A 116     -10.085   5.158  -1.416  1.00 13.21           O  
HETATM  979  O   HOH A 117       5.985   5.173   7.366  1.00 13.57           O  
HETATM  980  O   HOH A 118       9.756   5.192  -3.535  1.00 14.37           O  
HETATM  981  O   HOH A 119      15.329   5.916  -0.289  1.00 14.26           O  
HETATM  982  O   HOH A 120      -4.019  11.294  -9.556  1.00 15.50           O  
HETATM  983  O   HOH A 121     -12.250   6.071   6.986  1.00 15.66           O  
HETATM  984  O   HOH A 122      -0.007  -2.502  -3.394  1.00 15.96           O  
HETATM  985  O   HOH A 123      13.585   5.201  -2.624  1.00 15.85           O  
HETATM  986  O   HOH A 124      12.399   2.776  -3.695  1.00 15.70           O  
HETATM  987  O   HOH A 125      -6.674  10.340   1.218  1.00 16.19           O  
HETATM  988  O   HOH A 126       2.264   7.058 -10.680  1.00 18.05           O  
HETATM  989  O   HOH A 127      -0.711  10.178   9.044  1.00 18.27           O  
HETATM  990  O   HOH A 128      -5.516  -3.539  11.883  1.00 19.14           O  
HETATM  991  O   HOH A 129      21.023   1.439   5.345  1.00 20.11           O  
HETATM  992  O   HOH A 130      16.858   7.651  -1.907  1.00 19.50           O  
HETATM  993  O   HOH A 131      13.287  -4.092  -3.879  1.00 19.87           O  
HETATM  994  O   HOH A 132      -4.395   5.197  11.259  1.00 21.06           O  
HETATM  995  O   HOH A 133       3.530  -2.582   2.509  1.00 20.31           O  
HETATM  996  O   HOH A 134       5.705  -5.730   2.649  1.00 20.99           O  
HETATM  997  O   HOH A 135      -1.338  13.416  -8.740  1.00 20.91           O  
HETATM  998  O   HOH A 136       3.346  -5.857   4.132  1.00 21.87           O  
HETATM  999  O   HOH A 137      -3.087  -6.246   3.513  1.00 22.14           O  
HETATM 1000  O   HOH A 138      -0.221   5.730  12.384  1.00 23.00           O  
HETATM 1001  O   HOH A 139      -6.495   9.737  -5.810  1.00 22.60           O  
HETATM 1002  O   HOH A 140      -7.008  -2.036  13.714  1.00 23.45           O  
HETATM 1003  O   HOH A 141      16.463  -1.282   4.278  1.00 23.42           O  
HETATM 1004  O   HOH A 142      -5.708   7.923   9.296  1.00 23.03           O  
HETATM 1005  O   HOH A 143      -2.273   0.495  -9.570  1.00 24.70           O  
HETATM 1006  O   HOH A 144      -7.692  10.008   5.442  1.00 24.88           O  
HETATM 1007  O   HOH A 145       3.487   9.360   9.390  1.00 25.51           O  
HETATM 1008  O   HOH A 146       7.064  12.477   5.494  1.00 28.61           O  
HETATM 1009  O   HOH A 147       0.734  -7.651   5.436  1.00 25.79           O  
HETATM 1010  O   HOH A 148      10.353  17.192  -6.823  1.00 27.44           O  
HETATM 1011  O   HOH A 149      -7.419   5.584  -7.425  1.00 27.39           O  
HETATM 1012  O   HOH A 150      -5.850   1.829  15.388  1.00 26.29           O  
HETATM 1013  O   HOH A 151      14.375  12.331   7.160  1.00 29.18           O  
HETATM 1014  O   HOH A 152       6.711  17.738  -1.638  1.00 28.57           O  
HETATM 1015  O   HOH A 153      -4.532  10.076   9.894  1.00 30.01           O  
HETATM 1016  O   HOH A 154      -6.206  12.097  -7.576  1.00 29.52           O  
HETATM 1017  O   HOH A 155       1.534  -3.518  -7.295  1.00 31.92           O  
HETATM 1018  O   HOH A 156      17.825   7.557   2.441  1.00 31.70           O  
HETATM 1019  O   HOH A 157      16.158   5.965  10.301  1.00 30.24           O  
HETATM 1020  O   HOH A 158      -9.081   2.095  -5.244  1.00 31.72           O  
HETATM 1021  O   HOH A 159       2.374  13.161 -12.571  1.00 34.08           O  
HETATM 1022  O   HOH A 160      11.420  17.774   0.118  1.00 33.05           O  
HETATM 1023  O   HOH A 161      -0.610  -7.173   2.804  1.00 34.40           O  
HETATM 1024  O   HOH A 162      -4.411  -1.421  16.558  1.00 33.80           O  
HETATM 1025  O   HOH A 163       3.540   3.568  10.085  1.00 36.14           O  
HETATM 1026  O   HOH A 164     -10.762   1.952   5.470  1.00 32.00           O  
HETATM 1027  O   HOH A 165       3.786  -4.313  -0.330  1.00 35.82           O  
HETATM 1028  O   HOH A 166      -4.342  -7.335   1.073  1.00 36.38           O  
HETATM 1029  O   HOH A 167      -3.762  -2.249 -10.538  1.00 37.71           O  
HETATM 1030  O   HOH A 168      -4.380  -6.147  10.707  1.00 35.71           O  
HETATM 1031  O   HOH A 169      -9.196  -3.687  -2.583  1.00 35.63           O  
HETATM 1032  O   HOH A 170      -0.246  -5.749  -3.302  1.00 41.49           O  
HETATM 1033  O   HOH A 171       4.956   3.977 -10.505  1.00 38.79           O  
HETATM 1034  O   HOH A 172       4.172   6.512   9.615  1.00 37.58           O  
HETATM 1035  O   HOH A 173     -10.210  -1.644  -6.176  1.00 38.77           O  
HETATM 1036  O   HOH A 174      -8.003  -1.751  -4.800  1.00 38.85           O  
HETATM 1037  O   HOH A 175       8.251  15.717   1.614  1.00 40.91           O  
HETATM 1038  O   HOH A 176      -6.862   5.777  12.505  1.00 41.59           O  
HETATM 1039  O   HOH A 177     -11.272   4.607  -3.633  1.00 42.07           O  
HETATM 1040  O   HOH A 178       1.913  11.489 -14.698  1.00 46.22           O  
HETATM 1041  O   HOH A 179     -10.158   1.967   9.818  1.00 57.76           O  
HETATM 1042  O   HOH A 180      12.149 -10.071   2.395  1.00 38.63           O  
HETATM 1043  O   HOH A 181      11.099  11.413  -9.583  1.00 33.81           O  
HETATM 1044  O   HOH A 182      -2.932   3.951 -12.073  1.00 39.16           O  
HETATM 1045  O   HOH A 183       2.346  -5.486   1.993  1.00 35.80           O  
HETATM 1046  O   HOH A 184      -0.184   8.566  11.895  1.00 47.52           O  
HETATM 1047  O   HOH A 185      13.934   9.304   7.055  1.00 47.11           O  
HETATM 1048  O   HOH A 186      -7.251   1.482 -12.526  1.00 50.76           O  
HETATM 1049  O   HOH A 187      -7.764  -3.275   9.377  1.00 47.89           O  
HETATM 1050  O   HOH A 188      11.738  14.971   6.074  1.00 57.38           O  
HETATM 1051  O   HOH A 189      -1.127   3.402  14.542  1.00 47.74           O  
HETATM 1052  O   HOH A 190      -4.920   5.825 -12.112  1.00 45.66           O  
HETATM 1053  O   HOH A 191       6.842  10.673 -11.010  1.00 44.50           O  
HETATM 1054  O   HOH A 192       1.940   3.259 -13.139  1.00 42.11           O  
HETATM 1055  O   HOH A 193       8.906   6.355   7.428  1.00 31.04           O  
TER

