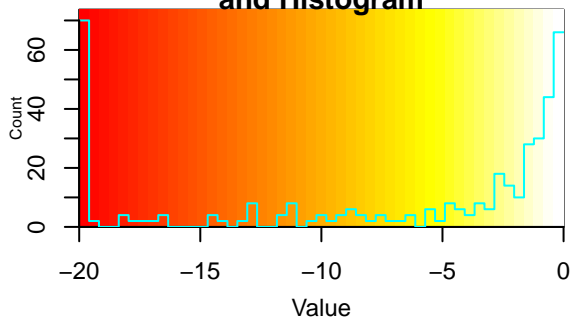


Color Key
and Histogram



1e-145	0.8	0.4	0.003	1	0.1	0.002	0.05	2e-08	0.5	0.2	0.006	0.1	0.2	0.08	0.1	0.03	0.4	8e-05	0.01	Diagnosis
0.8	0	3e-97	0.09	1	0.8	1	1	1	0.5	1e-22	0.04	0.02	0.001	0.003	0.6	1e-131	1e-131	1e-046	6e-04	Region
0.4	3e-97	0	3e-123	0.001	2e-078	8e-092	2e-15	0.5	4e-24	3e-267	7e-135	5e-074	4e-093	3e-221	1e-132	2e-412	2e-396	6e-112	1e-12	Batch
0.003	0.093	3e-123	0	8e-105	5e-101	1e-274	4e-30	0.3	0.006	3e-08	0.3	0.2	0.4	2e-12	0.04	3e-067	5e-06	0.0027	7e-04	BrainBank
1	1	0.001	8e-102	2e-144	0.1	0.4	3e-156	6e-08	0.1	0.4	0.7	1	0.5	3e-05	0.3	0.4	0.7	0.02	0.04	Sex
0.1	0.8	2e-075	1e-10	0.1	0	1e-094	4e-12	0.2	0.002	0.07	0.5	0.8	0.9	0.3	0.05	0.1	2e-05	0.006	0.4	Age
0.002	1	8e-091	1e-27	0.4	1e-09	0	3e-04	0.4	0.1	0.1	0.05	0.2	0.4	0.3	0.03	0.5	0.01	0.9	0.3	PMI
0.05	1	2e-154	3e-303	3e-154	4e-123	3e-04	0	0.05	0.007	0.007	0.05	0.5	0.2	0.02	0.1	0.005	0.1	2e-063	3e-04	Ancestry
2e-08	1	0.5	0.3	6e-08	0.2	0.4	0.05	0	2e-05	0.8	3e-32	0.06	0.3	3e-067	7e-121	1e-04	0.3	1e-185	5e-20	RIN
0.5	0.5	4e-24	0.006	0.1	0.002	0.1	0.007	2e-05	0	2e-101	1e-763	3e-34	0.002	0.3	5e-134	0.5	0.2	5e-113	3e-89	picard_gcbias.A
0.2	1e-223	3e-263	7e-08	0.4	0.07	0.1	0.007	0.8	2e-10	0	0.2	9e-12	0.8	0.4	0.0035	5e-073	3e-09	0.008	0.002	star.deletion_len
0.006	0.04	1e-13	0.3	0.7	0.5	0.05	0.05	3e-321	1e-76	0.2	0	8e-14	0.02	2e-05	5e-145	5e-099	9e-191	1e-907	1e-16	picard_rnaseq.P
0.1	0.02	5e-07	0.2	1	0.8	0.2	0.5	0.06	3e-349	9e-128	1e-14	0	4e-10	0.3	2e-172	2e-05	0.01	3e-181	1e-14	picard_insert.ME
0.2	0.001	4e-09	0.4	0.5	0.9	0.4	0.2	0.3	0.002	0.8	0.02	4e-10	0	2e-177	7e-12	0.1	6e-19	0.8	0.8	picard_alignmen
0.08	0.003	3e-222	2e-123	3e-05	0.3	0.3	0.02	3e-06	0.3	0.4	2e-09	0.3	2e-17	0	2e-054	4e-042	2e-045	5e-354	4e-59	picard_alignmen
0.1	0.6	1e-13	0.04	0.3	0.05	0.03	0.1	7e-125	5e-134	0.0035	5e-140	2e-177	7e-122	2e-05	0	0.08	0.5	3e-17	1e-104	star.multimappe
0.03	1e-132	2e-413	3e-06	0.4	0.1	0.5	0.005	1e-04	0.5	5e-075	5e-092	2e-05	0.1	4e-04	0.08	0	2e-231	1e-266	6e-05	picard_rnaseq.M
0.4	1e-132	2e-397	7e-06	0.7	2e-05	0.01	0.1	0.3	0.2	3e-099	9e-19	0.01	6e-192	2e-04	0.5	2e-23	0	6e-46	0.04	star.unmapped_
8e-051	1e-046	6e-110	0.002	0.02	0.006	0.9	2e-061	1e-185	5e-110	0.008	1e-903	3e-18	0.8	5e-353	3e-171	1e-266	6e-46	0	1e-62	picard_rnaseq.P
0.01	6e-042	2e-127	7e-04	0.04	0.4	0.3	3e-045	5e-203	3e-89	0.0027	7e-160	1e-14	0.8	4e-59	1e-104	6e-05	0.04	1e-62	0	star.uniquely_ma
Diagnosis	Region	Batch	BrainBank	Sex	Age	PMI	Ancestry	RIN	AT_DROPOUT	r.deletion_length	GENIC_BASES	L_INSERT_SIZE	CT_CHIMERAS	ADS_ALIGNED	napped_percent	_5PRIME_BIAS	d_other_percent	SABLE_BASES	napped_percent	