

KONRAD GRÜTZMANN

Dr. rer. nat. Bioinformatik & leidenschaftlicher Datenanalyst

@ konradgru@gmail.com

in konrad-grützmann-3479bb307

0176 610 36 36 0

konradgrutz

Konkordienstraße 47, 01127, Dresden



ERFAHRUNG

Forschungsmitarbeiter

TU Dresden, Institut für Medizininformatik und Biometrie

Aug 2020 – fortlaufend

- Analyse von Bulk- und Einzelzell-Sequenzdaten von Melanom-metastasen
- Beitrag zu Publikationen in Fachzeitschriften
- Statistische Beratung für Forschung am medizinischen Campus Dresden
- Lehre von Biostatistik und Epidemiologie für Medizinstudenten

Forschungsmitarbeiter

Nationales Centrum für Tumorerkrankungen Dresden, Core Unit für Molekulare Tumordiagnostik

Apr 2016 – Jul 2020

- Maßgeblicher Beitrag zu Aufbau und Sichtbarkeit der Core Unit
- Etablierung von Analyse-Pipelines für RNA- und DNA-Sequenzierung
- Bioinformatische Analysen und Beratung
- Beitrag zu hochrangigen Forschungsarbeiten in der Krebsmedizin

Forschungsmitarbeiter

Helmholtz-Zentrum für Umweltforschung Leipzig, Umweltimmunologie

Jan 2014 – Mär 2016

- Bioinformatische Analysen von Transkriptom-, epigenetischen und genetischen Daten
- Beitrag zu Forschungsarbeiten in der Umweltimmunologie
- (Ko-)autorschaften in wissenschaftlichen Artikeln

Doktorand

Friedrich-Schiller Universität Jena, Lehrstuhl für Bioinformatik

Mai 2008 – Dez 2013

- Bioinformatische Forschung: alternatives Spleißen, Kombinatorik biochemischer Strukturen
- Veröffentlichung mehrerer Forschungsarbeiten
- Hochschullehre: Bioinformatik, systembiologische Netzwerke, alternatives Spleißen

KENNTNISSE

Bioinformatik Programme

Deep Learning

Linux, Bash

R, Python, Perl

Git, Conda, Docker

WEITERBILDUNG

Deep Learning Spezialisierung

Prof. Andrew Ng, Coursera

Aug 2024 – Feb 2025

Zertifikat auf LinkedIn

Scanpy & Squidpy für Einzelzellanalyse

Online-Tutorials, Theorie & Praxis

Jan 2025 – März 2025

AUSBILDUNG

Dr. rer. nat. für Bioinformatik

Friedrich-Schiller-Universität Jena, Lehrstuhl für Bioinformatik

Mai 2008 – Dez 2013

Diplom Bioinformatik

Friedrich-Schiller-Universität Jena

Okt 2001 – Apr 2008

Studium der Informatik und Biologie

Universität Granada, Spanien

Okt 2004 – Jun 2005

SPRACHEN

Deutsch

Englisch

Spanisch



PUBLIKATIONEN 2023 & 2024

Vollständige Liste auf > Google Scholar <

Artikel in Fachjournalen

- K. Grützmann and M. Seifert, "Single-cell transcriptome analysis suggests cells of the tumor microenvironment as a major discriminator between brain and extracranial melanoma metastases," *Biology Direct*, vol. 20, no. 1, p. 97, 2025.
- L. Frenzke et al., "Genotyping-by-sequencing-based high-resolution mapping reveals a single candidate gene for the grapevine veraison locus Ver1," *Plant Physiology*, vol. 196, no. 1, pp. 244–260, 2024.
- K. Grützmann, T. Kraft, M. Meinhardt, F. Meier, D. Westphal, and M. Seifert, "Network-based analysis of heterogeneous patient-matched brain and extracranial melanoma metastasis pairs reveals three homogeneous subgroups," *Computational and Structural Biotechnology Journal*, vol. 23, pp. 1036–1050, 2024.
- K. Grützmann et al., "Identification of novel snoRNA-based biomarkers for clear cell renal cell carcinoma from urine-derived extracellular vesicles," *Biology Direct*, vol. 19, no. 1, p. 38, 2024.
- J. Guyon et al., "Specific expression of lactate dehydrogenases in glioblastoma controls intercellular lactate transfer to promote tumor growth and invasion," *Research Square, Preprint*, 2024.
- T. Kraft, K. Grützmann, M. Meinhardt, F. Meier, D. Westphal, and M. Seifert, "Personalized identification and characterization of genome-wide gene expression differences between patient-matched intracranial and extracranial melanoma metastasis pairs," *Acta Neuropathologica Communications*, vol. 12, no. 1, p. 67, 2024.
- Z. Xue et al., "The dopamine receptor D1 inhibitor, SKF83566, suppresses GBM stemness and invasion through the DRD1-c-Myc-UHRF1 interactions," *Journal of Experimental & Clinical Cancer Research*, vol. 43, no. 1, p. 25, 2024.
- Y. Han et al., "Plasma extracellular vesicle messenger RNA profiling identifies prognostic EV signature for non-invasive risk stratification for survival prediction of patients with pancreatic ductal adenocarcinoma," *Journal of Hematology & Oncology*, vol. 16, no. 1, p. 7, 2023.
- T. Kraft, K. Grützmann, M. Meinhardt, F. Meier, D. Westphal, and M. Seifert, "Patient-specific identification of genome-wide DNA-methylation differences between intracranial and extracranial melanoma metastases," *Scientific Reports*, vol. 13, no. 1, p. 444, 2023.
- C. Tretter et al., "Proteogenomic analysis reveals RNA as a source for tumor-agnostic neoantigen identification," *Nature Communications*, vol. 14, no. 1, p. 4632, 2023.
- D. Westphal et al., "Identification of epigenetically regulated genes distinguishing intracranial from extracranial melanoma metastases," *Journal of Investigative Dermatology*, vol. 143, no. 7, pp. 1233–1245, 2023.

REFERENZENZEN

PD Dr. rer. nat. habil. Michael Seifert

@ Medizinische Bioinformatik, Institut für Medizininformatik und Biometrie, TU Dresden

✉ michael.seifert@tu-dresden.de

Blasewitzer Str. 86, 01307 Dresden
+49 351 458 6056

Prof. Dr. med. Daniela Aust, MBA

@ Institut für Pathologie, Universitätsklinikum Carl Gustav Carus, Dresden

✉ daniela.aust@uniklinikum-dresden.de

Fetscherstraße 74, 01307 Dresden
+49 351 458 3004 / 4358

Prof. Dr. Stefan Schuster

@ Professur für Bioinformatik, Friedrich-Schiller Universität Jena

✉ stefan.schuster@uni-jena.de

Ernst-Abbe-Platz 2, 07743 Jena
+49 3641 946450