h k l Fcalc Pcalc

0 0 2 652.174471 180.00

0 0 4 525.650430 0.00

0 0 6 138.381123 180.00

0 0 8 251.606573 180.00

0 0 10 203.778399 180.00

0 0 12 122.982626 0.00

0 0 14 136.740159 0.00

0 1 1 2425.028432 90.00

0 1 2 248.132376 -90.00

0 1 3 175.581784 -90.00

0 1 4 82.110309 90.00

0 1 5 266.720067 -90.00

0 1 6 275.265135 90.00

0 1 7 378.342557 90.00

0 1 8 264.073381 -90.00

0 1 9 106.970434 -90.00

0 1 10 225.289198 -90.00

0 1 11 108.657936 -90.00

0 1 12 109.145354 -90.00

0 1 13 103.421329 90.00

0 1 14 76.585089 90.00

0 1 15 181.575899 90.00

0 2 0 1014.534660 0.00

0 2 1 202.012363 0.00

0 2 2 267.747015 0.00

0 2 3 86.981351 -0.00

0 2 4 75.905791 0.00

0 2 5 282.675784 0.00

0 2 6 265.284464 180.00

0 2 7 38.430220 180.00

0 2 8 288.693525 0.00

0 2 9 263.727344 -0.00

0 2 10 186.489510 180.00

0 2 11 75.603003 180.00

0 2 12 12.598274 0.00

0 2 13 152.742675 180.00

0 2 14 52.088714 180.00

0 3 1 441.801953 -90.00

0 3 2 442.300846 -90.00

0 3 3 138.420892 -90.00

0 3 4 343.097017 -90.00

0 3 5 22.863954 90.00

0 3 6 42.227169 -90.00

0 3 7 544.315315 90.00

0 3 8 56.349976 -90.00

0 3 9 2.133948 90.00

0 3 10 83.587459 -90.00

0 3 11 59.762289 -90.00

0 3 12 160.158716 -90.00

0 3 13 94.729497 90.00

0 3 14 13.186538 90.00

0 4 0 261.819205 180.00

0 4 1 266.804982 180.00

0 4 2 63.967934 0.00

0 4 3 17.445601 0.00

0 4 4 152.246108 180.00

0 4 5 331.260685 180.00

0 4 6 60.379583 0.00

0 4 7 206.410803 -0.00

0 4 8 523.405452 180.00

0 4 9 173.633243 180.00

0 4 10 78.881316 0.00

0 4 11 301.065336 -0.00

0 4 12 21.251893 0.00

0 4 13 165.764694 0.00

0 4 14 88.100640 180.00

0 5 1 238.739136 -90.00

0 5 2 34.858733 90.00

0 5 3 173.283801 90.00

0 5 4 327.545226 -90.00

0 5 5 2.899092 90.00

0 5 6 230.996151 -90.00

0 5 7 415.414449 -90.00

0 5 8 182.829793 -90.00

0 5 9 131.023307 90.00

0 5 10 386.341692 90.00

0 5 11 1.535899 90.00

0 5 12 85.932079 90.00

0 5 13 251.966002 -90.00

0 5 14 55.298386 90.00

0 6 0 157.561264 0.00

0 6 1 256.020085 180.00

0 6 2 27.121487 180.00

0 6 3 228.624416 -0.00

0 6 4 196.508093 0.00

0 6 5 182.255272 -0.00

0 6 6 32.312024 0.00

0 6 7 424.022680 -0.00

0 6 8 177.818289 180.00

0 6 9 43.529659 -180.00

0 6 10 274.338811 180.00

0 6 11 56.226564 180.00

0 6 12 226.970854 0.00

0 6 13 207.681776 0.00

0 6 14 266.286378 0.00

0 7 1 256.685674 90.00

0 7 2 36.769931 90.00

0 7 3 293.668667 90.00

0 7 4 163.722628 90.00

0 7 5 440.379139 90.00

0 7 6 153.809250 90.00

0 7 7 214.175007 -90.00

0 7 8 97.482516 -90.00

0 7 9 250.040366 -90.00

0 7 10 94.898249 -90.00

0 7 11 234.465506 90.00

0 7 12 272.065397 90.00

0 7 13 195.314212 90.00

0 7 14 42.249142 -90.00

0 8 0 1.110494 0.00

0 8 1 355.343463 180.00

0 8 2 242.175063 180.00

0 8 3 90.075536 -0.00

0 8 4 151.474956 180.00

0 8 5 293.660785 180.00

0 8 6 190.833043 180.00

0 8 7 138.751496 -0.00

0 8 8 108.876103 0.00

0 8 9 75.104078 0.00

0 8 10 71.885872 180.00

0 8 11 162.033343 -180.00

0 8 12 100.784396 180.00

0 8 13 159.554392 -0.00

0 9 1 157.317526 90.00

0 9 2 72.392082 -90.00

0 9 3 211.860947 -90.00

0 9 4 263.729660 -90.00

0 9 5 178.366061 90.00

0 9 6 266.716875 90.00

0 9 7 155.533937 -90.00

0 9 8 318.298348 -90.00

0 9 9 133.441966 90.00

0 9 10 268.441674 -90.00

0 9 11 92.437582 -90.00

0 9 12 56.971015 -90.00

0 9 13 54.992864 90.00

0 10 0 473.492427 180.00

0 10 1 419.788285 180.00

0 10 2 465.545462 0.00

0 10 3 155.070850 0.00

0 10 4 235.637723 0.00

0 10 5 300.789084 180.00

0 10 6 127.064174 180.00

0 10 7 4.435789 -0.00

0 10 8 158.014397 180.00

0 10 9 143.175553 -0.00

0 10 10 18.734163 180.00

0 10 11 73.833028 -0.00

0 10 12 144.804813 0.00

0 10 13 32.571204 0.00

0 11 1 88.242926 90.00

0 11 2 240.077584 90.00

0 11 3 50.046715 90.00

0 11 4 140.356926 90.00

0 11 5 32.852576 -90.00

0 11 6 105.352641 90.00

0 11 7 92.626094 -90.00

0 11 8 22.751843 90.00

0 11 9 204.041934 -90.00

0 11 10 107.429481 -90.00

0 11 11 38.308792 -90.00

0 11 12 42.314973 -90.00

0 12 0 198.516423 180.00

0 12 1 287.739341 -0.00

0 12 2 256.930905 0.00

0 12 3 302.858593 180.00

0 12 4 28.166035 180.00

0 12 5 186.212925 180.00

0 12 6 44.092537 180.00

0 12 7 157.014068 180.00

0 12 8 47.813851 0.00

0 12 9 70.600474 0.00

0 12 10 345.381116 0.00

0 12 11 19.601902 0.00

0 12 12 37.186528 180.00

0 13 1 20.078238 -90.00

0 13 2 17.970343 90.00

0 13 3 164.225918 90.00

0 13 4 172.476141 90.00

0 13 5 206.870805 90.00

0 13 6 71.222916 90.00

0 13 7 27.631909 90.00

0 13 8 29.936026 90.00

0 13 9 62.003520 90.00

0 13 10 71.450505 90.00

0 13 11 99.370346 90.00

0 14 0 230.921302 180.00

0 14 1 39.391748 180.00

0 14 2 153.695464 0.00

0 14 3 65.227161 0.00

0 14 4 76.056457 180.00

0 14 5 93.232429 180.00

0 14 6 54.334753 180.00

0 14 7 14.385556 180.00

0 14 8 77.129970 0.00

0 14 9 49.106133 0.00

0 14 10 90.027770 0.00

0 15 1 87.257731 -90.00

0 15 2 99.199010 -90.00

0 15 3 1.216712 90.00

0 15 4 103.411423 90.00

0 15 5 71.016569 -90.00

0 15 6 92.549915 -90.00

0 15 7 53.543787 90.00

0 15 8 80.959576 90.00

0 15 9 62.576474 90.00

0 15 10 61.261909 -90.00

0 16 0 100.096836 0.00

0 16 1 66.912299 0.00

0 16 2 31.523966 180.00

0 16 3 17.462975 -0.00

0 16 4 104.064217 180.00

0 16 5 26.681255 180.00

0 16 6 85.590315 0.00

0 16 7 233.904557 -0.00

0 16 8 48.994845 0.00

0 16 9 51.538657 180.00

0 17 1 131.690408 90.00

0 17 2 17.053707 -90.00

0 17 3 168.297631 -90.00

0 17 4 70.859435 -90.00

0 17 5 48.189540 90.00

0 17 6 26.467645 -90.00

0 17 7 64.195267 90.00

0 17 8 134.614106 90.00

0 18 0 216.652350 -180.00

0 18 1 50.863588 -180.00

0 18 2 40.468503 180.00

0 18 3 80.450502 180.00

0 18 4 36.917234 0.00

0 18 5 46.141029 -180.00

0 18 6 115.153840 180.00

0 18 7 81.370895 180.00

0 19 1 9.789822 -90.00

0 19 2 195.989722 -90.00

0 19 3 114.741536 -90.00

0 19 4 268.168355 -90.00

0 19 5 215.891591 -90.00

0 20 0 85.999963 -0.00

0 20 1 114.352561 0.00

0 20 2 20.122560 0.00

1 0 1 25.208773 -90.00

1 0 2 370.722477 -180.00

1 0 3 48.670339 90.00

1 0 4 75.489786 0.00

1 0 5 63.778530 90.00

1 0 6 256.687527 180.00

1 0 7 172.469208 90.00

1 0 8 97.714194 180.00

1 0 9 46.366098 -90.00

1 0 10 80.406458 -0.00

1 0 11 261.099637 90.00

1 0 12 40.581678 0.00

1 0 13 122.543724 -90.00

1 0 14 82.639609 -0.00

1 0 15 7.401948 90.00

1 1 0 1136.953481 90.00

1 1 1 1085.350195 48.27

1 1 2 84.162488 50.61

1 1 3 129.516191 42.66

1 1 4 309.032096 60.14

1 1 5 122.479596 133.19

1 1 6 81.704601 170.85

1 1 7 191.376199 61.79

1 1 8 178.319760 -171.35

1 1 9 234.596033 -46.79

1 1 10 103.353368 -102.98

1 1 11 153.102940 -133.05

1 1 12 123.620240 50.05

1 1 13 138.516710 -10.94

1 1 14 151.654314 142.85

1 1 15 62.403090 102.45

1 2 0 267.362459 90.00

1 2 1 750.516305 49.61

1 2 2 392.294433 -100.66

1 2 3 286.460414 1.71

1 2 4 266.984431 -76.19

1 2 5 364.987998 56.55

1 2 6 69.055366 82.32

1 2 7 164.190138 -123.81

1 2 8 127.911076 84.18

1 2 9 78.060978 -132.79

1 2 10 297.442505 -33.03

1 2 11 83.103915 -170.08

1 2 12 143.623185 15.87

1 2 13 31.906193 -126.50

1 2 14 122.554265 63.60

1 3 0 408.566021 90.00

1 3 1 79.740065 -83.43

1 3 2 76.939465 -59.82

1 3 3 86.495362 78.16

1 3 4 242.317569 144.27

1 3 5 396.337088 57.36

1 3 6 130.032168 -165.61

1 3 7 371.190441 -161.52

1 3 8 121.494399 16.37

1 3 9 278.757299 25.99

1 3 10 198.253607 44.18

1 3 11 28.133326 121.48

1 3 12 78.784774 -152.68

1 3 13 106.523975 126.08

1 3 14 70.094280 -16.44

1 4 0 319.882738 -90.00

1 4 1 529.690316 -121.56

1 4 2 113.912033 168.80

1 4 3 146.861687 -134.33

1 4 4 204.730656 178.93

1 4 5 54.535976 -63.32

1 4 6 103.488857 61.21

1 4 7 322.086238 -142.95

1 4 8 223.182921 134.62

1 4 9 240.162378 122.60

1 4 10 133.554121 67.33

1 4 11 51.119942 -133.16

1 4 12 37.694893 176.88

1 4 13 113.969319 -26.63

1 4 14 121.360581 -124.94

1 5 0 156.817103 90.00

1 5 1 341.570074 -100.41

1 5 2 10.363616 -65.67

1 5 3 148.911974 123.14

1 5 4 187.506640 -19.79

1 5 5 392.384797 -120.84

1 5 6 157.846768 -38.25

1 5 7 250.793946 -129.25

1 5 8 192.438694 -38.18

1 5 9 111.978344 -150.60

1 5 10 76.613864 -114.48

1 5 11 139.846399 -176.77

1 5 12 124.250142 89.13

1 5 13 25.844791 27.90

1 5 14 34.268854 40.67

1 6 0 86.255401 -90.00

1 6 1 193.009165 164.77

1 6 2 143.218089 142.50

1 6 3 54.674464 74.01

1 6 4 6.526037 161.91

1 6 5 268.536327 45.54

1 6 6 75.540972 -39.39

1 6 7 122.086581 125.09

1 6 8 90.931406 -67.64

1 6 9 264.785415 -47.71

1 6 10 71.097461 3.41

1 6 11 100.310203 170.06

1 6 12 128.052632 -61.00

1 6 13 136.605764 112.87

1 6 14 87.644387 -16.93

1 7 0 86.802132 -90.00

1 7 1 191.045310 -64.28

1 7 2 101.614698 7.90

1 7 3 261.560586 133.95

1 7 4 282.048918 76.06

1 7 5 300.910185 -138.42

1 7 6 398.875161 -164.49

1 7 7 129.821329 6.49

1 7 8 229.193782 -26.94

1 7 9 73.997905 55.85

1 7 10 39.063401 96.83

1 7 11 210.386801 149.51

1 7 12 80.118048 87.34

1 7 13 226.730813 41.46

1 7 14 8.276805 148.75

1 8 0 225.132410 90.00

1 8 1 125.426376 -69.63

1 8 2 275.653846 49.78

1 8 3 64.213502 -101.28

1 8 4 126.403354 67.52

1 8 5 63.389193 -88.85

1 8 6 120.664009 -163.22

1 8 7 198.276501 -28.64

1 8 8 158.157470 84.59

1 8 9 132.953032 -173.52

1 8 10 58.005969 57.87

1 8 11 143.874534 -167.10

1 8 12 42.482702 -91.16

1 8 13 168.748678 126.04

1 9 0 150.569610 -90.00

1 9 1 188.901805 61.79

1 9 2 150.877944 57.17

1 9 3 281.605776 154.59

1 9 4 325.376597 48.95

1 9 5 211.875666 -61.49

1 9 6 320.742791 163.08

1 9 7 56.641201 175.94

1 9 8 119.873918 -72.79

1 9 9 114.803539 -71.69

1 9 10 39.555132 9.22

1 9 11 130.514003 165.41

1 9 12 58.493542 -170.18

1 9 13 38.229214 -141.12

1 10 0 903.239053 90.00

1 10 1 474.782439 36.46

1 10 2 527.704436 -108.72

1 10 3 130.753121 -94.18

1 10 4 224.333121 -30.02

1 10 5 228.344137 -117.57

1 10 6 199.876560 -97.15

1 10 7 182.918800 -124.99

1 10 8 203.740073 14.67

1 10 9 131.529731 -150.62

1 10 10 98.988886 19.56

1 10 11 38.438639 -152.31

1 10 12 113.588353 -39.77

1 10 13 85.255815 -35.38

1 11 0 40.249827 90.00

1 11 1 167.859764 -76.11

1 11 2 217.987031 73.36

1 11 3 309.714228 -18.48

1 11 4 142.993172 -50.64

1 11 5 218.646992 -33.91

1 11 6 175.877842 -76.97

1 11 7 40.475167 109.45

1 11 8 223.999000 -31.92

1 11 9 104.502528 -63.96

1 11 10 43.836003 -77.91

1 11 11 77.012629 -133.47

1 11 12 178.127340 54.33

1 12 0 68.965476 90.00

1 12 1 168.675368 -8.86

1 12 2 226.104968 116.90

1 12 3 54.103385 39.37

1 12 4 107.258197 174.43

1 12 5 240.269044 92.49

1 12 6 251.213190 75.68

1 12 7 134.390099 97.31

1 12 8 36.572569 -7.03

1 12 9 9.254690 -87.28

1 12 10 90.045368 -5.31

1 12 11 112.759637 84.53

1 12 12 56.658287 86.02

1 13 0 359.252634 -90.00

1 13 1 168.784738 44.64

1 13 2 200.774707 79.85

1 13 3 260.006227 -72.79

1 13 4 337.443425 149.51

1 13 5 171.075550 -155.58

1 13 6 84.686684 69.23

1 13 7 103.912179 15.90

1 13 8 88.431419 -77.21

1 13 9 92.544258 -153.84

1 13 10 87.676826 38.46

1 13 11 144.135056 -88.91

1 14 0 112.239480 90.00

1 14 1 183.041889 22.81

1 14 2 265.570857 142.98

1 14 3 234.028779 137.94

1 14 4 127.428670 -1.15

1 14 5 191.643186 -150.89

1 14 6 149.309306 99.14

1 14 7 111.283410 138.87

1 14 8 62.303898 -111.56

1 14 9 80.637651 61.05

1 14 10 14.923287 -65.14

1 15 0 258.214464 -90.00

1 15 1 126.165011 -131.12

1 15 2 143.296626 -150.39

1 15 3 218.008393 -91.89

1 15 4 271.965964 -57.69

1 15 5 225.506488 152.48

1 15 6 75.307473 -61.15

1 15 7 60.173969 27.64

1 15 8 75.126797 104.53

1 15 9 79.637431 147.67

1 15 10 28.288769 161.44

1 16 0 34.804492 90.00

1 16 1 222.561247 23.59

1 16 2 86.046197 -26.44

1 16 3 73.579704 -52.55

1 16 4 108.112151 -88.40

1 16 5 179.478117 81.62

1 16 6 81.595729 14.81

1 16 7 101.565172 95.35

1 16 8 142.433359 -112.98

1 16 9 56.082434 -178.98

1 17 0 266.428347 90.00

1 17 1 98.748083 140.04

1 17 2 72.041694 -111.72

1 17 3 41.273406 15.70

1 17 4 196.472157 -110.46

1 17 5 81.278127 -121.59

1 17 6 198.411804 -92.62

1 17 7 107.257142 5.06

1 17 8 152.071179 133.85

1 18 0 16.736063 90.00

1 18 1 87.023814 170.00

1 18 2 130.957709 -111.16

1 18 3 109.377939 -41.44

1 18 4 171.604598 -79.92

1 18 5 193.457504 -29.41

1 18 6 23.983638 -3.97

1 19 0 121.211086 90.00

1 19 1 112.088241 -131.11

1 19 2 77.063807 -163.99

1 19 3 125.929558 -109.25

1 19 4 214.511817 10.92

1 19 5 98.493391 -3.42

1 20 0 54.533364 90.00

1 20 1 192.060972 -80.14

1 20 2 140.343917 -22.97

2 0 0 1279.130562 -0.00

2 0 1 179.236779 -90.00

2 0 2 1137.462709 180.00

2 0 3 110.622453 -90.00

2 0 4 58.157088 180.00

2 0 5 83.923033 -90.00

2 0 6 293.861869 0.00

2 0 7 247.402358 -90.00

2 0 8 258.983320 180.00

2 0 9 437.508794 90.00

2 0 10 103.844290 -0.00

2 0 11 42.383561 -90.00

2 0 12 27.034218 180.00

2 0 13 36.947634 90.00

2 0 14 82.752746 0.00

2 1 0 141.536024 180.00

2 1 1 70.154638 27.49

2 1 2 381.340245 -98.41

2 1 3 233.818248 86.99

2 1 4 128.572386 10.31

2 1 5 53.927643 -140.35

2 1 6 301.574011 64.88

2 1 7 261.780590 168.48

2 1 8 147.786490 175.59

2 1 9 287.710102 -60.33

2 1 10 122.175511 112.94

2 1 11 92.843855 -87.73

2 1 12 109.173418 105.15

2 1 13 114.135572 166.43

2 1 14 19.565151 128.58

2 2 0 276.189442 -180.00

2 2 1 441.437173 -38.58

2 2 2 241.908003 -22.09

2 2 3 253.028703 179.89

2 2 4 74.283912 178.63

2 2 5 171.323491 115.31

2 2 6 378.001360 84.00

2 2 7 74.788325 -82.26

2 2 8 316.524250 36.09

2 2 9 171.614592 22.39

2 2 10 77.531643 -112.33

2 2 11 185.327869 -106.41

2 2 12 55.538307 -65.48

2 2 13 118.992814 -161.41

2 2 14 98.570291 14.57

2 3 0 385.043566 -0.00

2 3 1 310.743885 42.27

2 3 2 196.465744 163.93

2 3 3 64.901181 78.13

2 3 4 238.057895 -164.00

2 3 5 201.986122 -160.23

2 3 6 298.593821 77.53

2 3 7 608.425212 173.54

2 3 8 50.058543 -2.61

2 3 9 103.978406 -21.21

2 3 10 145.655229 46.69

2 3 11 169.802915 -28.32

2 3 12 138.654593 -22.56

2 3 13 201.470457 106.39

2 3 14 13.168619 -11.79

2 4 0 128.401533 180.00

2 4 1 233.628592 4.81

2 4 2 93.362692 145.98

2 4 3 176.031630 -167.64

2 4 4 97.123841 166.71

2 4 5 182.647017 -75.96

2 4 6 78.189679 162.42

2 4 7 111.447870 25.53

2 4 8 272.622689 -150.47

2 4 9 67.279044 -107.43

2 4 10 114.112281 105.01

2 4 11 102.832917 7.27

2 4 12 20.142314 -59.66

2 4 13 148.530907 -72.57

2 4 14 87.999243 -160.60

2 5 0 127.582685 -0.00

2 5 1 218.881137 -83.48

2 5 2 138.601782 -133.06

2 5 3 254.499430 167.12

2 5 4 81.956304 76.86

2 5 5 410.371506 -161.10

2 5 6 223.260152 -112.56

2 5 7 226.242487 -92.56

2 5 8 199.404606 -8.27

2 5 9 77.295264 47.58

2 5 10 218.161445 135.53

2 5 11 262.075287 -6.93

2 5 12 214.274880 -19.33

2 5 13 101.004351 -46.42

2 5 14 179.263954 -153.93

2 6 0 75.692384 180.00

2 6 1 46.530121 135.43

2 6 2 159.693595 -48.39

2 6 3 478.388029 175.46

2 6 4 167.171601 -146.70

2 6 5 363.446345 -41.94

2 6 6 154.614611 -76.25

2 6 7 315.209782 -61.10

2 6 8 58.951305 -158.80

2 6 9 137.236132 154.59

2 6 10 124.442314 122.99

2 6 11 115.535349 -108.82

2 6 12 76.956139 113.72

2 6 13 116.034516 -86.01

2 6 14 132.365953 26.45

2 7 0 196.588535 -0.00

2 7 1 340.328813 136.78

2 7 2 277.497110 -116.35

2 7 3 107.146380 62.41

2 7 4 328.440161 -176.10

2 7 5 395.462332 94.50

2 7 6 315.060546 -19.83

2 7 7 143.814004 5.73

2 7 8 133.162221 -108.60

2 7 9 222.686649 -88.86

2 7 10 20.833994 7.07

2 7 11 20.593978 -77.86

2 7 12 207.047506 18.71

2 7 13 73.139782 -167.25

2 7 14 34.306698 -123.43

2 8 0 213.515671 -0.00

2 8 1 161.322684 -100.19

2 8 2 469.246277 -161.09

2 8 3 53.611270 -34.75

2 8 4 375.934192 144.36

2 8 5 115.896691 173.11

2 8 6 226.996441 47.08

2 8 7 99.287355 -1.74

2 8 8 186.376457 -12.11

2 8 9 71.740634 65.14

2 8 10 79.240017 -42.60

2 8 11 60.280014 165.09

2 8 12 125.874168 -91.78

2 8 13 92.523409 104.69

2 9 0 539.790916 -0.00

2 9 1 289.489401 93.56

2 9 2 253.351796 53.86

2 9 3 321.340216 -114.82

2 9 4 226.007614 166.85

2 9 5 266.867086 93.12

2 9 6 99.719273 -62.83

2 9 7 164.264426 38.29

2 9 8 152.142481 -113.50

2 9 9 149.742880 -86.35

2 9 10 212.789038 114.72

2 9 11 60.787989 -7.02

2 9 12 12.571824 -127.14

2 9 13 80.709372 53.60

2 10 0 60.168663 0.00

2 10 1 332.490283 -178.05

2 10 2 247.865745 -106.64

2 10 3 150.710818 -102.64

2 10 4 171.172262 45.77

2 10 5 340.943329 53.35

2 10 6 83.031917 91.30

2 10 7 42.476336 16.62

2 10 8 194.258332 -27.81

2 10 9 161.875591 -63.31

2 10 10 111.117719 132.21

2 10 11 73.361800 -143.61

2 10 12 126.682787 -151.32

2 10 13 17.647513 34.68

2 11 0 112.618637 -0.00

2 11 1 525.202954 57.80

2 11 2 333.664050 -103.92

2 11 3 198.941810 -79.88

2 11 4 296.628826 91.25

2 11 5 193.231147 -6.58

2 11 6 43.336786 148.15

2 11 7 272.684493 27.87

2 11 8 119.868264 134.95

2 11 9 80.374485 -89.77

2 11 10 83.340662 117.89

2 11 11 78.705601 -148.81

2 11 12 32.762032 -19.91

2 12 0 178.641780 -0.00

2 12 1 348.072732 -63.82

2 12 2 191.536066 127.84

2 12 3 135.383322 -10.91

2 12 4 186.684357 -33.89

2 12 5 134.692670 73.66

2 12 6 149.451727 117.44

2 12 7 157.562862 -119.11

2 12 8 154.776740 -57.93

2 12 9 81.288596 -79.76

2 12 10 161.971362 -50.14

2 12 11 170.475956 -52.31

2 12 12 153.960377 -143.65

2 13 0 13.946646 180.00

2 13 1 341.060320 161.79

2 13 2 78.462082 -35.03

2 13 3 236.932798 59.32

2 13 4 139.193432 42.32

2 13 5 212.451996 -94.03

2 13 6 106.858796 -85.10

2 13 7 245.150006 17.26

2 13 8 43.606023 128.30

2 13 9 166.239799 129.16

2 13 10 136.954674 -23.25

2 13 11 105.350131 43.61

2 14 0 333.118879 -0.00

2 14 1 41.384269 24.63

2 14 2 112.682453 -35.61

2 14 3 231.673722 -5.84

2 14 4 102.811645 -145.58

2 14 5 114.438736 -135.22

2 14 6 55.447840 137.47

2 14 7 146.456774 -143.36

2 14 8 181.227411 168.32

2 14 9 140.776892 -27.59

2 14 10 128.350150 -137.54

2 15 0 17.131531 -180.00

2 15 1 424.712724 101.85

2 15 2 103.563861 86.38

2 15 3 59.644723 -22.62

2 15 4 177.403900 58.94

2 15 5 233.628031 120.18

2 15 6 59.322503 -18.45

2 15 7 170.379768 -62.55

2 15 8 220.429992 11.04

2 15 9 223.959262 -131.66

2 15 10 57.790078 113.72

2 16 0 229.916141 180.00

2 16 1 159.802809 144.04

2 16 2 95.661376 -145.57

2 16 3 238.493513 -104.80

2 16 4 113.418177 -117.53

2 16 5 77.465095 105.73

2 16 6 47.500543 -69.05

2 16 7 44.916846 15.49

2 16 8 40.033282 -42.15

2 16 9 22.216101 -160.77

2 17 0 110.938390 -180.00

2 17 1 222.001889 -51.10

2 17 2 138.651171 -22.01

2 17 3 113.818460 -145.80

2 17 4 51.299462 129.68

2 17 5 135.247487 28.96

2 17 6 174.289468 138.26

2 17 7 103.964072 -146.68

2 17 8 184.164104 28.42

2 18 0 34.984133 -180.00

2 18 1 135.019110 89.09

2 18 2 70.292945 -7.93

2 18 3 63.003643 31.42

2 18 4 48.880921 35.48

2 18 5 209.258348 -139.30

2 18 6 23.314108 -54.46

2 19 0 186.192806 180.00

2 19 1 139.183867 24.80

2 19 2 146.014952 23.02

2 19 3 30.999609 136.59

2 19 4 133.473428 -19.86

2 19 5 53.774576 36.68

2 20 0 306.707199 180.00

2 20 1 111.778504 -79.42

2 20 2 61.350267 147.96

3 0 1 369.588363 90.00

3 0 2 317.645021 180.00

3 0 3 51.657174 -90.00

3 0 4 25.430621 0.00

3 0 5 17.852145 -90.00

3 0 6 296.405119 180.00

3 0 7 53.219902 90.00

3 0 8 95.967884 -180.00

3 0 9 34.803535 90.00

3 0 10 236.191256 180.00

3 0 11 26.964197 -90.00

3 0 12 58.237940 -0.00

3 0 13 9.694240 -90.00

3 0 14 39.316568 180.00

3 1 0 1352.901782 -90.00

3 1 1 326.373892 -179.57

3 1 2 179.390008 -132.00

3 1 3 326.587589 2.36

3 1 4 332.118674 -142.11

3 1 5 288.507629 -92.04

3 1 6 84.955836 -169.48

3 1 7 278.126425 41.78

3 1 8 338.933667 -22.70

3 1 9 109.861672 -166.13

3 1 10 98.250671 -113.65

3 1 11 208.477614 -1.64

3 1 12 57.026693 45.05

3 1 13 112.684241 -10.47

3 1 14 141.701178 68.64

3 2 0 150.897594 90.00

3 2 1 673.787038 -157.10

3 2 2 413.006060 159.08

3 2 3 305.330215 117.47

3 2 4 367.531611 173.49

3 2 5 296.324898 -61.16

3 2 6 365.972778 166.20

3 2 7 406.040927 64.93

3 2 8 159.968153 -100.28

3 2 9 122.049648 54.34

3 2 10 250.750867 149.10

3 2 11 63.269376 -48.85

3 2 12 71.713356 56.40

3 2 13 69.689951 106.91

3 2 14 139.441114 73.24

3 3 0 35.603797 90.00

3 3 1 59.171570 -148.59

3 3 2 48.036042 -148.54

3 3 3 332.822992 -93.31

3 3 4 175.262845 149.62

3 3 5 159.341695 64.66

3 3 6 200.679710 -106.61

3 3 7 209.970608 -77.07

3 3 8 300.153046 2.29

3 3 9 331.483300 159.98

3 3 10 95.734481 159.72

3 3 11 184.347599 -92.53

3 3 12 59.176825 -113.59

3 3 13 74.245062 -80.15

3 3 14 70.995055 15.76

3 4 0 80.441894 90.00

3 4 1 250.186113 -97.20

3 4 2 28.132785 76.02

3 4 3 153.853231 -128.36

3 4 4 197.433371 -156.78

3 4 5 435.687214 -30.36

3 4 6 334.618747 148.46

3 4 7 194.265086 132.03

3 4 8 115.207337 -70.44

3 4 9 61.059910 23.99

3 4 10 182.075438 -19.04

3 4 11 173.056513 112.39

3 4 12 191.582484 26.13

3 4 13 73.300436 -64.06

3 4 14 75.182001 -18.77

3 5 0 2.245810 90.00

3 5 1 30.416507 -119.19

3 5 2 23.736021 148.86

3 5 3 289.553738 -109.69

3 5 4 136.355821 -34.27

3 5 5 241.676226 -11.39

3 5 6 150.568372 140.40

3 5 7 42.889870 141.93

3 5 8 168.884074 -150.63

3 5 9 187.087797 104.75

3 5 10 77.905014 -7.03

3 5 11 116.617790 50.55

3 5 12 32.517660 -109.06

3 5 13 167.284906 149.27

3 5 14 1.526805 165.82

3 6 0 161.554967 -90.00

3 6 1 140.753489 122.20

3 6 2 352.402185 17.07

3 6 3 133.453420 -38.79

3 6 4 168.334228 123.85

3 6 5 48.393942 32.94

3 6 6 36.916926 97.05

3 6 7 151.683077 -111.20

3 6 8 262.026996 145.26

3 6 9 127.844623 -19.41

3 6 10 274.066621 -76.97

3 6 11 129.879261 132.17

3 6 12 34.380572 -115.51

3 6 13 58.526254 93.40

3 6 14 101.926511 -68.72

3 7 0 85.896300 90.00

3 7 1 180.058690 -7.46

3 7 2 256.426958 81.03

3 7 3 264.187979 162.10

3 7 4 491.257805 164.64

3 7 5 166.720637 -172.12

3 7 6 124.395672 -173.33

3 7 7 438.379508 -66.16

3 7 8 111.708902 49.64

3 7 9 79.721310 -135.21

3 7 10 94.151514 37.91

3 7 11 123.722447 -56.11

3 7 12 25.226002 -115.80

3 7 13 45.502456 -45.43

3 8 0 127.996498 90.00

3 8 1 156.380943 -160.33

3 8 2 186.968544 -88.23

3 8 3 230.845992 -114.85

3 8 4 428.561283 -129.17

3 8 5 294.458588 -150.20

3 8 6 438.260190 60.08

3 8 7 231.886067 34.82

3 8 8 23.826212 -53.59

3 8 9 114.239676 148.66

3 8 10 130.563265 -108.98

3 8 11 38.334987 -122.61

3 8 12 170.951575 21.80

3 8 13 66.405608 132.97

3 9 0 332.622003 90.00

3 9 1 174.900251 -145.66

3 9 2 287.696445 -113.00

3 9 3 119.985128 157.28

3 9 4 60.141937 50.64

3 9 5 51.189082 -146.36

3 9 6 106.825322 -124.13

3 9 7 159.762382 -175.31

3 9 8 78.762522 82.26

3 9 9 151.791809 -52.76

3 9 10 98.875286 -43.31

3 9 11 98.034288 44.61

3 9 12 188.716645 -119.66

3 9 13 57.855004 -30.33

3 10 0 362.238931 90.00

3 10 1 324.329298 -162.02

3 10 2 350.901221 -67.52

3 10 3 83.147139 -91.84

3 10 4 108.637444 -105.92

3 10 5 49.652570 -90.85

3 10 6 207.686245 175.62

3 10 7 302.730217 145.60

3 10 8 66.828811 -63.09

3 10 9 159.156772 5.15

3 10 10 156.547072 161.23

3 10 11 63.000456 83.94

3 10 12 168.942971 89.60

3 11 0 668.600784 -90.00

3 11 1 185.240669 -129.95

3 11 2 74.186787 -25.79

3 11 3 219.449329 98.09

3 11 4 152.035701 13.43

3 11 5 70.552549 -100.28

3 11 6 258.500143 -61.42

3 11 7 183.139234 -111.60

3 11 8 59.741911 120.67

3 11 9 180.095948 -13.71

3 11 10 160.774317 -97.16

3 11 11 90.831088 -162.03

3 11 12 74.900946 -73.72

3 12 0 480.955546 -90.00

3 12 1 226.970865 -97.86

3 12 2 73.816234 27.92

3 12 3 204.138136 95.99

3 12 4 28.808136 171.32

3 12 5 133.495646 42.17

3 12 6 136.960244 -9.65

3 12 7 200.596410 89.63

3 12 8 78.476640 65.39

3 12 9 189.896683 -5.97

3 12 10 120.374618 80.51

3 12 11 151.276504 151.17

3 13 0 237.516829 -90.00

3 13 1 189.156402 18.07

3 13 2 25.868662 -34.20

3 13 3 320.996948 -117.73

3 13 4 88.624200 -161.99

3 13 5 129.206800 -153.30

3 13 6 280.149804 -101.06

3 13 7 68.632827 -165.41

3 13 8 111.832248 -151.84

3 13 9 73.627989 107.02

3 13 10 43.170236 -31.42

3 13 11 121.379619 131.94

3 14 0 26.723458 90.00

3 14 1 236.889601 83.76

3 14 2 118.091141 32.16

3 14 3 118.409231 175.25

3 14 4 76.755602 -50.88

3 14 5 160.402150 -53.49

3 14 6 69.404854 38.10

3 14 7 270.025645 -3.58

3 14 8 149.470148 57.79

3 14 9 38.695884 -87.37

3 14 10 112.310858 172.17

3 15 0 98.443659 -90.00

3 15 1 54.060998 -38.33

3 15 2 204.299516 136.32

3 15 3 57.898638 -110.19

3 15 4 84.782563 -118.04

3 15 5 36.259143 -16.10

3 15 6 64.877754 -58.34

3 15 7 75.975608 -131.43

3 15 8 58.191854 36.33

3 15 9 20.108371 49.31

3 16 0 29.429542 -90.00

3 16 1 18.318981 82.04

3 16 2 31.568193 122.75

3 16 3 199.510432 -116.50

3 16 4 162.354700 79.24

3 16 5 205.910635 127.61

3 16 6 116.656653 -38.46

3 16 7 128.610839 44.56

3 16 8 90.083019 120.43

3 16 9 105.825663 108.57

3 17 0 73.671026 90.00

3 17 1 140.918088 -110.61

3 17 2 65.723038 159.68

3 17 3 82.323800 107.24

3 17 4 190.965020 -124.51

3 17 5 100.386064 -176.53

3 17 6 209.920288 159.36

3 17 7 113.441024 61.82

3 17 8 29.210607 -162.11

3 18 0 72.651006 -90.00

3 18 1 71.389259 53.90

3 18 2 109.263367 48.96

3 18 3 50.595329 -50.64

3 18 4 89.295560 107.82

3 18 5 81.072296 92.93

3 18 6 119.024538 123.73

3 19 0 42.980118 90.00

3 19 1 38.601146 -98.15

3 19 2 51.932837 114.02

3 19 3 172.091963 126.45

3 19 4 206.999093 -142.07

3 19 5 158.824496 155.97

3 20 0 11.517708 -90.00

3 20 1 98.787694 155.15

4 0 0 633.352754 180.00

4 0 1 54.050525 90.00

4 0 2 285.534738 0.00

4 0 3 114.344244 -90.00

4 0 4 189.802170 0.00

4 0 5 471.195293 -90.00

4 0 6 474.751974 0.00

4 0 7 178.749321 -90.00

4 0 8 105.606341 -180.00

4 0 9 157.245234 -90.00

4 0 10 197.649167 0.00

4 0 11 202.275522 -90.00

4 0 12 87.382807 180.00

4 0 13 111.032978 90.00

4 0 14 79.594120 0.00

4 1 0 67.848320 180.00

4 1 1 87.037254 -168.59

4 1 2 206.804704 172.22

4 1 3 68.475681 74.08

4 1 4 84.116427 122.72

4 1 5 338.477436 31.19

4 1 6 93.497566 -61.55

4 1 7 214.210757 87.44

4 1 8 158.745991 67.57

4 1 9 48.076675 133.36

4 1 10 279.883304 -63.16

4 1 11 227.930886 -83.06

4 1 12 138.964319 101.83

4 1 13 131.910523 149.21

4 1 14 30.851646 136.72

4 2 0 1173.779740 180.00

4 2 1 121.847618 105.27

4 2 2 343.790558 170.22

4 2 3 108.647222 65.98

4 2 4 106.487453 -57.08

4 2 5 229.699123 -73.54

4 2 6 401.269087 -4.19

4 2 7 119.970482 72.28

4 2 8 99.690681 -163.67

4 2 9 198.163105 -94.64

4 2 10 372.932616 -48.90

4 2 11 110.728701 -168.45

4 2 12 64.399310 -64.84

4 2 13 88.792208 -168.29

4 2 14 53.526199 -124.37

4 3 0 15.350612 -0.00

4 3 1 190.572295 -107.63

4 3 2 92.262923 -15.08

4 3 3 102.799407 93.09

4 3 4 37.154776 125.43

4 3 5 223.333057 -25.56

4 3 6 251.988756 -105.80

4 3 7 99.009795 -96.38

4 3 8 210.040072 -153.70

4 3 9 114.722191 16.24

4 3 10 174.626189 -66.38

4 3 11 97.269172 -6.48

4 3 12 41.443038 -22.03

4 3 13 146.897927 -161.19

4 3 14 122.905869 -173.91

4 4 0 14.241779 0.00

4 4 1 136.245079 150.08

4 4 2 155.370590 -98.50

4 4 3 290.895299 112.67

4 4 4 149.549248 -105.07

4 4 5 120.977619 12.59

4 4 6 174.024348 -38.56

4 4 7 119.849186 -96.95

4 4 8 194.747697 51.47

4 4 9 158.900667 -74.95

4 4 10 15.645455 163.09

4 4 11 114.512938 38.23

4 4 12 92.085180 -6.04

4 4 13 200.491518 -85.71

4 4 14 125.913139 -122.33

4 5 0 38.616239 -0.00

4 5 1 170.411869 37.18

4 5 2 65.285288 65.50

4 5 3 411.507974 116.48

4 5 4 202.703612 151.08

4 5 5 210.627524 -11.71

4 5 6 110.140512 -142.64

4 5 7 98.079888 -162.00

4 5 8 25.895212 74.33

4 5 9 92.504243 164.92

4 5 10 136.850137 -154.63

4 5 11 25.173653 -80.62

4 5 12 135.761860 9.41

4 5 13 72.034777 -156.90

4 5 14 176.877666 -39.05

4 6 0 246.140131 180.00

4 6 1 294.161119 155.99

4 6 2 343.648169 -113.90

4 6 3 405.338164 24.41

4 6 4 565.353080 -104.12

4 6 5 313.696014 78.21

4 6 6 173.320412 5.30

4 6 7 230.283892 -169.13

4 6 8 159.793538 162.70

4 6 9 59.515972 -129.10

4 6 10 50.328551 22.75

4 6 11 151.991485 121.99

4 6 12 48.166301 80.53

4 6 13 71.899169 73.10

4 6 14 40.007758 -143.81

4 7 0 53.838906 180.00

4 7 1 236.696959 -92.81

4 7 2 36.455920 129.54

4 7 3 391.340590 -25.66

4 7 4 292.789399 116.81

4 7 5 166.648249 100.86

4 7 6 364.173015 -4.27

4 7 7 300.516546 151.17

4 7 8 258.414652 -166.69

4 7 9 86.818306 -50.37

4 7 10 32.419276 -93.23

4 7 11 144.154537 98.74

4 7 12 204.193813 -117.71

4 7 13 38.339659 -1.15

4 8 0 191.784939 -0.00

4 8 1 97.691854 -65.97

4 8 2 268.576178 106.21

4 8 3 107.805300 113.19

4 8 4 222.698957 -113.51

4 8 5 87.578316 173.58

4 8 6 191.238386 -135.52

4 8 7 203.517518 -5.07

4 8 8 132.262423 151.56

4 8 9 137.191256 -59.32

4 8 10 50.506417 80.57

4 8 11 225.610354 3.44

4 8 12 127.168267 15.97

4 8 13 83.496113 -108.99

4 9 0 223.096826 -0.00

4 9 1 432.244362 -139.25

4 9 2 217.124531 -79.28

4 9 3 165.454102 -105.01

4 9 4 297.110820 -112.27

4 9 5 453.498802 -103.19

4 9 6 219.033645 -95.39

4 9 7 189.705922 161.17

4 9 8 92.415588 -6.56

4 9 9 140.394017 -172.25

4 9 10 129.846366 111.05

4 9 11 197.339561 111.63

4 9 12 35.403673 19.86

4 9 13 88.364775 56.69

4 10 0 303.616561 -0.00

4 10 1 263.372637 -65.72

4 10 2 336.272490 -22.76

4 10 3 287.309951 -28.53

4 10 4 36.417165 -96.43

4 10 5 419.725691 -20.64

4 10 6 219.779924 -13.06

4 10 7 279.226042 -26.87

4 10 8 129.695250 -68.94

4 10 9 74.813885 10.02

4 10 10 96.178892 142.02

4 10 11 109.655955 42.22

4 10 12 73.790779 -54.10

4 11 0 128.405413 0.00

4 11 1 195.540219 17.40

4 11 2 246.559984 88.06

4 11 3 187.803308 171.41

4 11 4 75.451035 99.53

4 11 5 116.724764 -82.77

4 11 6 326.539272 28.95

4 11 7 162.490337 146.74

4 11 8 43.761495 -27.55

4 11 9 202.308059 128.73

4 11 10 35.343314 -41.10

4 11 11 12.730280 -65.16

4 11 12 19.266454 -17.01

4 12 0 237.305160 -0.00

4 12 1 105.294084 -73.99

4 12 2 232.923920 -106.80

4 12 3 78.316697 -120.51

4 12 4 104.482673 -91.90

4 12 5 129.453276 41.48

4 12 6 59.509044 64.04

4 12 7 276.280594 -119.53

4 12 8 217.899536 -104.54

4 12 9 43.355522 -173.82

4 12 10 157.976697 131.04

4 12 11 35.727295 -38.66

4 13 0 71.290902 180.00

4 13 1 138.557445 33.89

4 13 2 296.012100 95.29

4 13 3 261.109843 -20.58

4 13 4 80.021178 -75.86

4 13 5 82.942910 -125.36

4 13 6 246.109873 11.36

4 13 7 193.287729 61.18

4 13 8 103.778309 14.68

4 13 9 33.806015 -7.92

4 13 10 160.884428 -9.45

4 13 11 102.657556 -75.61

4 14 0 186.747417 180.00

4 14 1 121.923708 -173.89

4 14 2 98.557641 136.10

4 14 3 172.041971 -155.64

4 14 4 147.034712 43.40

4 14 5 227.733660 170.81

4 14 6 104.766847 -104.05

4 14 7 43.965158 28.11

4 14 8 68.843892 90.52

4 14 9 118.743081 149.10

4 14 10 128.504190 139.27

4 15 0 243.843504 -0.00

4 15 1 107.661061 -9.08

4 15 2 204.019447 168.40

4 15 3 148.860233 -92.69

4 15 4 148.811803 -84.64

4 15 5 160.732994 21.12

4 15 6 99.250424 -76.02

4 15 7 178.131721 -79.86

4 15 8 158.578804 170.51

4 15 9 12.383315 -138.55

4 16 0 182.666944 -0.00

4 16 1 157.844098 96.73

4 16 2 227.578425 116.06

4 16 3 204.786474 -142.13

4 16 4 104.553175 103.58

4 16 5 127.388375 77.61

4 16 6 25.955776 78.36

4 16 7 55.202901 10.33

4 16 8 104.698612 13.91

4 17 0 154.769076 180.00

4 17 1 62.252584 89.73

4 17 2 18.542223 19.78

4 17 3 116.483320 164.71

4 17 4 98.818626 140.91

4 17 5 71.109711 19.16

4 17 6 85.124191 76.24

4 17 7 19.375763 35.01

4 18 0 142.469593 -180.00

4 18 1 43.386844 6.50

4 18 2 43.005014 -64.87

4 18 3 152.836968 -107.04

4 18 4 50.956544 145.84

4 18 5 227.967832 179.76

4 18 6 85.870985 -178.53

4 19 0 331.342807 180.00

4 19 1 89.981385 -23.06

4 19 2 47.231355 -144.64

4 19 3 120.040801 143.02

4 19 4 86.021222 7.27

4 20 0 94.909664 180.00

5 0 1 184.427164 -90.00

5 0 2 622.509614 180.00

5 0 3 49.720390 90.00

5 0 4 22.284636 180.00

5 0 5 170.583921 90.00

5 0 6 180.927387 180.00

5 0 7 173.513765 90.00

5 0 8 45.676062 -180.00

5 0 9 1.743634 90.00

5 0 10 386.837350 -0.00

5 0 11 215.875367 -90.00

5 0 12 21.820641 -180.00

5 0 13 97.138712 90.00

5 0 14 14.826005 180.00

5 1 0 189.966923 -90.00

5 1 1 287.254601 -102.60

5 1 2 248.495270 97.50

5 1 3 106.072462 84.36

5 1 4 240.544910 -117.23

5 1 5 328.377271 -78.45

5 1 6 332.684140 -113.45

5 1 7 167.547216 -73.35

5 1 8 113.701571 -43.37

5 1 9 154.037630 -112.33

5 1 10 229.776809 -15.44

5 1 11 51.438813 13.28

5 1 12 120.292249 96.76

5 1 13 177.598815 174.75

5 1 14 82.425106 -27.54

5 2 0 155.791417 90.00

5 2 1 137.908425 -46.96

5 2 2 231.992999 147.38

5 2 3 365.882056 106.44

5 2 4 163.659186 -35.08

5 2 5 352.852256 -109.11

5 2 6 333.732175 -5.37

5 2 7 132.470498 135.39

5 2 8 390.696873 -49.52

5 2 9 339.673558 68.40

5 2 10 87.012123 -107.45

5 2 11 126.446436 -85.98

5 2 12 260.092541 -62.08

5 2 13 74.252225 -62.99

5 2 14 118.366573 167.20

5 3 0 121.387401 -90.00

5 3 1 171.796996 -31.67

5 3 2 206.758505 -167.71

5 3 3 187.952982 -101.66

5 3 4 86.491157 -72.32

5 3 5 386.872286 39.20

5 3 6 152.454828 -20.90

5 3 7 230.542012 -125.41

5 3 8 140.594854 83.84

5 3 9 146.864114 10.96

5 3 10 171.529051 87.78

5 3 11 122.257996 -18.26

5 3 12 112.380693 -23.10

5 3 13 132.372614 -114.40

5 3 14 160.687934 -41.94

5 4 0 415.830852 90.00

5 4 1 502.619351 -35.84

5 4 2 168.866548 55.68

5 4 3 229.504024 142.17

5 4 4 256.929472 111.89

5 4 5 173.540032 -8.94

5 4 6 84.809608 -150.28

5 4 7 201.031230 103.98

5 4 8 471.791169 -64.50

5 4 9 107.022655 -82.97

5 4 10 215.841076 21.19

5 4 11 99.985052 -36.74

5 4 12 52.565957 -155.26

5 4 13 234.868652 -7.97

5 4 14 83.192325 -105.59

5 5 0 165.571743 90.00

5 5 1 368.398164 106.36

5 5 2 195.122078 121.63

5 5 3 426.976226 -143.06

5 5 4 215.873533 -37.99

5 5 5 186.388124 -122.88

5 5 6 417.102201 115.19

5 5 7 260.246981 135.93

5 5 8 38.554520 -108.98

5 5 9 241.615688 -28.41

5 5 10 158.399251 72.70

5 5 11 152.541320 130.08

5 5 12 134.934204 170.32

5 5 13 45.829270 97.62

5 5 14 105.696005 0.08

5 6 0 36.770462 -90.00

5 6 1 221.804842 41.43

5 6 2 196.286887 51.86

5 6 3 106.747931 23.36

5 6 4 476.337595 -131.46

5 6 5 266.271430 102.45

5 6 6 167.925323 -108.59

5 6 7 267.720294 -94.03

5 6 8 164.348258 -13.08

5 6 9 102.461869 -146.93

5 6 10 156.924687 -51.27

5 6 11 286.762434 -85.36

5 6 12 123.106522 103.65

5 6 13 73.968176 -179.83

5 6 14 95.062126 58.81

5 7 0 433.967733 90.00

5 7 1 121.350618 142.25

5 7 2 498.848778 113.93

5 7 3 281.573687 -110.74

5 7 4 248.454320 3.96

5 7 5 56.108776 -111.13

5 7 6 198.809085 104.38

5 7 7 162.414643 122.99

5 7 8 61.074826 -108.51

5 7 9 179.655329 76.38

5 7 10 70.935378 -15.86

5 7 11 34.011019 167.78

5 7 12 148.323916 -129.04

5 7 13 116.706159 148.06

5 8 0 117.252935 90.00

5 8 1 226.321069 -115.44

5 8 2 615.142975 -5.89

5 8 3 250.615537 -146.02

5 8 4 108.633233 -69.79

5 8 5 228.994774 -3.43

5 8 6 184.446449 84.23

5 8 7 130.489644 -11.60

5 8 8 270.781888 -118.57

5 8 9 256.285807 -177.74

5 8 10 49.919840 -38.15

5 8 11 66.115414 -47.34

5 8 12 98.665677 5.26

5 8 13 74.714108 -128.59

5 9 0 16.640636 90.00

5 9 1 179.359287 119.17

5 9 2 186.774689 -41.55

5 9 3 451.542192 62.54

5 9 4 451.950227 3.19

5 9 5 115.437027 153.46

5 9 6 276.863133 41.21

5 9 7 86.874636 128.18

5 9 8 167.511977 -67.78

5 9 9 126.296700 16.22

5 9 10 120.099069 -36.09

5 9 11 145.226043 81.06

5 9 12 105.335769 -104.86

5 9 13 57.571625 8.12

5 10 0 211.982601 -90.00

5 10 1 124.365465 95.80

5 10 2 232.600683 -179.41

5 10 3 474.534986 119.62

5 10 4 128.771840 -64.60

5 10 5 125.860048 -74.21

5 10 6 18.414632 74.96

5 10 7 113.848926 32.86

5 10 8 162.922126 -21.55

5 10 9 79.114007 -13.58

5 10 10 140.085117 82.28

5 10 11 35.908477 -165.90

5 10 12 108.527638 103.98

5 11 0 138.929105 -90.00

5 11 1 373.654626 -110.73

5 11 2 100.608860 -147.76

5 11 3 183.897301 -7.23

5 11 4 408.219096 -113.71

5 11 5 39.769144 149.19

5 11 6 150.926459 77.98

5 11 7 73.379284 129.83

5 11 8 75.325736 -149.49

5 11 9 85.879978 112.37

5 11 10 146.686889 -102.99

5 11 11 164.362248 132.41

5 11 12 108.138937 69.16

5 12 0 92.271465 -90.00

5 12 1 32.673125 57.09

5 12 2 261.425762 22.54

5 12 3 231.764080 -52.36

5 12 4 121.920105 84.62

5 12 5 131.256382 -41.30

5 12 6 38.077914 -155.27

5 12 7 83.963930 -76.92

5 12 8 73.199334 81.96

5 12 9 240.715636 -5.32

5 12 10 50.492678 -76.34

5 12 11 28.004200 166.98

5 13 0 5.098919 90.00

5 13 1 233.456099 138.35

5 13 2 159.586102 83.39

5 13 3 33.240281 139.04

5 13 4 177.682871 -151.09

5 13 5 106.312113 38.94

5 13 6 158.377739 176.18

5 13 7 80.188373 168.75

5 13 8 64.369281 12.50

5 13 9 107.791950 -76.45

5 13 10 101.601815 -136.99

5 13 11 56.065493 80.29

5 14 0 240.641541 90.00

5 14 1 225.413172 149.86

5 14 2 71.896707 177.35

5 14 3 120.803051 -91.99

5 14 4 74.306093 -84.96

5 14 5 70.488687 -128.68

5 14 6 55.584901 -82.79

5 14 7 62.157060 -41.89

5 14 8 139.207635 -82.33

5 14 9 17.635579 17.94

5 14 10 28.252835 -46.40

5 15 0 189.703526 -90.00

5 15 1 278.967101 -172.50

5 15 2 79.974700 142.24

5 15 3 106.470305 -63.41

5 15 4 166.289006 -168.63

5 15 5 104.912979 147.27

5 15 6 131.025584 -112.71

5 15 7 123.261005 31.33

5 15 8 81.687648 -121.25

5 15 9 77.028227 -54.75

5 16 0 0.122634 -90.00

5 16 1 54.227419 -53.60

5 16 2 22.869237 -30.88

5 16 3 114.159124 -111.93

5 16 4 19.459057 150.08

5 16 5 69.438072 31.02

5 16 6 137.995285 -109.02

5 16 7 184.720212 -47.78

5 16 8 37.846719 110.59

5 17 0 42.874479 90.00

5 17 1 150.473476 47.49

5 17 2 111.263088 89.44

5 17 3 112.509033 -9.34

5 17 4 128.033151 -145.33

5 17 5 85.850462 -154.92

5 17 6 148.527279 84.42

5 17 7 127.602626 -85.67

5 18 0 58.766538 90.00

5 18 1 155.998088 165.53

5 18 2 90.366524 -115.61

5 18 3 72.049269 -145.79

5 18 4 17.856477 47.58

5 18 5 47.968179 159.80

5 18 6 145.297549 13.53

5 19 0 104.333079 -90.00

5 19 1 123.603534 -25.92

5 19 2 151.531813 38.10

5 19 3 165.701319 -18.39

5 19 4 136.996628 -173.61

6 0 0 224.086758 180.00

6 0 1 103.372630 -90.00

6 0 2 54.157581 0.00

6 0 3 32.978509 90.00

6 0 4 346.358305 180.00

6 0 5 22.016542 90.00

6 0 6 50.282364 0.00

6 0 7 67.666058 90.00

6 0 8 66.953752 -0.00

6 0 9 24.163675 90.00

6 0 10 198.885478 180.00

6 0 11 19.905516 -90.00

6 0 12 222.918285 180.00

6 0 13 168.537672 -90.00

6 0 14 130.666838 -180.00

6 1 0 166.560128 0.00

6 1 1 303.521832 -55.81

6 1 2 71.019989 -47.75

6 1 3 282.898596 2.91

6 1 4 272.682523 49.45

6 1 5 443.030820 -130.19

6 1 6 187.493847 -173.63

6 1 7 498.096102 -2.60

6 1 8 96.296049 88.26

6 1 9 177.686012 -106.44

6 1 10 132.231356 -113.01

6 1 11 176.648179 -32.40

6 1 12 69.187877 84.79

6 1 13 125.247717 -111.95

6 1 14 69.453773 -117.56

6 2 0 69.955101 0.00

6 2 1 129.160096 74.92

6 2 2 43.850839 155.26

6 2 3 142.230058 118.25

6 2 4 70.292987 121.17

6 2 5 309.635814 173.99

6 2 6 534.235331 -62.97

6 2 7 192.952100 11.76

6 2 8 227.584254 134.94

6 2 9 54.421266 -106.96

6 2 10 184.265065 -51.50

6 2 11 134.599769 78.34

6 2 12 122.684816 160.69

6 2 13 128.208899 -70.08

6 2 14 131.682060 -104.03

6 3 0 44.760837 180.00

6 3 1 22.171174 176.16

6 3 2 28.122697 93.55

6 3 3 189.102327 155.01

6 3 4 251.145239 -144.60

6 3 5 625.066513 -26.97

6 3 6 244.687870 -51.89

6 3 7 280.831986 -57.08

6 3 8 272.139299 -55.86

6 3 9 62.447033 -19.47

6 3 10 171.276305 40.74

6 3 11 232.545023 -11.33

6 3 12 61.249587 19.26

6 3 13 21.567355 -154.82

6 3 14 24.742943 53.19

6 4 0 258.586850 180.00

6 4 1 155.605735 -74.88

6 4 2 251.052459 -6.88

6 4 3 198.177347 38.62

6 4 4 178.908210 106.34

6 4 5 218.221688 -32.21

6 4 6 43.221872 -174.62

6 4 7 247.064102 115.10

6 4 8 315.338948 -14.79

6 4 9 315.046771 91.98

6 4 10 150.244243 139.49

6 4 11 136.976360 -176.18

6 4 12 86.698496 115.11

6 4 13 30.594727 -133.27

6 4 14 157.222862 -110.56

6 5 0 318.783794 180.00

6 5 1 52.915714 83.52

6 5 2 345.990248 12.87

6 5 3 468.242574 169.60

6 5 4 229.502071 -150.79

6 5 5 110.114671 113.21

6 5 6 144.916749 -103.05

6 5 7 186.269461 -47.08

6 5 8 141.062182 22.98

6 5 9 169.253702 -71.81

6 5 10 125.743615 -93.29

6 5 11 218.641931 65.78

6 5 12 25.914582 172.47

6 5 13 82.995685 -28.37

6 5 14 143.934410 49.17

6 6 0 82.594579 180.00

6 6 1 195.528614 -148.36

6 6 2 320.569477 -123.69

6 6 3 591.223009 48.79

6 6 4 322.832256 135.26

6 6 5 189.868519 70.98

6 6 6 287.882078 105.93

6 6 7 184.427541 154.91

6 6 8 117.999416 -4.45

6 6 9 163.103958 117.51

6 6 10 9.640408 -151.40

6 6 11 133.117106 -143.57

6 6 12 96.625894 42.38

6 6 13 113.325916 -156.10

6 7 0 346.697078 180.00

6 7 1 213.398833 -43.57

6 7 2 255.342512 -158.97

6 7 3 297.774860 -138.95

6 7 4 477.012288 145.74

6 7 5 224.698304 170.20

6 7 6 271.347845 -53.36

6 7 7 224.406885 -108.59

6 7 8 238.922489 -121.95

6 7 9 149.478901 40.08

6 7 10 34.428033 -26.78

6 7 11 96.108863 166.32

6 7 12 94.569084 42.44

6 7 13 53.771978 -129.21

6 8 0 394.443078 -0.00

6 8 1 81.261920 -151.39

6 8 2 369.683051 162.35

6 8 3 87.599863 139.89

6 8 4 225.113272 -1.52

6 8 5 39.675566 -39.11

6 8 6 288.725936 -173.69

6 8 7 223.051369 111.72

6 8 8 192.754103 55.17

6 8 9 24.138123 126.83

6 8 10 164.090770 -46.65

6 8 11 71.644722 -144.67

6 8 12 194.460390 26.44

6 8 13 121.586682 166.23

6 9 0 207.177296 180.00

6 9 1 512.942690 -163.69

6 9 2 404.811643 144.00

6 9 3 129.134366 -148.38

6 9 4 79.238705 -88.20

6 9 5 208.022535 -24.39

6 9 6 15.793196 -45.06

6 9 7 108.008384 114.39

6 9 8 61.962354 131.20

6 9 9 126.214985 26.04

6 9 10 110.376790 -112.69

6 9 11 163.420961 113.49

6 9 12 123.161068 -174.55

6 10 0 176.506052 180.00

6 10 1 262.435817 -112.16

6 10 2 158.579603 -112.90

6 10 3 164.049067 81.12

6 10 4 272.035978 -14.21

6 10 5 217.806872 -46.35

6 10 6 173.441836 143.62

6 10 7 97.438030 145.45

6 10 8 67.950518 -20.63

6 10 9 95.531633 -34.27

6 10 10 158.877510 161.64

6 10 11 141.220828 -42.80

6 10 12 59.339609 44.40

6 11 0 57.675717 -0.00

6 11 1 213.069198 -28.50

6 11 2 198.555584 37.09

6 11 3 49.810332 174.71

6 11 4 32.748175 -150.72

6 11 5 141.708319 57.07

6 11 6 224.053352 25.91

6 11 7 79.333368 -16.21

6 11 8 139.506756 108.05

6 11 9 166.830605 62.11

6 11 10 94.283999 88.91

6 11 11 112.710918 72.40

6 11 12 111.247715 -0.30

6 12 0 218.152143 180.00

6 12 1 76.300654 161.46

6 12 2 72.062789 6.50

6 12 3 39.530397 28.81

6 12 4 110.468712 94.06

6 12 5 199.852990 102.49

6 12 6 67.020761 -19.41

6 12 7 197.019724 139.57

6 12 8 50.702066 -103.13

6 12 9 75.286894 -81.99

6 12 10 136.423621 174.74

6 12 11 121.074223 83.52

6 13 0 128.485140 180.00

6 13 1 150.783396 85.08

6 13 2 161.566677 -134.23

6 13 3 45.466315 54.40

6 13 4 148.263734 -68.95

6 13 5 125.873415 121.63

6 13 6 30.520292 76.55

6 13 7 63.956189 102.81

6 13 8 112.699068 55.03

6 13 9 55.705780 -16.14

6 13 10 135.768447 10.44

6 14 0 110.846319 180.00

6 14 1 326.996430 -66.47

6 14 2 142.177897 163.33

6 14 3 63.455133 167.50

6 14 4 115.989853 11.62

6 14 5 58.941476 151.62

6 14 6 229.153288 -177.89

6 14 7 104.485648 60.31

6 14 8 142.512598 9.31

6 14 9 132.988954 155.96

6 14 10 54.153939 37.15

6 15 0 203.141081 -0.00

6 15 1 34.345290 -67.41

6 15 2 25.501337 -155.77

6 15 3 127.549828 -109.15

6 15 4 57.495934 -73.83

6 15 5 34.007986 132.88

6 15 6 182.150774 0.26

6 15 7 120.917868 168.70

6 15 8 55.102238 60.47

6 15 9 197.495034 62.27

6 16 0 165.424640 -0.00

6 16 1 165.323469 174.74

6 16 2 26.895556 96.60

6 16 3 119.614119 125.05

6 16 4 169.899292 -18.08

6 16 5 14.870721 -50.35

6 16 6 94.382945 -123.25

6 16 7 121.929768 70.47

6 16 8 121.533342 -167.70

6 17 0 144.304198 180.00

6 17 1 112.677574 -66.86

6 17 2 181.285829 -117.47

6 17 3 124.050158 110.90

6 17 4 63.468221 -150.80

6 17 5 67.790117 -118.70

6 17 6 103.925969 -20.83

6 17 7 44.085871 34.58

6 18 0 94.962681 -0.00

6 18 1 27.031685 131.90

6 18 2 172.757384 57.27

6 18 3 156.639329 10.65

6 18 4 34.070817 -61.70

6 18 5 157.227667 63.72

6 19 0 111.727089 -0.00

6 19 1 79.570494 -153.11

6 19 2 73.805208 -120.36

6 19 3 10.598250 -17.42

7 0 1 156.046388 90.00

7 0 2 185.481935 0.00

7 0 3 734.828314 90.00

7 0 4 374.136562 -0.00

7 0 5 37.421394 90.00

7 0 6 521.011844 180.00

7 0 7 192.178692 90.00

7 0 8 212.328011 -0.00

7 0 9 49.529945 -90.00

7 0 10 203.621990 -0.00

7 0 11 182.461923 90.00

7 0 12 57.692048 180.00

7 0 13 77.141769 90.00

7 0 14 42.290015 -0.00

7 1 0 69.362185 90.00

7 1 1 42.382109 163.82

7 1 2 230.550746 -143.18

7 1 3 249.783793 98.97

7 1 4 422.732513 103.10

7 1 5 358.664460 -119.61

7 1 6 273.423939 123.86

7 1 7 336.453569 171.76

7 1 8 137.609653 141.81

7 1 9 219.973497 66.33

7 1 10 83.107237 -155.79

7 1 11 163.142161 150.37

7 1 12 69.345994 148.91

7 1 13 47.141509 5.87

7 1 14 166.694845 -28.96

7 2 0 6.594893 90.00

7 2 1 265.473758 4.20

7 2 2 286.311336 31.43

7 2 3 273.815847 95.56

7 2 4 142.756364 87.02

7 2 5 262.118070 -151.13

7 2 6 577.807810 -59.67

7 2 7 188.549284 -95.37

7 2 8 142.305506 32.43

7 2 9 173.603927 112.67

7 2 10 140.685504 163.21

7 2 11 115.151592 151.24

7 2 12 85.633706 58.19

7 2 13 108.264390 109.47

7 2 14 85.671916 -131.84

7 3 0 200.486083 -90.00

7 3 1 326.059739 102.58

7 3 2 133.027428 -23.09

7 3 3 240.035508 158.10

7 3 4 147.683894 -130.93

7 3 5 237.575005 85.21

7 3 6 233.976536 -35.03

7 3 7 177.388223 -140.59

7 3 8 159.052533 -112.28

7 3 9 95.525784 -157.45

7 3 10 229.770532 116.67

7 3 11 96.819816 -176.63

7 3 12 145.398464 170.26

7 3 13 49.332433 -120.04

7 3 14 142.246757 -104.27

7 4 0 231.734995 -90.00

7 4 1 330.296355 19.21

7 4 2 440.714332 -103.46

7 4 3 53.762984 -52.19

7 4 4 319.845765 -167.06

7 4 5 401.277526 -110.65

7 4 6 311.321158 54.34

7 4 7 326.453792 82.05

7 4 8 83.633522 127.80

7 4 9 119.327355 28.07

7 4 10 134.986104 102.96

7 4 11 154.293516 -156.13

7 4 12 142.472209 163.04

7 4 13 69.766370 -21.70

7 4 14 82.592289 30.74

7 5 0 36.721241 90.00

7 5 1 181.620930 -44.74

7 5 2 315.524998 89.67

7 5 3 224.633804 -136.95

7 5 4 152.703935 -86.98

7 5 5 74.747212 -164.40

7 5 6 328.471354 99.83

7 5 7 197.142314 -168.95

7 5 8 243.508655 85.37

7 5 9 166.839557 -114.31

7 5 10 35.074348 -153.94

7 5 11 34.535974 -102.19

7 5 12 105.651283 31.78

7 5 13 34.368283 157.21

7 6 0 139.055853 -90.00

7 6 1 162.353737 -104.10

7 6 2 92.804997 -98.87

7 6 3 62.214236 -152.78

7 6 4 313.658568 -105.68

7 6 5 164.930883 -109.11

7 6 6 247.883257 13.38

7 6 7 135.820992 123.25

7 6 8 161.253418 56.56

7 6 9 52.701466 -175.05

7 6 10 150.334772 -8.42

7 6 11 80.597118 -151.23

7 6 12 167.848876 -153.60

7 6 13 53.459106 122.68

7 7 0 84.233369 90.00

7 7 1 19.544183 177.45

7 7 2 119.206208 83.72

7 7 3 129.552515 3.35

7 7 4 155.368761 91.81

7 7 5 64.144702 34.95

7 7 6 293.545934 167.96

7 7 7 378.907671 169.79

7 7 8 153.419417 130.58

7 7 9 258.574916 96.58

7 7 10 143.591886 -14.26

7 7 11 127.673597 -1.91

7 7 12 178.258731 -127.10

7 7 13 84.589232 -141.71

7 8 0 366.702185 -90.00

7 8 1 60.034654 -45.60

7 8 2 104.007161 91.79

7 8 3 242.058723 157.01

7 8 4 217.979889 -130.63

7 8 5 193.870275 161.68

7 8 6 122.977273 -73.70

7 8 7 132.433029 -48.97

7 8 8 148.537263 2.00

7 8 9 61.663916 -158.16

7 8 10 138.472593 -165.49

7 8 11 135.913027 -58.35

7 8 12 95.533089 -111.95

7 8 13 21.722245 -90.17

7 9 0 115.180794 90.00

7 9 1 294.217578 -156.17

7 9 2 123.284149 164.12

7 9 3 184.296939 -81.81

7 9 4 121.229882 -98.37

7 9 5 23.453414 8.86

7 9 6 200.206649 -101.50

7 9 7 121.613908 151.93

7 9 8 87.101322 142.32

7 9 9 121.871801 -114.33

7 9 10 100.153958 -57.38

7 9 11 312.485939 -9.00

7 9 12 141.815813 -141.28

7 10 0 400.298788 -90.00

7 10 1 261.430876 133.21

7 10 2 135.418490 -167.16

7 10 3 190.068455 29.82

7 10 4 62.174233 153.42

7 10 5 170.169352 -174.52

7 10 6 111.423708 87.74

7 10 7 121.696825 -34.86

7 10 8 195.744739 -139.42

7 10 9 106.539468 177.60

7 10 10 139.032380 61.07

7 10 11 88.141799 -47.54

7 10 12 93.258403 152.51

7 11 0 257.988407 -90.00

7 11 1 35.275339 -24.08

7 11 2 151.455745 -35.51

7 11 3 303.546465 -148.72

7 11 4 163.182762 -146.88

7 11 5 249.396310 86.44

7 11 6 154.492333 51.84

7 11 7 159.715899 -101.37

7 11 8 136.288487 -2.82

7 11 9 136.693747 -137.99

7 11 10 147.489643 -98.38

7 11 11 94.293689 -109.43

7 12 0 97.115552 -90.00

7 12 1 206.936494 -14.34

7 12 2 56.403812 36.13

7 12 3 179.102924 -25.20

7 12 4 231.489986 178.01

7 12 5 180.610353 122.64

7 12 6 109.733555 32.72

7 12 7 142.319308 160.91

7 12 8 99.732436 -46.89

7 12 9 102.376586 47.72

7 12 10 76.448522 -97.47

7 12 11 132.939454 -141.53

7 13 0 226.060354 90.00

7 13 1 312.658286 4.96

7 13 2 147.574632 -36.78

7 13 3 190.404190 -133.09

7 13 4 160.919272 81.78

7 13 5 95.581308 -1.78

7 13 6 84.811288 -80.12

7 13 7 239.441444 118.25

7 13 8 42.296113 13.38

7 13 9 127.558316 -172.42

7 13 10 79.090754 -93.83

7 14 0 379.941635 90.00

7 14 1 121.448082 -87.40

7 14 2 197.236161 92.04

7 14 3 172.641992 -5.40

7 14 4 133.163065 -61.06

7 14 5 188.671748 149.40

7 14 6 141.366639 87.86

7 14 7 39.485200 177.85

7 14 8 179.085599 -162.33

7 14 9 174.777837 -8.33

7 15 0 13.393881 90.00

7 15 1 47.235592 64.72

7 15 2 280.734763 51.54

7 15 3 155.346687 -34.10

7 15 4 216.128038 61.38

7 15 5 96.894328 64.81

7 15 6 86.807182 -36.69

7 15 7 22.559943 -145.06

7 15 8 39.881046 12.96

7 15 9 133.534392 -15.74

7 16 0 42.104369 90.00

7 16 1 31.658728 -95.84

7 16 2 99.078671 38.44

7 16 3 202.081265 170.04

7 16 4 95.351178 18.12

7 16 5 72.287045 -126.74

7 16 6 62.083010 107.87

7 16 7 41.156958 101.40

7 16 8 120.416379 105.39

7 17 0 107.781559 90.00

7 17 1 145.128222 37.29

7 17 2 161.207868 -39.67

7 17 3 27.853501 152.05

7 17 4 135.129766 77.96

7 17 5 40.770912 126.71

7 17 6 41.727057 16.00

7 18 0 278.986016 90.00

7 18 1 121.758495 -25.02

7 18 2 73.103816 -135.89

7 18 3 108.979563 166.31

7 18 4 36.294353 -167.01

7 18 5 119.388942 -120.91

7 19 0 247.448945 90.00

7 19 1 95.368999 -161.14

7 19 2 128.021501 -42.52

8 0 0 261.456432 -0.00

8 0 1 65.691365 -90.00

8 0 2 58.391378 0.00

8 0 3 455.297532 -90.00

8 0 4 281.128059 180.00

8 0 5 83.600429 -90.00

8 0 6 238.519362 180.00

8 0 7 32.192974 -90.00

8 0 8 163.560396 0.00

8 0 9 28.191876 90.00

8 0 10 16.230383 -180.00

8 0 11 178.371498 -90.00

8 0 12 164.060084 0.00

8 0 13 98.540064 90.00

8 0 14 262.069763 180.00

8 1 0 32.380891 -0.00

8 1 1 136.578827 50.17

8 1 2 296.618175 57.20

8 1 3 118.876373 137.89

8 1 4 399.329341 18.87

8 1 5 328.910616 -155.67

8 1 6 267.637902 67.64

8 1 7 152.077307 128.15

8 1 8 239.905293 132.95

8 1 9 91.424638 -168.79

8 1 10 145.024058 -45.93

8 1 11 152.062355 157.83

8 1 12 49.246258 122.09

8 1 13 16.756044 -26.82

8 1 14 62.051511 -171.06

8 2 0 118.509844 -0.00

8 2 1 241.221844 -105.06

8 2 2 316.507092 -179.45

8 2 3 222.952757 95.89

8 2 4 248.167677 39.34

8 2 5 325.386580 141.29

8 2 6 385.896549 -7.04

8 2 7 128.275681 -63.88

8 2 8 115.593848 54.53

8 2 9 160.963692 -151.00

8 2 10 258.238331 -113.22

8 2 11 29.580652 -114.59

8 2 12 154.246624 177.03

8 2 13 49.685904 119.87

8 2 14 56.716807 -160.19

8 3 0 524.098826 -0.00

8 3 1 166.644164 -88.22

8 3 2 310.689705 68.21

8 3 3 455.162026 -124.58

8 3 4 72.953209 -102.81

8 3 5 272.333678 153.47

8 3 6 89.175627 168.54

8 3 7 87.018799 129.96

8 3 8 306.548519 43.22

8 3 9 121.138160 113.15

8 3 10 61.944439 14.66

8 3 11 235.440007 -67.24

8 3 12 54.263645 -128.98

8 3 13 123.759428 -155.30

8 4 0 106.859553 -0.00

8 4 1 62.911215 6.15

8 4 2 313.691714 24.46

8 4 3 151.880117 78.30

8 4 4 119.423669 9.94

8 4 5 131.316881 -129.73

8 4 6 124.853806 -157.70

8 4 7 67.240214 -141.06

8 4 8 48.972785 50.86

8 4 9 214.921283 77.85

8 4 10 109.259177 -91.73

8 4 11 95.025414 22.02

8 4 12 69.931575 165.89

8 4 13 27.824581 126.83

8 5 0 217.842963 -0.00

8 5 1 377.156822 -148.30

8 5 2 117.137894 105.63

8 5 3 287.638178 130.34

8 5 4 137.059803 106.54

8 5 5 461.081199 -68.41

8 5 6 88.013273 -91.36

8 5 7 280.322447 136.07

8 5 8 94.667003 -59.45

8 5 9 129.759555 -40.03

8 5 10 83.072900 177.59

8 5 11 105.899673 -100.92

8 5 12 88.021903 -1.86

8 5 13 36.825647 177.09

8 6 0 121.868809 -0.00

8 6 1 77.180572 -63.37

8 6 2 32.531760 -36.23

8 6 3 270.407867 78.93

8 6 4 341.814180 61.17

8 6 5 256.292570 60.34

8 6 6 43.038867 110.94

8 6 7 146.264960 -149.86

8 6 8 264.709539 144.20

8 6 9 156.433645 -158.55

8 6 10 32.085120 -90.57

8 6 11 115.984898 68.81

8 6 12 32.556438 -3.42

8 6 13 115.635995 98.22

8 7 0 85.947528 180.00

8 7 1 303.224883 145.93

8 7 2 316.453095 -144.36

8 7 3 187.001317 -168.51

8 7 4 397.017290 106.02

8 7 5 160.828631 136.91

8 7 6 220.995879 -100.98

8 7 7 56.767851 -32.99

8 7 8 214.767898 -80.59

8 7 9 174.956431 -26.23

8 7 10 156.695465 -109.84

8 7 11 110.761281 -57.06

8 7 12 158.726949 158.32

8 7 13 169.909077 6.26

8 8 0 146.248525 180.00

8 8 1 402.340487 -140.76

8 8 2 338.028271 -131.49

8 8 3 55.239867 102.95

8 8 4 129.908943 2.55

8 8 5 161.482989 -131.21

8 8 6 64.352670 141.63

8 8 7 106.609592 -57.83

8 8 8 270.550197 62.59

8 8 9 204.207437 -66.32

8 8 10 104.989700 41.99

8 8 11 224.698394 -99.71

8 8 12 137.586085 92.54

8 9 0 51.674336 0.00

8 9 1 380.270138 -134.92

8 9 2 246.953827 -42.82

8 9 3 188.947840 -27.35

8 9 4 354.419034 -85.28

8 9 5 135.639680 145.46

8 9 6 204.968844 -92.02

8 9 7 51.956630 155.21

8 9 8 106.096619 -120.00

8 9 9 116.993370 103.32

8 9 10 193.038807 -6.05

8 9 11 56.053403 -91.13

8 9 12 84.955885 20.73

8 10 0 7.014867 180.00

8 10 1 111.245125 106.96

8 10 2 235.677653 29.45

8 10 3 155.476630 -81.55

8 10 4 104.710669 25.70

8 10 5 126.938632 30.88

8 10 6 97.963289 15.95

8 10 7 90.539607 -24.34

8 10 8 80.254008 172.93

8 10 9 121.150168 -53.24

8 10 10 101.627152 -51.40

8 10 11 79.347928 101.26

8 10 12 48.301735 -113.71

8 11 0 222.428309 180.00

8 11 1 194.495758 16.08

8 11 2 44.772304 -50.80

8 11 3 251.259870 97.17

8 11 4 122.028155 -118.37

8 11 5 71.085770 113.23

8 11 6 106.775740 12.27

8 11 7 24.019811 77.36

8 11 8 150.887264 -84.25

8 11 9 112.625818 -85.28

8 11 10 130.753662 -63.27

8 11 11 102.234251 49.48

8 12 0 18.367697 180.00

8 12 1 129.886416 138.67

8 12 2 198.288780 59.12

8 12 3 269.258211 -25.13

8 12 4 359.163845 152.04

8 12 5 110.029199 86.35

8 12 6 67.826746 76.31

8 12 7 167.733754 85.29

8 12 8 64.869373 -177.64

8 12 9 114.728106 -15.15

8 12 10 102.555588 -95.20

8 13 0 239.030521 -0.00

8 13 1 67.767375 160.93

8 13 2 245.554203 -162.52

8 13 3 123.103756 178.00

8 13 4 44.715837 40.29

8 13 5 135.685415 -118.74

8 13 6 332.596799 152.86

8 13 7 113.215165 137.11

8 13 8 34.038702 -83.59

8 13 9 146.854089 33.84

8 13 10 28.343668 57.01

8 14 0 168.016053 180.00

8 14 1 133.549064 79.17

8 14 2 150.504043 -32.93

8 14 3 202.223891 -30.84

8 14 4 84.121069 156.11

8 14 5 143.683042 -100.27

8 14 6 75.463167 -131.79

8 14 7 88.981749 -96.74

8 14 8 134.125438 129.37

8 14 9 59.904156 160.71

8 15 0 135.005523 -0.00

8 15 1 47.799647 -158.10

8 15 2 76.527804 98.21

8 15 3 124.180395 1.48

8 15 4 24.235199 2.55

8 15 5 92.905641 23.07

8 15 6 54.005404 60.76

8 15 7 51.649610 -173.35

8 15 8 41.037036 -148.24

8 16 0 24.125591 -180.00

8 16 1 111.561805 100.50

8 16 2 153.572308 31.00

8 16 3 86.271689 29.60

8 16 4 62.764880 -160.77

8 16 5 35.967591 35.34

8 16 6 133.931555 112.93

8 16 7 18.235374 -59.79

8 17 0 116.863861 0.00

8 17 1 29.189278 -163.16

8 17 2 72.034800 155.92

8 17 3 225.891533 67.61

8 17 4 81.426468 165.45

8 17 5 58.765949 -144.60

8 17 6 174.625522 -2.93

8 18 0 49.222134 180.00

8 18 1 67.866623 114.69

8 18 2 109.962977 127.68

8 18 3 137.703481 -78.42

8 18 4 102.896025 -172.62

8 19 0 244.385292 180.00

8 19 1 165.930902 167.02

9 0 1 180.081168 -90.00

9 0 2 342.510103 180.00

9 0 3 249.919733 -90.00

9 0 4 35.182833 0.00

9 0 5 103.707850 -90.00

9 0 6 5.027580 0.00

9 0 7 130.285685 -90.00

9 0 8 81.923090 0.00

9 0 9 95.409011 -90.00

9 0 10 95.174948 -0.00

9 0 11 53.733480 90.00

9 0 12 7.879175 180.00

9 0 13 14.338309 90.00

9 1 0 76.255912 -90.00

9 1 1 297.161678 -120.59

9 1 2 292.586271 -121.12

9 1 3 60.611410 36.57

9 1 4 183.983752 61.43

9 1 5 343.510955 32.00

9 1 6 206.993427 144.26

9 1 7 95.572986 -165.96

9 1 8 177.784850 45.00

9 1 9 268.605667 149.21

9 1 10 246.068681 -99.95

9 1 11 34.573049 -156.25

9 1 12 85.265770 -170.32

9 1 13 229.514760 153.38

9 2 0 83.584232 -90.00

9 2 1 272.881303 -149.77

9 2 2 357.173314 -11.84

9 2 3 275.708377 -28.46

9 2 4 355.846868 -164.59

9 2 5 174.752334 -175.63

9 2 6 52.317837 103.61

9 2 7 243.530075 -137.43

9 2 8 231.220842 -121.57

9 2 9 158.295572 -12.21

9 2 10 248.357067 -136.70

9 2 11 223.117011 -32.58

9 2 12 27.666727 13.28

9 2 13 58.885891 158.79

9 3 0 123.123886 -90.00

9 3 1 474.222140 69.31

9 3 2 165.333049 139.87

9 3 3 166.434614 47.30

9 3 4 343.705960 109.03

9 3 5 278.919395 7.95

9 3 6 371.890352 58.51

9 3 7 119.285634 55.05

9 3 8 107.188301 -130.49

9 3 9 168.819952 11.53

9 3 10 211.382662 33.63

9 3 11 104.240721 -139.57

9 3 12 115.206524 79.76

9 3 13 48.479480 25.88

9 4 0 151.775755 90.00

9 4 1 339.404978 -52.10

9 4 2 383.045214 140.88

9 4 3 115.292442 163.35

9 4 4 136.345549 43.37

9 4 5 144.445131 33.70

9 4 6 263.009967 117.62

9 4 7 161.425821 -178.20

9 4 8 102.198000 166.21

9 4 9 49.694533 145.68

9 4 10 177.041156 -86.64

9 4 11 109.013897 67.99

9 4 12 24.231175 -136.04

9 4 13 83.931688 174.39

9 5 0 230.361422 90.00

9 5 1 242.406150 160.54

9 5 2 206.645085 26.70

9 5 3 267.612032 163.62

9 5 4 337.467350 106.92

9 5 5 208.230146 88.43

9 5 6 105.000571 10.00

9 5 7 267.532018 17.65

9 5 8 134.410404 -126.32

9 5 9 110.168648 -61.64

9 5 10 13.447740 -107.75

9 5 11 161.201448 54.45

9 5 12 94.795316 81.88

9 5 13 36.524159 -11.95

9 6 0 249.111150 90.00

9 6 1 307.604093 -166.49

9 6 2 475.887039 -98.04

9 6 3 311.160518 110.57

9 6 4 399.555969 -167.70

9 6 5 157.355400 -121.73

9 6 6 148.573354 77.37

9 6 7 39.149309 31.30

9 6 8 209.482749 125.63

9 6 9 110.334091 -16.34

9 6 10 84.958335 -34.67

9 6 11 112.711248 168.55

9 6 12 52.187700 -0.23

9 6 13 125.686033 93.88

9 7 0 206.885675 -90.00

9 7 1 135.817956 114.67

9 7 2 297.463476 -7.75

9 7 3 274.617448 -3.79

9 7 4 32.571141 -150.12

9 7 5 50.424514 14.61

9 7 6 103.068477 18.14

9 7 7 180.964926 -41.05

9 7 8 207.775203 -170.28

9 7 9 108.018708 -46.58

9 7 10 111.773907 36.21

9 7 11 110.084386 -15.28

9 7 12 138.918214 -140.54

9 8 0 86.216352 -90.00

9 8 1 184.983874 111.70

9 8 2 185.481913 59.15

9 8 3 96.898346 -133.63

9 8 4 158.373452 -127.91

9 8 5 103.689225 -95.43

9 8 6 42.564722 63.50

9 8 7 112.980870 -123.10

9 8 8 239.150884 38.92

9 8 9 61.000797 -175.71

9 8 10 108.305832 1.27

9 8 11 50.588303 57.44

9 8 12 52.687540 4.91

9 9 0 83.294951 -90.00

9 9 1 71.425603 99.27

9 9 2 54.558319 51.66

9 9 3 260.142061 13.71

9 9 4 263.661246 116.77

9 9 5 61.570880 142.77

9 9 6 327.464721 -82.89

9 9 7 204.063869 69.63

9 9 8 158.216395 124.08

9 9 9 230.989508 119.40

9 9 10 159.854497 33.61

9 9 11 134.582459 -32.26

9 9 12 125.037192 -54.35

9 10 0 110.095787 90.00

9 10 1 201.937856 157.81

9 10 2 108.740314 123.94

9 10 3 205.825773 152.35

9 10 4 108.515259 -31.88

9 10 5 63.812156 -30.19

9 10 6 78.008345 -104.51

9 10 7 202.201667 -74.83

9 10 8 175.408900 -174.35

9 10 9 80.097656 71.42

9 10 10 68.237090 -168.84

9 10 11 252.307610 71.83

9 11 0 85.149749 90.00

9 11 1 134.908916 -56.36

9 11 2 108.399113 -133.34

9 11 3 129.685467 157.99

9 11 4 86.842439 -55.85

9 11 5 105.803331 25.85

9 11 6 149.910602 73.70

9 11 7 153.899128 -14.65

9 11 8 116.041745 -75.25

9 11 9 93.077874 -110.60

9 11 10 232.988351 127.78

9 11 11 27.885125 160.90

9 12 0 197.975748 -90.00

9 12 1 97.613784 -65.37

9 12 2 284.028013 -98.93

9 12 3 100.590199 94.68

9 12 4 81.385700 178.14

9 12 5 105.896841 144.03

9 12 6 129.161880 84.54

9 12 7 221.448820 76.36

9 12 8 184.760819 -0.69

9 12 9 114.583475 -37.69

9 12 10 78.311459 7.94

9 13 0 11.055240 -90.00

9 13 1 222.387664 -3.19

9 13 2 81.782442 -26.68

9 13 3 15.548034 -84.13

9 13 4 91.916838 2.78

9 13 5 76.120378 -141.65

9 13 6 111.737569 156.30

9 13 7 123.045323 58.50

9 13 8 79.573397 158.25

9 13 9 100.035376 106.71

9 14 0 74.706939 90.00

9 14 1 112.992213 -51.95

9 14 2 94.898151 48.84

9 14 3 159.915360 82.25

9 14 4 91.477651 -135.87

9 14 5 134.108298 122.11

9 14 6 125.967064 32.92

9 14 7 52.890156 -159.54

9 14 8 19.606488 74.30

9 14 9 53.914174 -58.40

9 15 0 215.477987 -90.00

9 15 1 117.890587 119.86

9 15 2 87.397988 -55.01

9 15 3 21.207952 -65.36

9 15 4 112.291737 -118.51

9 15 5 113.089664 152.61

9 15 6 41.275633 -68.39

9 15 7 105.578770 44.68

9 15 8 93.256146 141.56

9 16 0 83.983759 90.00

9 16 1 214.790711 8.81

9 16 2 40.556902 84.91

9 16 3 23.008061 66.00

9 16 4 168.253846 -30.65

9 16 5 71.461344 72.16

9 16 6 78.079839 178.72

9 16 7 122.176020 30.39

9 17 0 239.521283 90.00

9 17 1 67.026349 -128.21

9 17 2 147.659062 -51.15

9 17 3 208.294064 103.25

9 17 4 49.516472 137.29

9 17 5 103.639690 64.57

9 18 0 50.468588 90.00

9 18 1 30.071630 -173.61

9 18 2 15.596302 -84.85

9 18 3 120.498033 142.83

10 0 0 166.442404 -0.00

10 0 1 64.152204 -90.00

10 0 2 164.879057 180.00

10 0 3 139.285328 90.00

10 0 4 387.771436 0.00

10 0 5 94.329525 -90.00

10 0 6 22.291432 180.00

10 0 7 322.272257 90.00

10 0 8 150.929000 180.00

10 0 9 18.054477 -90.00

10 0 10 6.306726 0.00

10 0 11 52.607905 -90.00

10 0 12 6.652574 0.00

10 0 13 12.319619 90.00

10 1 0 88.926815 0.00

10 1 1 275.780137 -97.83

10 1 2 270.609315 164.30

10 1 3 249.070763 49.86

10 1 4 87.933258 -24.83

10 1 5 53.556016 -107.33

10 1 6 203.424286 64.78

10 1 7 180.556780 32.65

10 1 8 186.848155 160.48

10 1 9 139.724233 -39.68

10 1 10 68.232197 -27.20

10 1 11 74.103069 68.52

10 1 12 41.019115 -155.44

10 1 13 224.970965 -22.36

10 2 0 4.249935 -0.00

10 2 1 234.107151 -106.85

10 2 2 267.236792 -141.58

10 2 3 483.599966 144.55

10 2 4 222.133395 174.84

10 2 5 192.401134 112.47

10 2 6 193.797748 -129.46

10 2 7 40.287723 -12.42

10 2 8 253.326503 101.41

10 2 9 129.440690 179.63

10 2 10 158.895955 -37.83

10 2 11 127.891536 -128.04

10 2 12 146.595638 83.92

10 2 13 48.950683 -93.23

10 3 0 50.893148 -180.00

10 3 1 131.523122 -46.48

10 3 2 334.152641 -141.75

10 3 3 307.942864 -27.80

10 3 4 208.596654 85.23

10 3 5 162.481710 -65.07

10 3 6 219.729220 -60.69

10 3 7 144.085782 -77.49

10 3 8 43.971042 65.87

10 3 9 154.026767 114.70

10 3 10 90.540364 -78.75

10 3 11 104.247859 13.74

10 3 12 119.647551 -62.09

10 3 13 138.972481 -110.28

10 4 0 172.217907 180.00

10 4 1 296.213941 -163.01

10 4 2 146.116691 -154.69

10 4 3 279.571025 162.26

10 4 4 119.318553 126.90

10 4 5 341.480545 152.59

10 4 6 132.348792 78.83

10 4 7 63.087855 -78.02

10 4 8 97.520416 -101.10

10 4 9 43.655737 -163.40

10 4 10 126.526081 109.57

10 4 11 69.499679 -3.30

10 4 12 127.520244 -59.06

10 4 13 36.486127 -163.75

10 5 0 193.685242 -0.00

10 5 1 34.304213 36.02

10 5 2 231.722920 -113.29

10 5 3 136.093491 94.47

10 5 4 262.591187 2.42

10 5 5 86.914563 -9.48

10 5 6 117.126328 15.47

10 5 7 56.363252 110.79

10 5 8 141.036014 7.38

10 5 9 54.428893 157.58

10 5 10 80.686348 160.39

10 5 11 154.467052 -58.34

10 5 12 24.859726 -46.72

10 5 13 60.686328 74.46

10 6 0 61.258484 -0.00

10 6 1 218.894250 56.24

10 6 2 110.083270 99.07

10 6 3 275.317336 113.56

10 6 4 206.148690 -32.48

10 6 5 42.002413 -172.16

10 6 6 319.541723 113.68

10 6 7 112.809860 -25.32

10 6 8 55.174330 -22.64

10 6 9 81.661074 -13.23

10 6 10 51.048803 -9.71

10 6 11 148.123029 89.24

10 6 12 34.203944 -47.76

10 7 0 37.359488 180.00

10 7 1 208.794351 169.09

10 7 2 298.471049 -127.10

10 7 3 373.380075 -24.53

10 7 4 231.782423 47.70

10 7 5 279.377959 -165.02

10 7 6 98.286335 -49.28

10 7 7 93.162592 -148.29

10 7 8 35.617244 -51.34

10 7 9 64.931598 -177.27

10 7 10 99.262439 -127.09

10 7 11 147.677426 -137.09

10 7 12 92.316420 179.57

10 8 0 131.836847 -0.00

10 8 1 155.040800 -179.35

10 8 2 369.792269 54.42

10 8 3 48.240367 -172.62

10 8 4 132.552705 -121.51

10 8 5 147.772625 -150.71

10 8 6 68.427534 -31.07

10 8 7 33.907595 65.99

10 8 8 97.319464 -119.08

10 8 9 218.543968 -2.26

10 8 10 51.215444 -41.19

10 8 11 132.419497 21.27

10 8 12 30.577790 8.74

10 9 0 251.989114 180.00

10 9 1 53.748670 -156.87

10 9 2 112.615219 -81.49

10 9 3 88.327101 7.72

10 9 4 188.866891 -76.50

10 9 5 94.392409 -49.67

10 9 6 135.005057 -142.41

10 9 7 66.626215 -133.43

10 9 8 218.584336 156.82

10 9 9 91.259772 139.38

10 9 10 141.490555 49.26

10 9 11 80.000860 -179.89

10 10 0 31.647645 0.00

10 10 1 183.592892 39.75

10 10 2 189.948762 12.67

10 10 3 87.848798 87.82

10 10 4 105.285536 -63.95

10 10 5 128.393803 -15.64

10 10 6 151.311410 -44.90

10 10 7 327.016390 -104.91

10 10 8 144.430673 -137.56

10 10 9 94.832211 -115.53

10 10 10 199.415900 156.07

10 10 11 97.998859 125.16

10 11 0 151.432308 180.00

10 11 1 87.786255 -51.06

10 11 2 145.329705 124.48

10 11 3 92.489703 -80.97

10 11 4 71.151089 84.87

10 11 5 247.047923 47.59

10 11 6 170.295724 54.04

10 11 7 51.226751 -69.56

10 11 8 103.935874 -24.68

10 11 9 97.369292 164.68

10 11 10 12.597326 -150.88

10 12 0 52.331098 180.00

10 12 1 132.494040 115.86

10 12 2 290.609122 -5.53

10 12 3 73.861446 122.63

10 12 4 176.100836 -146.40

10 12 5 91.091748 -46.88

10 12 6 64.462615 -6.21

10 12 7 142.740692 166.86

10 12 8 23.648698 179.13

10 12 9 73.787015 -143.66

10 12 10 103.673936 111.62

10 13 0 22.035185 -180.00

10 13 1 129.413939 148.54

10 13 2 166.213672 154.71

10 13 3 84.542194 -22.03

10 13 4 48.419518 -64.91

10 13 5 172.097825 -3.23

10 13 6 44.703485 -57.53

10 13 7 174.099466 156.62

10 13 8 96.505805 -84.66

10 13 9 66.781576 11.14

10 14 0 14.706261 -180.00

10 14 1 128.566235 -129.90

10 14 2 193.494450 -22.08

10 14 3 144.195957 -91.88

10 14 4 77.028768 129.05

10 14 5 36.198608 60.44

10 14 6 156.011748 -83.41

10 14 7 148.935200 -117.24

10 14 8 92.543211 158.61

10 15 0 65.374315 -0.00

10 15 1 209.132235 133.01

10 15 2 269.983559 8.81

10 15 3 166.998472 2.90

10 15 4 134.838856 -116.46

10 15 5 67.604789 38.77

10 15 6 122.165466 -6.01

10 15 7 46.253689 -168.22

10 16 0 66.881925 180.00

10 16 1 118.454071 36.87

10 16 2 54.264665 16.33

10 16 3 118.684336 -174.85

10 16 4 100.102000 50.20

10 16 5 66.234331 159.81

10 16 6 23.407169 32.07

10 17 0 107.145515 -0.00

10 17 1 24.673642 7.24

10 17 2 128.068636 171.40

10 17 3 80.779873 140.24

10 17 4 45.640646 -102.92

10 17 5 31.263554 146.95

10 18 0 24.560345 0.00

10 18 1 109.026011 -150.66

10 18 2 51.121471 -155.75

11 0 1 95.075317 90.00

11 0 2 56.620003 180.00

11 0 3 42.740381 90.00

11 0 4 21.852012 -0.00

11 0 5 139.270498 90.00

11 0 6 109.310779 0.00

11 0 7 40.424858 90.00

11 0 8 155.181561 -0.00

11 0 9 103.895383 90.00

11 0 10 35.931295 -0.00

11 0 11 25.316002 90.00

11 0 12 54.189334 0.00

11 0 13 135.733071 90.00

11 1 0 56.445658 90.00

11 1 1 240.213288 13.17

11 1 2 122.101458 -76.78

11 1 3 275.331243 -170.14

11 1 4 101.006251 -23.18

11 1 5 145.877357 -7.90

11 1 6 372.570435 -71.76

11 1 7 150.961611 118.90

11 1 8 112.076919 179.96

11 1 9 70.973720 -91.06

11 1 10 90.128186 -120.42

11 1 11 180.383828 6.18

11 1 12 112.183925 -123.32

11 1 13 13.728003 -36.84

11 2 0 39.019767 -90.00

11 2 1 232.446064 53.89

11 2 2 122.364668 -144.52

11 2 3 143.130048 -127.51

11 2 4 142.389895 -9.09

11 2 5 518.458989 46.45

11 2 6 265.747168 -21.45

11 2 7 45.167925 -160.42

11 2 8 184.308529 -88.86

11 2 9 25.814450 -84.39

11 2 10 167.719516 -20.07

11 2 11 81.451874 -134.09

11 2 12 164.874970 41.57

11 2 13 54.995370 105.42

11 3 0 162.875967 90.00

11 3 1 105.876395 58.23

11 3 2 280.846928 110.48

11 3 3 276.989802 138.69

11 3 4 247.282872 -106.47

11 3 5 82.253399 90.51

11 3 6 330.528326 117.69

11 3 7 95.322060 -16.32

11 3 8 132.235006 -139.15

11 3 9 53.255339 7.35

11 3 10 124.271258 137.67

11 3 11 16.046623 -7.09

11 3 12 48.433800 135.60

11 3 13 152.602831 52.43

11 4 0 426.101278 -90.00

11 4 1 374.470316 -143.30

11 4 2 125.440464 112.07

11 4 3 167.841556 -145.84

11 4 4 179.660419 21.57

11 4 5 166.618520 -166.83

11 4 6 147.721038 -113.32

11 4 7 93.790749 -166.37

11 4 8 181.880619 -76.47

11 4 9 259.163287 -136.86

11 4 10 61.048666 -46.57

11 4 11 108.642014 173.04

11 4 12 81.581483 -98.40

11 5 0 202.680330 90.00

11 5 1 336.807310 -105.67

11 5 2 187.054782 15.99

11 5 3 202.900016 163.16

11 5 4 116.052865 -4.77

11 5 5 141.182538 -84.48

11 5 6 107.157861 -34.74

11 5 7 225.998583 32.54

11 5 8 276.766347 -69.37

11 5 9 63.466372 167.96

11 5 10 55.950569 145.33

11 5 11 52.664048 -70.46

11 5 12 85.718296 149.03

11 6 0 312.736530 90.00

11 6 1 393.731449 -175.59

11 6 2 324.537015 17.07

11 6 3 148.696934 153.53

11 6 4 145.601939 179.06

11 6 5 36.605105 -61.54

11 6 6 100.699239 -123.77

11 6 7 203.477141 50.17

11 6 8 83.505102 -169.48

11 6 9 77.056342 -110.89

11 6 10 146.533236 -121.28

11 6 11 72.915090 -124.89

11 6 12 176.003121 -1.42

11 7 0 283.876190 -90.00

11 7 1 369.729074 144.88

11 7 2 335.594600 -15.50

11 7 3 426.377254 -47.96

11 7 4 233.810130 -93.96

11 7 5 101.991759 -16.85

11 7 6 216.673351 -78.69

11 7 7 151.919090 0.86

11 7 8 95.845726 -74.50

11 7 9 64.037716 178.96

11 7 10 144.420944 46.19

11 7 11 82.272463 61.95

11 7 12 73.554912 140.18

11 8 0 163.014078 90.00

11 8 1 306.828494 80.24

11 8 2 86.660611 8.08

11 8 3 232.656118 47.48

11 8 4 156.588157 102.24

11 8 5 231.735825 15.17

11 8 6 216.300971 -164.94

11 8 7 151.540290 20.50

11 8 8 67.492797 -137.34

11 8 9 72.387281 -36.12

11 8 10 65.283332 105.11

11 8 11 124.857762 -39.78

11 9 0 6.331826 90.00

11 9 1 214.876650 169.75

11 9 2 66.287870 96.10

11 9 3 87.958867 -30.87

11 9 4 30.572781 177.44

11 9 5 106.028106 -102.47

11 9 6 129.968837 -91.59

11 9 7 246.484560 -73.62

11 9 8 80.217077 -45.48

11 9 9 155.141863 -179.28

11 9 10 206.071445 22.49

11 9 11 102.080547 27.59

11 10 0 136.447833 -90.00

11 10 1 185.762978 -145.06

11 10 2 87.460349 -53.05

11 10 3 200.544785 128.19

11 10 4 122.819115 -165.27

11 10 5 56.348489 74.13

11 10 6 91.313409 58.22

11 10 7 224.525131 -39.57

11 10 8 111.706096 -145.83

11 10 9 52.542790 130.77

11 10 10 178.098702 88.91

11 11 0 426.008999 -90.00

11 11 1 196.197700 105.84

11 11 2 132.709258 40.67

11 11 3 62.670529 168.20

11 11 4 146.186078 -39.45

11 11 5 136.966869 110.02

11 11 6 179.644593 52.07

11 11 7 126.917757 -51.04

11 11 8 100.276145 -7.62

11 11 9 57.367592 -2.36

11 11 10 140.866214 158.32

11 12 0 297.729202 -90.00

11 12 1 48.345084 -151.14

11 12 2 143.992342 -143.73

11 12 3 90.967019 127.21

11 12 4 127.123484 -59.74

11 12 5 55.022901 91.27

11 12 6 205.370940 165.01

11 12 7 48.140089 20.96

11 12 8 24.219984 -6.57

11 12 9 58.264736 -147.73

11 13 0 185.283441 -90.00

11 13 1 124.487308 65.30

11 13 2 100.496772 -91.54

11 13 3 60.616906 -29.15

11 13 4 35.376756 138.79

11 13 5 29.475908 166.98

11 13 6 130.278971 37.51

11 13 7 157.403128 -82.09

11 13 8 13.947932 138.23

11 13 9 179.233962 35.67

11 14 0 71.424331 -90.00

11 14 1 144.866580 -73.55

11 14 2 74.411126 142.69

11 14 3 51.714174 -37.19

11 14 4 102.142850 -75.72

11 14 5 146.083672 126.77

11 14 6 178.539144 8.78

11 14 7 65.396891 28.60

11 14 8 61.092012 -27.96

11 15 0 51.250073 90.00

11 15 1 78.260160 11.86

11 15 2 70.464127 69.56

11 15 3 55.820694 73.60

11 15 4 77.613990 -169.75

11 15 5 133.799438 53.62

11 15 6 194.736930 141.60

11 15 7 78.101308 6.49

11 16 0 204.143973 90.00

11 16 1 87.230750 -122.51

11 16 2 97.653181 157.06

11 16 3 73.710223 -65.40

11 16 4 85.935087 -67.45

11 16 5 87.708758 -145.51

11 17 0 56.559815 90.00

11 17 1 179.337664 -102.11

11 17 2 71.581984 -35.33

11 17 3 158.762793 -6.21

11 17 4 79.831697 133.61

12 0 0 108.780378 180.00

12 0 1 74.729295 90.00

12 0 2 42.240991 0.00

12 0 3 56.158572 -90.00

12 0 4 61.813562 180.00

12 0 5 1.214386 90.00

12 0 6 209.168242 -0.00

12 0 7 91.002033 -90.00

12 0 8 197.694453 180.00

12 0 9 17.310674 -90.00

12 0 10 176.139267 0.00

12 0 11 71.896952 90.00

12 0 12 15.412619 -0.00

12 1 0 66.592119 -180.00

12 1 1 198.041127 -102.97

12 1 2 144.445727 -154.89

12 1 3 67.107279 70.37

12 1 4 278.555166 132.79

12 1 5 252.672539 69.10

12 1 6 80.560366 -154.47

12 1 7 243.580863 -59.16

12 1 8 85.980296 -13.23

12 1 9 218.179015 -105.24

12 1 10 45.713616 -73.34

12 1 11 57.035691 -102.75

12 1 12 36.947604 26.52

12 2 0 106.090745 -180.00

12 2 1 150.509406 -75.59

12 2 2 420.396831 61.94

12 2 3 100.756602 159.41

12 2 4 215.558707 72.13

12 2 5 381.108948 -125.00

12 2 6 67.204196 81.90

12 2 7 121.372017 64.03

12 2 8 145.322937 20.26

12 2 9 152.822862 101.58

12 2 10 130.380103 -65.35

12 2 11 152.987730 92.74

12 2 12 75.877485 -42.66

12 3 0 204.967918 0.00

12 3 1 424.481316 -148.07

12 3 2 38.977810 -140.28

12 3 3 285.078739 132.90

12 3 4 142.323940 33.39

12 3 5 260.374942 -27.40

12 3 6 244.135453 -19.40

12 3 7 186.589405 -123.77

12 3 8 179.085763 -165.12

12 3 9 219.234525 -95.10

12 3 10 133.366435 -154.39

12 3 11 267.320963 -13.45

12 3 12 35.696601 173.17

12 4 0 379.171214 -0.00

12 4 1 317.894409 121.05

12 4 2 328.966322 -167.75

12 4 3 319.769771 -155.24

12 4 4 67.163484 77.78

12 4 5 126.214393 66.29

12 4 6 47.172985 -12.88

12 4 7 152.040970 -77.67

12 4 8 374.066076 -62.95

12 4 9 81.349772 -10.60

12 4 10 202.171538 107.45

12 4 11 6.381744 -152.70

12 4 12 38.658925 162.66

12 5 0 4.816766 0.00

12 5 1 205.996779 -101.50

12 5 2 361.561201 -77.99

12 5 3 445.072225 -20.34

12 5 4 54.624657 155.22

12 5 5 171.484274 -159.60

12 5 6 147.769531 11.36

12 5 7 226.335770 9.16

12 5 8 181.050091 111.32

12 5 9 38.136189 -27.74

12 5 10 75.851501 170.08

12 5 11 156.654006 -121.58

12 5 12 56.628726 -68.16

12 6 0 68.472844 -0.00

12 6 1 238.921955 67.75

12 6 2 389.004828 77.45

12 6 3 150.603109 40.76

12 6 4 220.143962 -43.51

12 6 5 213.589386 -55.60

12 6 6 180.409601 -121.08

12 6 7 104.571282 -152.55

12 6 8 138.433186 -11.84

12 6 9 132.502099 -87.53

12 6 10 151.792987 168.03

12 6 11 152.751224 144.29

12 6 12 189.024832 -76.34

12 7 0 378.161186 180.00

12 7 1 250.211510 153.73

12 7 2 116.365694 -80.12

12 7 3 102.377507 97.25

12 7 4 210.942765 45.86

12 7 5 70.044832 96.89

12 7 6 85.210333 43.76

12 7 7 172.452245 87.71

12 7 8 180.021131 63.83

12 7 9 29.674382 121.19

12 7 10 126.052442 -86.09

12 7 11 41.325683 76.13

12 8 0 10.251713 -0.00

12 8 1 50.886326 -102.82

12 8 2 312.968140 168.95

12 8 3 171.407001 40.75

12 8 4 194.918484 -53.83

12 8 5 105.173153 -95.97

12 8 6 141.050106 -123.23

12 8 7 99.639072 -10.53

12 8 8 56.553574 -165.02

12 8 9 199.639074 -1.11

12 8 10 100.162944 4.81

12 8 11 56.491680 -112.60

12 9 0 275.525429 -0.00

12 9 1 187.493396 -45.10

12 9 2 86.353258 -40.20

12 9 3 119.233197 142.05

12 9 4 192.127786 62.27

12 9 5 160.286753 -127.41

12 9 6 37.763055 174.20

12 9 7 98.051779 1.00

12 9 8 236.209178 106.53

12 9 9 225.230916 121.42

12 9 10 59.354607 76.45

12 10 0 147.771209 -180.00

12 10 1 162.021471 -121.01

12 10 2 195.629306 165.48

12 10 3 225.350818 95.28

12 10 4 174.312943 -13.81

12 10 5 51.596353 37.96

12 10 6 133.414360 100.32

12 10 7 151.836890 -95.20

12 10 8 63.287577 -35.37

12 10 9 151.642431 4.51

12 10 10 112.721311 -165.71

12 11 0 204.580229 -0.00

12 11 1 117.786620 -46.03

12 11 2 36.340545 -158.62

12 11 3 148.490128 -86.82

12 11 4 183.612408 141.58

12 11 5 44.844079 -139.87

12 11 6 70.806357 143.57

12 11 7 74.593184 -113.84

12 11 8 36.865207 -88.55

12 11 9 83.727903 -49.71

12 12 0 20.160522 -0.00

12 12 1 60.630202 -70.36

12 12 2 27.614546 -178.58

12 12 3 11.239889 -120.40

12 12 4 149.912826 -59.22

12 12 5 244.573330 -153.71

12 12 6 26.012603 -54.45

12 12 7 69.957923 1.83

12 12 8 35.083544 38.51

12 12 9 176.384839 142.10

12 13 0 56.694064 -0.00

12 13 1 139.875418 -111.85

12 13 2 140.967756 -71.83

12 13 3 125.410866 -61.21

12 13 4 132.976284 -56.15

12 13 5 123.903094 -40.37

12 13 6 95.884308 8.74

12 13 7 109.161326 -76.58

12 13 8 79.084901 -117.77

12 14 0 161.250184 -0.00

12 14 1 49.649292 -31.55

12 14 2 118.127328 -37.16

12 14 3 132.613115 25.65

12 14 4 75.744826 34.79

12 14 5 94.907726 138.14

12 14 6 70.961936 -3.94

12 14 7 68.606419 72.80

12 15 0 40.058321 -180.00

12 15 1 179.075138 109.60

12 15 2 56.069756 -49.44

12 15 3 50.042848 -4.57

12 15 4 45.344612 30.71

12 15 5 126.009118 -76.92

12 15 6 75.442554 -169.67

12 16 0 126.386761 180.00

12 16 1 132.167523 9.65

12 16 2 65.241555 -5.31

12 16 3 55.763068 145.94

12 16 4 133.422137 -8.42

12 17 0 38.046068 -0.00

12 17 1 76.410191 60.42

12 17 2 130.149335 154.19

13 0 1 210.263264 90.00

13 0 2 21.282959 0.00

13 0 3 21.121687 -90.00

13 0 4 88.731927 -0.00

13 0 5 168.647782 -90.00

13 0 6 284.463211 0.00

13 0 7 26.770855 -90.00

13 0 8 70.271805 180.00

13 0 9 118.020691 90.00

13 0 10 23.440593 180.00

13 0 11 25.899889 90.00

13 0 12 10.948723 0.00

13 1 0 408.234218 -90.00

13 1 1 189.200811 148.12

13 1 2 154.586145 153.67

13 1 3 74.594259 -168.06

13 1 4 228.608657 -60.83

13 1 5 207.528768 -25.11

13 1 6 50.920359 84.66

13 1 7 182.535399 105.74

13 1 8 239.942244 -102.00

13 1 9 150.017839 -36.76

13 1 10 219.834798 104.21

13 1 11 187.746692 76.11

13 1 12 49.410566 -90.79

13 2 0 520.629256 -90.00

13 2 1 260.577290 -26.88

13 2 2 194.254919 160.42

13 2 3 140.506830 -128.83

13 2 4 260.207277 -12.21

13 2 5 195.629872 53.96

13 2 6 146.867453 -88.78

13 2 7 40.705914 -79.00

13 2 8 317.932165 -75.92

13 2 9 102.580130 29.10

13 2 10 106.383426 115.95

13 2 11 24.873929 -22.68

13 2 12 64.367653 -167.03

13 3 0 431.641696 90.00

13 3 1 197.744605 -129.60

13 3 2 147.864787 25.74

13 3 3 50.159518 84.86

13 3 4 127.749767 2.81

13 3 5 100.814997 22.86

13 3 6 282.931313 -111.51

13 3 7 70.885090 82.87

13 3 8 101.180323 48.56

13 3 9 76.832382 131.12

13 3 10 126.016631 -150.29

13 3 11 126.451653 -149.50

13 3 12 108.436913 146.53

13 4 0 427.376646 -90.00

13 4 1 123.390865 34.73

13 4 2 267.392144 -5.51

13 4 3 167.155894 52.08

13 4 4 177.436213 -102.00

13 4 5 124.483704 38.32

13 4 6 95.084936 55.56

13 4 7 228.775862 75.21

13 4 8 220.152581 -69.78

13 4 9 58.397781 10.94

13 4 10 248.698857 -40.43

13 4 11 92.268878 -154.12

13 4 12 109.634622 132.45

13 5 0 321.894580 90.00

13 5 1 177.148015 49.03

13 5 2 211.962144 -175.20

13 5 3 193.414554 142.91

13 5 4 226.774483 -92.90

13 5 5 128.927711 -5.48

13 5 6 172.358170 163.28

13 5 7 107.703659 74.26

13 5 8 132.008089 -51.01

13 5 9 161.185909 47.50

13 5 10 171.207531 -166.33

13 5 11 53.979848 77.55

13 6 0 73.414250 90.00

13 6 1 226.893675 25.75

13 6 2 90.368656 -104.64

13 6 3 149.094813 27.67

13 6 4 38.316687 -67.30

13 6 5 220.914658 -41.12

13 6 6 30.256486 -63.89

13 6 7 119.012480 88.86

13 6 8 104.320736 52.02

13 6 9 102.234087 -99.68

13 6 10 162.801975 160.87

13 6 11 152.794601 11.61

13 7 0 130.376127 -90.00

13 7 1 147.519750 -140.49

13 7 2 118.206484 150.35

13 7 3 74.754644 60.30

13 7 4 191.828732 108.79

13 7 5 40.954583 -179.06

13 7 6 100.804623 -141.14

13 7 7 108.336166 35.79

13 7 8 154.254975 36.30

13 7 9 105.469260 100.67

13 7 10 93.274343 -72.01

13 7 11 134.899054 -101.91

13 8 0 297.319131 90.00

13 8 1 320.974141 -29.12

13 8 2 153.860394 137.65

13 8 3 225.873808 -86.39

13 8 4 67.073428 34.35

13 8 5 49.188725 -90.95

13 8 6 21.068864 165.00

13 8 7 133.269645 -167.77

13 8 8 275.078244 179.36

13 8 9 147.802814 83.28

13 8 10 153.891655 90.31

13 9 0 48.463151 -90.00

13 9 1 182.440981 -164.66

13 9 2 108.793687 -170.24

13 9 3 70.552105 -99.58

13 9 4 128.147306 64.41

13 9 5 146.504433 8.41

13 9 6 170.477865 -106.16

13 9 7 85.270839 1.86

13 9 8 104.136965 13.65

13 9 9 165.990577 -130.78

13 9 10 45.515082 80.19

13 10 0 117.051263 90.00

13 10 1 130.474695 -41.59

13 10 2 42.513255 94.53

13 10 3 239.591549 -110.60

13 10 4 58.775836 85.53

13 10 5 26.344586 -56.90

13 10 6 198.011401 72.53

13 10 7 62.220012 -12.80

13 10 8 20.677985 -14.77

13 10 9 104.137967 127.16

13 11 0 137.997258 90.00

13 11 1 119.234544 -99.06

13 11 2 306.852822 -67.67

13 11 3 79.912087 -77.49

13 11 4 112.729942 -35.03

13 11 5 135.255034 139.63

13 11 6 128.350563 -132.71

13 11 7 138.554654 -172.11

13 11 8 196.225737 25.12

13 11 9 39.125522 -147.86

13 12 0 70.751843 -90.00

13 12 1 108.131915 -51.54

13 12 2 115.867326 18.20

13 12 3 120.313344 -9.50

13 12 4 17.947081 91.42

13 12 5 78.593975 -89.93

13 12 6 157.422291 -175.02

13 12 7 101.585806 93.30

13 12 8 70.642320 -102.25

13 13 0 32.377242 90.00

13 13 1 22.218865 -157.36

13 13 2 73.840585 -39.27

13 13 3 68.705410 134.28

13 13 4 67.870646 -83.44

13 13 5 174.355271 -114.37

13 13 6 46.054410 -74.51

13 13 7 131.838216 -94.53

13 14 0 8.634587 90.00

13 14 1 131.054342 -107.39

13 14 2 188.375525 -84.79

13 14 3 69.500245 19.10

13 14 4 92.933925 108.23

13 14 5 204.691803 -22.54

13 14 6 111.298806 -52.68

13 15 0 130.659285 -90.00

13 15 1 96.942080 -5.36

13 15 2 48.657412 -41.51

13 15 3 119.914977 89.09

13 15 4 124.064139 57.31

13 15 5 104.446182 -33.07

13 16 0 40.369713 90.00

13 16 1 27.545718 133.58

13 16 2 193.381586 173.45

13 16 3 45.928342 147.56

14 0 0 98.293699 -0.00

14 0 1 309.981844 -90.00

14 0 2 318.259335 -0.00

14 0 3 302.910301 -90.00

14 0 4 172.753147 -180.00

14 0 5 27.723055 90.00

14 0 6 24.483487 180.00

14 0 7 199.800527 -90.00

14 0 8 120.686528 -0.00

14 0 9 65.593755 90.00

14 0 10 30.253044 180.00

14 0 11 20.155609 -90.00

14 1 0 213.157655 0.00

14 1 1 196.770210 48.51

14 1 2 227.328670 -31.72

14 1 3 293.726358 21.30

14 1 4 151.382363 43.45

14 1 5 82.947526 -32.98

14 1 6 70.441568 97.17

14 1 7 129.173763 -26.41

14 1 8 219.031336 21.03

14 1 9 227.438762 -176.02

14 1 10 51.496213 143.97

14 1 11 51.636246 34.04

14 2 0 215.067221 180.00

14 2 1 167.141908 -150.78

14 2 2 51.220101 126.92

14 2 3 75.417740 131.63

14 2 4 184.308941 -44.78

14 2 5 134.872936 -99.11

14 2 6 202.910527 29.44

14 2 7 93.145654 -107.02

14 2 8 144.290654 32.26

14 2 9 134.400427 146.07

14 2 10 125.364279 159.13

14 2 11 83.011876 105.67

14 3 0 58.900246 180.00

14 3 1 134.457654 -110.20

14 3 2 79.955818 -66.63

14 3 3 259.472522 115.29

14 3 4 66.412770 75.40

14 3 5 167.263393 94.16

14 3 6 30.947147 -6.07

14 3 7 121.768366 149.05

14 3 8 93.447499 -103.19

14 3 9 74.724334 -86.83

14 3 10 71.915588 -157.91

14 3 11 167.436520 -154.69

14 4 0 138.374625 -0.00

14 4 1 206.577072 -174.39

14 4 2 268.709482 -133.17

14 4 3 294.250365 -36.48

14 4 4 81.463335 28.87

14 4 5 203.690107 -179.43

14 4 6 100.534419 -10.22

14 4 7 137.330556 -53.05

14 4 8 72.648373 76.72

14 4 9 102.195321 82.16

14 4 10 131.269592 15.82

14 4 11 38.750312 -159.11

14 5 0 30.135236 180.00

14 5 1 43.695073 26.83

14 5 2 206.654313 -8.78

14 5 3 100.152146 -5.21

14 5 4 63.338418 124.20

14 5 5 115.936292 73.38

14 5 6 178.786871 -76.85

14 5 7 96.047621 24.19

14 5 8 65.430697 158.18

14 5 9 34.702012 161.63

14 5 10 95.561009 178.66

14 5 11 103.271294 87.92

14 6 0 155.373568 180.00

14 6 1 37.193405 -152.04

14 6 2 300.893783 119.34

14 6 3 72.832260 -91.21

14 6 4 117.265177 -23.83

14 6 5 53.271446 -35.77

14 6 6 37.508414 89.74

14 6 7 154.068406 112.24

14 6 8 109.116643 56.11

14 6 9 85.496383 -110.37

14 6 10 104.745558 106.39

14 6 11 106.063794 -72.32

14 7 0 80.103598 180.00

14 7 1 112.886155 -170.84

14 7 2 201.079284 23.51

14 7 3 49.581759 34.20

14 7 4 203.252286 161.40

14 7 5 147.795956 42.04

14 7 6 152.424437 -107.43

14 7 7 53.618002 -1.31

14 7 8 50.504624 -160.91

14 7 9 62.785453 85.01

14 7 10 185.525339 9.98

14 8 0 95.051919 180.00

14 8 1 111.655459 168.05

14 8 2 129.571242 -109.91

14 8 3 120.796621 19.18

14 8 4 118.813771 149.80

14 8 5 36.781348 28.14

14 8 6 91.040076 -37.77

14 8 7 125.191848 60.75

14 8 8 199.012433 88.45

14 8 9 193.701868 132.96

14 8 10 129.686892 -39.39

14 9 0 98.947661 180.00

14 9 1 191.092871 60.46

14 9 2 182.547203 152.96

14 9 3 96.024527 -2.65

14 9 4 181.395675 131.79

14 9 5 65.692827 108.82

14 9 6 78.930173 166.57

14 9 7 83.377433 -5.58

14 9 8 54.999775 130.14

14 9 9 119.034713 161.39

14 10 0 507.048465 180.00

14 10 1 119.981717 -48.51

14 10 2 178.563035 -127.18

14 10 3 96.673987 -88.54

14 10 4 101.201513 -1.35

14 10 5 109.565109 22.68

14 10 6 94.437202 -39.62

14 10 7 151.847688 114.87

14 10 8 118.830569 -154.88

14 10 9 49.785986 90.99

14 11 0 41.039502 180.00

14 11 1 166.373082 -38.65

14 11 2 142.491345 79.42

14 11 3 62.228603 -79.41

14 11 4 67.291881 141.52

14 11 5 182.737992 19.93

14 11 6 175.321856 164.99

14 11 7 136.260049 -84.98

14 11 8 51.610590 145.80

14 12 0 35.667217 180.00

14 12 1 107.782963 -37.25

14 12 2 7.627210 132.93

14 12 3 216.751284 -76.26

14 12 4 79.328004 57.94

14 12 5 12.581699 112.42

14 12 6 124.493997 67.76

14 12 7 152.106861 -31.73

14 13 0 87.759447 180.00

14 13 1 15.013955 50.18

14 13 2 218.442851 30.41

14 13 3 26.092029 148.27

14 13 4 53.478052 -29.22

14 13 5 47.893253 -128.59

14 13 6 66.558954 170.01

14 13 7 59.307846 -145.36

14 14 0 20.035019 -0.00

14 14 1 116.702377 -15.22

14 14 2 18.348105 -102.68

14 14 3 53.018508 139.30

14 14 4 135.326913 78.56

14 14 5 107.445108 -18.00

14 15 0 86.413655 180.00

14 15 1 40.372040 5.93

14 15 2 75.018166 41.90

14 15 3 106.774881 -149.83

14 15 4 17.257769 12.83

14 16 0 51.335178 180.00

14 16 1 56.826430 -122.72

15 0 1 12.173253 -90.00

15 0 2 413.051089 -0.00

15 0 3 209.748603 90.00

15 0 4 244.430333 -0.00

15 0 5 98.553001 90.00

15 0 6 206.554736 -0.00

15 0 7 221.285941 90.00

15 0 8 152.118430 180.00

15 0 9 33.647849 90.00

15 0 10 61.538758 -0.00

15 0 11 43.939005 -90.00

15 1 0 135.638683 -90.00

15 1 1 87.155052 -131.91

15 1 2 36.228696 -66.55

15 1 3 148.807314 19.88

15 1 4 205.011180 -70.43

15 1 5 174.107786 93.23

15 1 6 71.360344 84.89

15 1 7 76.627340 95.13

15 1 8 119.275790 -176.14

15 1 9 99.826768 -86.67

15 1 10 34.002093 39.06

15 1 11 92.846120 116.85

15 2 0 10.918906 90.00

15 2 1 185.507473 -125.67

15 2 2 70.711101 39.75

15 2 3 182.366039 117.04

15 2 4 196.224342 86.50

15 2 5 158.710219 40.55

15 2 6 233.358281 172.34

15 2 7 106.551554 -123.45

15 2 8 108.459413 93.05

15 2 9 231.223591 -169.24

15 2 10 65.896465 26.79

15 2 11 68.558897 -171.05

15 3 0 81.813571 90.00

15 3 1 142.752011 25.15

15 3 2 105.374013 101.59

15 3 3 48.544528 76.53

15 3 4 112.375815 -54.76

15 3 5 196.936454 -44.11

15 3 6 46.857627 -123.37

15 3 7 123.765088 -175.78

15 3 8 142.980450 -54.97

15 3 9 135.747207 111.58

15 3 10 141.252561 -79.09

15 3 11 91.101853 81.13

15 4 0 114.501026 90.00

15 4 1 224.726478 -135.06

15 4 2 13.608699 129.46

15 4 3 148.430965 89.73

15 4 4 96.251711 -13.05

15 4 5 162.760752 -121.48

15 4 6 211.566695 50.27

15 4 7 122.270427 49.53

15 4 8 43.777613 -176.06

15 4 9 116.281668 -6.57

15 4 10 93.100877 -122.28

15 5 0 34.746353 90.00

15 5 1 36.239926 -112.81

15 5 2 32.305845 135.34

15 5 3 340.442780 85.81

15 5 4 115.661216 -16.01

15 5 5 48.982487 -165.25

15 5 6 114.616190 141.50

15 5 7 263.121012 108.27

15 5 8 172.728001 179.88

15 5 9 58.619308 -19.35

15 5 10 99.181567 -176.39

15 6 0 21.769188 90.00

15 6 1 120.151662 91.25

15 6 2 306.016061 -123.43

15 6 3 116.361875 149.46

15 6 4 51.303056 -148.42

15 6 5 127.859994 -5.24

15 6 6 148.852432 36.63

15 6 7 221.903099 -94.15

15 6 8 105.682500 27.64

15 6 9 131.765990 -123.45

15 6 10 10.167059 -143.41

15 7 0 402.337043 -90.00

15 7 1 163.150753 -35.65

15 7 2 93.571110 95.63

15 7 3 48.195908 -159.83

15 7 4 51.021363 148.09

15 7 5 97.331630 96.72

15 7 6 163.107831 -85.74

15 7 7 169.941601 91.34

15 7 8 195.246371 118.97

15 7 9 86.815610 67.00

15 7 10 63.489709 -99.68

15 8 0 79.710563 -90.00

15 8 1 122.268236 22.72

15 8 2 163.419792 -87.58

15 8 3 75.666072 145.05

15 8 4 92.874973 -64.85

15 8 5 97.825874 79.15

15 8 6 25.604559 168.64

15 8 7 117.064184 -54.40

15 8 8 42.267649 -139.92

15 8 9 43.430163 -116.65

15 9 0 173.112149 90.00

15 9 1 97.873614 112.19

15 9 2 92.105050 95.85

15 9 3 87.434739 7.72

15 9 4 87.314189 114.78

15 9 5 44.824257 -74.62

15 9 6 137.254017 124.23

15 9 7 44.678632 -149.42

15 9 8 68.801294 -8.46

15 9 9 152.362084 -144.77

15 10 0 192.396381 -90.00

15 10 1 49.167047 144.67

15 10 2 54.449927 165.58

15 10 3 123.245500 161.56

15 10 4 159.114974 -4.05

15 10 5 191.988131 -176.83

15 10 6 39.744119 124.07

15 10 7 99.090086 61.61

15 10 8 40.970818 135.06

15 11 0 143.913653 90.00

15 11 1 128.924019 -111.37

15 11 2 137.343063 -112.21

15 11 3 21.792092 -101.57

15 11 4 215.309973 -101.65

15 11 5 198.485140 130.99

15 11 6 110.897105 -144.49

15 11 7 164.893559 -144.10

15 12 0 157.382049 -90.00

15 12 1 125.807473 117.05

15 12 2 76.861702 -15.76

15 12 3 142.382207 -29.02

15 12 4 179.827352 -112.88

15 12 5 96.612634 -47.18

15 12 6 113.532188 -103.44

15 12 7 14.261835 149.35

15 13 0 13.728187 90.00

15 13 1 77.562841 30.40

15 13 2 110.142189 152.87

15 13 3 158.400374 -58.89

15 13 4 73.824383 -80.34

15 13 5 81.203135 124.21

15 13 6 108.634098 158.40

15 14 0 6.320579 90.00

15 14 1 168.995299 139.38

15 14 2 83.698898 -52.00

15 14 3 22.086877 -60.00

15 14 4 173.689470 130.79

15 15 0 47.095143 -90.00

15 15 1 36.472810 -31.10

15 15 2 130.349515 -137.89

16 0 0 280.309463 180.00

16 0 1 267.553328 90.00

16 0 2 36.236567 180.00

16 0 3 113.541462 -90.00

16 0 4 87.220922 180.00

16 0 5 97.350466 90.00

16 0 6 39.732149 0.00

16 0 7 104.467509 -90.00

16 0 8 126.879627 180.00

16 0 9 81.192539 -90.00

16 0 10 87.682524 0.00

16 1 0 36.737667 -180.00

16 1 1 294.353034 -52.60

16 1 2 87.735708 178.53

16 1 3 125.294444 -130.47

16 1 4 143.421701 -127.07

16 1 5 28.651470 146.13

16 1 6 186.383739 111.87

16 1 7 172.907367 118.12

16 1 8 27.877625 133.59

16 1 9 123.063488 15.28

16 1 10 196.675379 112.33

16 2 0 71.114541 -0.00

16 2 1 100.866364 30.31

16 2 2 138.081145 -13.64

16 2 3 121.859606 -3.38

16 2 4 63.621769 -23.55

16 2 5 95.812521 -68.32

16 2 6 48.271169 -101.93

16 2 7 79.833334 50.06

16 2 8 154.777672 163.80

16 2 9 41.905262 -48.05

16 2 10 193.483391 93.59

16 3 0 111.979919 -180.00

16 3 1 181.765238 6.37

16 3 2 198.931118 -40.61

16 3 3 67.286564 -101.28

16 3 4 102.947112 -168.45

16 3 5 47.260268 -177.83

16 3 6 71.421875 -149.48

16 3 7 149.674497 106.75

16 3 8 203.744408 162.22

16 3 9 67.556357 -20.84

16 3 10 93.663404 140.90

16 4 0 54.757735 -0.00

16 4 1 241.050090 70.14

16 4 2 137.040165 146.10

16 4 3 111.145634 48.50

16 4 4 68.315158 -8.36

16 4 5 124.132477 -33.48

16 4 6 155.587602 111.50

16 4 7 83.638332 -118.49

16 4 8 112.226370 -160.22

16 4 9 123.857156 179.23

16 4 10 107.196241 65.98

16 5 0 70.126426 180.00

16 5 1 187.212216 41.01

16 5 2 94.481528 46.98

16 5 3 181.858236 -173.03

16 5 4 116.692998 55.80

16 5 5 149.745672 94.23

16 5 6 151.366117 -135.52

16 5 7 90.204346 -175.98

16 5 8 237.156353 -65.87

16 5 9 101.393179 -122.78

16 5 10 108.055362 143.67

16 6 0 100.421360 -0.00

16 6 1 147.112423 141.76

16 6 2 141.427301 -79.92

16 6 3 136.805354 -156.40

16 6 4 16.435577 -108.12

16 6 5 167.426958 49.71

16 6 6 125.132649 46.31

16 6 7 98.825865 148.10

16 6 8 61.861945 -142.22

16 6 9 69.628227 -10.19

16 7 0 85.617145 -0.00

16 7 1 83.574400 24.72

16 7 2 198.522708 44.37

16 7 3 137.532546 125.73

16 7 4 120.647693 -67.18

16 7 5 121.058937 95.41

16 7 6 64.896977 -114.24

16 7 7 31.999698 -36.83

16 7 8 132.673915 -24.26

16 7 9 93.425872 -119.05

16 8 0 232.899014 180.00

16 8 1 82.389727 149.53

16 8 2 208.374051 -106.99

16 8 3 5.890838 10.34

16 8 4 41.197571 -156.37

16 8 5 63.911226 74.41

16 8 6 84.603846 -147.99

16 8 7 87.352322 -19.90

16 8 8 14.434864 176.89

16 8 9 165.363957 169.02

16 9 0 148.515951 -0.00

16 9 1 151.952210 -103.71

16 9 2 83.562841 104.90

16 9 3 42.781476 -129.71

16 9 4 135.239301 -58.02

16 9 5 85.923405 172.07

16 9 6 178.498064 10.21

16 9 7 153.425002 -25.28

16 9 8 43.950027 -36.01

16 10 0 0.271564 -180.00

16 10 1 151.096906 -51.00

16 10 2 245.937690 -121.41

16 10 3 23.946215 -152.08

16 10 4 60.649890 162.16

16 10 5 87.133282 14.97

16 10 6 124.786706 -90.93

16 10 7 130.963458 131.61

16 11 0 68.475070 -0.00

16 11 1 39.769133 171.56

16 11 2 168.176980 79.59

16 11 3 78.304198 -44.78

16 11 4 157.965877 -15.19

16 11 5 15.589511 -72.96

16 11 6 37.654545 -9.46

16 11 7 40.041340 -56.68

16 12 0 62.407779 180.00

16 12 1 7.746704 12.65

16 12 2 52.648959 71.55

16 12 3 56.208516 1.18

16 12 4 24.602116 -140.25

16 12 5 61.778812 119.86

16 12 6 162.522786 -111.77

16 13 0 165.938981 180.00

16 13 1 126.522921 170.68

16 13 2 189.985670 78.72

16 13 3 65.546356 170.17

16 13 4 32.172399 -76.87

16 14 0 103.761358 180.00

16 14 1 46.100535 -47.49

16 14 2 81.958225 -175.94

16 14 3 146.325167 140.16

17 0 1 158.006839 -90.00

17 0 2 128.976872 180.00

17 0 3 70.153764 -90.00

17 0 4 39.653676 -180.00

17 0 5 73.763882 -90.00

17 0 6 163.611680 180.00

17 0 7 174.149809 90.00

17 0 8 53.879418 180.00

17 0 9 123.898178 90.00

17 0 10 8.124184 0.00

17 1 0 170.442594 90.00

17 1 1 34.427623 -127.42

17 1 2 84.750611 132.03

17 1 3 40.812309 -120.78

17 1 4 62.702673 11.99

17 1 5 122.832108 143.68

17 1 6 82.342755 -120.32

17 1 7 95.683978 -147.95

17 1 8 130.575011 -85.71

17 1 9 32.656548 -53.29

17 1 10 127.663570 23.60

17 2 0 111.079676 -90.00

17 2 1 77.750479 -22.41

17 2 2 84.683916 -12.27

17 2 3 55.753517 -141.02

17 2 4 53.542457 -80.22

17 2 5 18.981538 -139.03

17 2 6 48.732420 -178.57

17 2 7 13.932542 9.64

17 2 8 52.091114 95.03

17 2 9 295.759169 108.08

17 2 10 147.661679 -120.82

17 3 0 95.195185 -90.00

17 3 1 182.608748 79.05

17 3 2 129.624301 173.91

17 3 3 198.175652 158.51

17 3 4 257.010866 -62.12

17 3 5 40.772890 151.73

17 3 6 198.515230 61.58

17 3 7 65.740878 -170.34

17 3 8 106.411162 -101.48

17 3 9 25.819349 -139.23

17 4 0 172.078181 90.00

17 4 1 111.056300 101.63

17 4 2 102.464238 -22.56

17 4 3 69.670233 102.84

17 4 4 89.632223 -90.81

17 4 5 72.609163 154.70

17 4 6 64.589418 -27.38

17 4 7 102.198407 103.17

17 4 8 160.851706 -172.57

17 4 9 71.181285 -157.37

17 5 0 191.071468 -90.00

17 5 1 74.045756 -164.31

17 5 2 144.337908 133.88

17 5 3 136.068362 38.65

17 5 4 287.556838 -87.37

17 5 5 107.478670 83.38

17 5 6 205.441193 86.26

17 5 7 25.456289 -96.70

17 5 8 67.498213 -21.21

17 5 9 61.399922 -50.32

17 6 0 202.710734 90.00

17 6 1 52.322706 22.56

17 6 2 123.457058 114.38

17 6 3 156.817022 29.99

17 6 4 262.718938 79.10

17 6 5 127.095027 41.90

17 6 6 224.616523 160.85

17 6 7 82.388818 -130.23

17 6 8 104.398174 104.96

17 6 9 83.259730 7.16

17 7 0 203.886531 90.00

17 7 1 17.597483 -62.79

17 7 2 253.858691 88.90

17 7 3 42.030650 -155.68

17 7 4 197.835085 100.57

17 7 5 145.603741 -173.18

17 7 6 79.130244 -51.69

17 7 7 90.188415 -146.11

17 7 8 128.633505 139.11

17 8 0 156.294614 90.00

17 8 1 150.570310 -156.30

17 8 2 125.322913 77.79

17 8 3 83.000984 -149.81

17 8 4 163.617139 57.57

17 8 5 89.436423 59.89

17 8 6 106.338283 179.14

17 8 7 184.909258 -13.72

17 8 8 50.873015 1.43

17 9 0 109.682124 90.00

17 9 1 149.994178 96.06

17 9 2 129.347140 -15.11

17 9 3 298.162813 -121.42

17 9 4 72.934501 -11.47

17 9 5 32.141945 124.75

17 9 6 66.265766 163.42

17 9 7 53.953236 -86.58

17 10 0 66.997048 -90.00

17 10 1 148.326494 -151.11

17 10 2 108.464592 45.32

17 10 3 171.592555 172.24

17 10 4 179.932386 3.16

17 10 5 52.866877 48.21

17 10 6 133.529204 173.89

17 11 0 22.249471 90.00

17 11 1 52.182738 85.36

17 11 2 139.277281 -55.11

17 11 3 50.779210 -170.04

17 11 4 175.834235 -79.50

17 11 5 64.860879 -57.45

17 11 6 41.792014 45.81

17 12 0 142.753606 90.00

17 12 1 43.848270 79.31

17 12 2 152.227938 -8.33

17 12 3 59.276412 -83.98

17 12 4 93.782721 51.43

17 13 0 29.870150 90.00

17 13 1 148.566961 108.86

17 13 2 53.729722 168.78

17 13 3 34.986731 154.43

18 0 0 111.822687 0.00

18 0 1 46.461371 90.00

18 0 2 137.846291 0.00

18 0 3 25.478629 90.00

18 0 4 49.020715 180.00

18 0 5 1.819365 -90.00

18 0 6 93.295832 180.00

18 0 7 98.859537 -90.00

18 0 8 19.798910 0.00

18 0 9 90.519334 90.00

18 1 0 298.242043 0.00

18 1 1 238.373195 150.54

18 1 2 166.712367 -63.73

18 1 3 130.988023 73.08

18 1 4 171.617734 -115.75

18 1 5 99.251036 -30.89

18 1 6 144.242333 -15.09

18 1 7 81.409135 10.39

18 1 8 37.778208 -153.76

18 1 9 31.823546 7.40

18 2 0 306.926462 -0.00

18 2 1 143.914715 62.13

18 2 2 220.124935 -143.83

18 2 3 91.346703 153.87

18 2 4 89.712761 49.17

18 2 5 53.143820 132.78

18 2 6 121.492699 135.55

18 2 7 210.055530 104.16

18 2 8 87.880143 79.82

18 2 9 65.151829 42.09

18 3 0 53.862498 -0.00

18 3 1 186.563622 94.89

18 3 2 147.456305 -31.41

18 3 3 85.767677 -65.75

18 3 4 178.253261 178.90

18 3 5 130.431753 178.63

18 3 6 93.548513 -178.52

18 3 7 98.121580 -130.33

18 3 8 95.955134 171.76

18 3 9 182.455149 -175.64

18 4 0 15.353384 0.00

18 4 1 172.343259 -30.52

18 4 2 46.507192 -120.38

18 4 3 127.828871 -69.82

18 4 4 41.562669 -33.96

18 4 5 115.566175 -80.64

18 4 6 34.549015 39.98

18 4 7 171.871001 62.99

18 4 8 80.094198 -86.02

18 5 0 159.035456 0.00

18 5 1 113.598437 -166.38

18 5 2 62.862356 114.58

18 5 3 111.717657 -94.04

18 5 4 69.579572 18.92

18 5 5 134.773618 -143.68

18 5 6 127.788807 176.82

18 5 7 137.208235 146.06

18 5 8 19.593441 -46.56

18 6 0 18.170067 -180.00

18 6 1 63.303152 -63.84

18 6 2 240.069307 -42.24

18 6 3 86.742800 -132.83

18 6 4 53.835674 44.86

18 6 5 128.252405 -0.47

18 6 6 107.613635 170.66

18 6 7 73.319756 -82.25

18 6 8 101.304403 178.90

18 7 0 56.764156 0.00

18 7 1 98.216689 -14.67

18 7 2 89.541972 96.66

18 7 3 246.924775 111.59

18 7 4 140.871135 4.90

18 7 5 174.521323 -158.37

18 7 6 50.105203 57.04

18 7 7 57.951624 -169.69

18 8 0 9.723759 0.00

18 8 1 117.004155 104.84

18 8 2 245.727173 -33.25

18 8 3 60.647562 61.88

18 8 4 59.302126 130.12

18 8 5 131.923088 96.62

18 8 6 85.396513 -150.83

18 8 7 77.709790 -67.95

18 9 0 134.820822 180.00

18 9 1 55.236230 131.26

18 9 2 161.140864 -117.32

18 9 3 150.490483 48.93

18 9 4 124.263470 -174.32

18 9 5 115.779514 153.51

18 9 6 49.493059 -32.00

18 10 0 88.137707 0.00

18 10 1 66.927017 33.94

18 10 2 139.951401 -153.51

18 10 3 113.090561 16.30

18 10 4 82.604018 79.67

18 10 5 48.536672 41.64

18 11 0 114.357095 180.00

18 11 1 111.072328 7.45

18 11 2 118.641064 178.93

18 11 3 122.437835 -65.76

18 11 4 199.884303 -158.92

18 12 0 92.023830 180.00

18 12 1 38.856150 -136.94

18 12 2 55.994892 55.51

19 0 1 228.869846 -90.00

19 0 2 34.678423 0.00

19 0 3 283.532130 -90.00

19 0 4 328.525889 -0.00

19 0 5 29.573026 -90.00

19 0 6 69.401160 0.00

19 0 7 131.849116 90.00

19 0 8 39.469627 -0.00

19 1 0 66.687565 -90.00

19 1 1 105.384184 36.26

19 1 2 98.859745 -57.79

19 1 3 130.782019 176.89

19 1 4 311.854199 42.04

19 1 5 206.705201 93.62

19 1 6 167.466389 -151.17

19 1 7 115.200083 -125.16

19 1 8 179.212294 127.12

19 2 0 74.918875 90.00

19 2 1 198.562688 -94.39

19 2 2 147.925243 167.10

19 2 3 47.433034 136.27

19 2 4 197.632648 -155.79

19 2 5 166.181734 157.96

19 2 6 100.409089 -92.30

19 2 7 185.041259 -10.62

19 2 8 94.633349 -14.02

19 3 0 106.606433 90.00

19 3 1 139.396151 60.71

19 3 2 144.490694 -69.18

19 3 3 268.199876 -122.36

19 3 4 92.324006 126.70

19 3 5 134.888216 -21.69

19 3 6 163.890867 117.31

19 3 7 72.607523 17.53

19 3 8 132.168950 134.81

19 4 0 28.484258 -90.00

19 4 1 199.189111 -26.18

19 4 2 126.814421 -67.31

19 4 3 34.375903 -12.50

19 4 4 101.475912 -102.00

19 4 5 164.231806 -154.57

19 4 6 211.191419 141.63

19 4 7 139.598451 117.16

19 5 0 98.252306 -90.00

19 5 1 181.825206 39.69

19 5 2 202.322382 33.55

19 5 3 132.388661 -7.31

19 5 4 174.897869 -151.86

19 5 5 89.163305 -14.69

19 5 6 39.178461 -10.98

19 5 7 160.368454 -134.27

19 6 0 86.366412 -90.00

19 6 1 68.443134 -95.04

19 6 2 134.099283 -144.56

19 6 3 93.074103 4.31

19 6 4 78.018354 53.63

19 6 5 209.614893 -85.92

19 6 6 83.050670 -147.96

19 6 7 137.868261 150.00

19 7 0 62.060978 -90.00

19 7 1 28.227634 -122.53

19 7 2 119.576905 -84.28

19 7 3 48.832836 -3.22

19 7 4 32.116170 111.44

19 7 5 17.427430 -21.95

19 7 6 152.084647 -39.29

19 8 0 114.305213 -90.00

19 8 1 114.104177 -43.90

19 8 2 75.955726 21.40

19 8 3 52.305912 13.86

19 8 4 113.140436 159.02

19 8 5 53.062802 -171.52

19 8 6 148.453991 -135.14

19 9 0 283.978901 90.00

19 9 1 65.930157 56.11

19 9 2 79.572588 94.30

19 9 3 128.734124 -178.23

19 9 4 93.634567 91.50

19 9 5 126.283672 -87.10

19 10 0 17.382178 -90.00

19 10 1 136.201806 -166.37

19 10 2 45.761383 -16.36

19 10 3 65.374397 -3.97

19 10 4 224.155915 -66.53

19 11 0 81.531851 90.00

19 11 1 96.748232 -166.07

19 11 2 83.959686 9.33

20 0 0 238.406713 0.00

20 0 1 0.002397 90.00

20 0 2 6.358683 0.00

20 0 3 118.081178 90.00

20 0 4 236.299618 180.00

20 0 5 47.898837 90.00

20 0 6 8.390838 180.00

20 0 7 17.750683 -90.00

20 1 0 228.716669 -0.00

20 1 1 94.302442 -149.79

20 1 2 233.826441 -155.39

20 1 3 117.501037 -16.72

20 1 4 42.205851 179.81

20 1 5 115.059093 -96.91

20 1 6 72.689900 43.98

20 1 7 59.191061 6.22

20 2 0 165.105655 0.00

20 2 1 16.345407 -7.32

20 2 2 123.591795 -179.80

20 2 3 104.866698 -111.47

20 2 4 127.087278 68.42

20 2 5 98.622562 39.88

20 2 6 69.756793 84.59

20 2 7 148.925334 -166.59

20 3 0 83.973938 0.00

20 3 1 43.508238 157.50

20 3 2 113.052359 -55.81

20 3 3 77.162892 -30.98

20 3 4 36.890208 -107.42

20 3 5 142.874316 -150.22

20 3 6 163.169004 -122.81

20 3 7 62.179707 170.32

20 4 0 37.547497 0.00

20 4 1 235.280290 91.05

20 4 2 13.678100 118.94

20 4 3 74.666692 -7.92

20 4 4 27.111119 101.40

20 4 5 38.150682 145.63

20 4 6 192.383856 -23.82

20 5 0 80.818191 0.00

20 5 1 112.383550 178.20

20 5 2 46.473063 0.31

20 5 3 227.447300 4.37

20 5 4 78.906608 -83.62

20 5 5 165.625034 -29.02

20 5 6 68.906305 -123.88

20 6 0 90.044229 -0.00

20 6 1 54.359669 -126.18

20 6 2 170.083601 20.30

20 6 3 45.305559 42.82

20 6 4 216.853124 74.91

20 6 5 97.679035 31.48

20 7 0 201.710479 -0.00

20 7 1 21.924117 11.14

20 7 2 122.895541 -20.12

20 7 3 41.347176 -167.56

20 7 4 112.304200 -104.31

20 7 5 158.161869 -121.12

20 8 0 194.338519 180.00

20 8 1 110.821041 109.21

20 8 2 177.630648 -31.06

20 8 3 20.430447 -98.94

20 8 4 38.129435 -163.72

20 9 0 67.674515 -180.00

20 9 1 134.094190 -148.66

20 9 2 121.561539 -94.59

20 9 3 24.610229 103.84

21 0 1 64.194601 -90.00

21 0 2 92.364419 180.00

21 0 3 67.136383 90.00

21 0 4 318.828632 -0.00

21 0 5 99.297140 90.00

21 0 6 54.449642 180.00

21 1 0 22.678501 90.00

21 1 1 94.135095 -40.68

21 1 2 259.503279 -107.41

21 1 3 142.504099 84.81

21 1 4 90.695618 146.04

21 1 5 245.731629 96.44

21 1 6 30.297837 -105.54

21 2 0 207.703122 90.00

21 2 1 76.196230 38.08

21 2 2 11.452408 75.83

21 2 3 214.544176 -41.69

21 2 4 165.745049 -162.74

21 2 5 13.622989 -68.24

21 3 0 216.994330 90.00

21 3 1 154.481413 175.91

21 3 2 107.570951 -92.18

21 3 3 90.345803 -133.04

21 3 4 140.108403 100.83

21 3 5 150.521770 28.36

21 4 0 58.810337 -90.00

21 4 1 37.085904 -82.73

21 4 2 90.796930 -137.40

21 4 3 109.541091 -158.18

21 4 4 70.247628 -16.49

21 4 5 99.251094 -1.67

21 5 0 56.340819 90.00

21 5 1 132.755848 -108.62

21 5 2 77.334896 -91.89

21 5 3 39.469877 -141.08

21 5 4 112.806563 122.93

21 6 0 56.087313 -90.00

21 6 1 151.102011 -34.00

21 6 2 62.810134 -91.53

21 6 3 123.905662 34.41

21 6 4 40.575520 54.42

21 7 0 63.512743 -90.00

21 7 1 45.071461 -27.81

21 7 2 50.090620 10.13

21 7 3 106.605775 51.44

21 8 0 109.796252 -90.00

21 8 1 137.875455 -31.43

22 0 0 59.812036 180.00

22 0 1 11.889685 -90.00

22 0 2 53.921959 0.00

22 0 3 102.268476 -90.00

22 0 4 121.237703 180.00

22 1 0 35.101883 -0.00

22 1 1 102.967897 152.49

22 1 2 115.824524 134.05

22 1 3 139.720752 -27.72

22 1 4 109.530103 15.30

22 2 0 163.433790 -180.00

22 2 1 97.864824 -64.20

22 2 2 103.650195 -17.84

22 2 3 117.587109 148.79

22 2 4 184.223247 58.65

22 3 0 62.236511 -180.00

22 3 1 97.226110 -108.07

22 3 2 55.043203 22.62

22 3 3 64.923081 53.15

22 4 0 131.969529 -0.00

22 4 1 85.668079 0.52

22 4 2 43.384862 -31.03

22 4 3 102.542369 31.97

22 5 0 118.486302 180.00

22 5 1 96.437641 117.29

22 5 2 131.572607 142.28