

Species mostly contained by the species		Contaminant species taxonomy
Number of samples	Percentage of samples	
183	38.53	Bacteria:Firmicutes,Clostridia:Peptostreptococcales:Peptostreptococaceae:Clostridiodes:Clostridioides difficile
59	12.42	Bacteria:Firmicutes,Bacilli:Lactobacillales,Lactobacillaceae:Weissella:Weissella viridescens
41	8.63	Bacteria:Bacteroidota,Bacteroidia,Cytophagales,Microsielaceae:Hasallia:metagenome
25	5.26	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Animalia:BCP clade:Bilateria:Deuterostomia:Chordata:Vertebrata:Gnathostomata:Euteleostomi:Tetrapoda:Mammalia:Homo sapiens
14	2.95	Bacteria:Cyanobacteria:Cyanobacteria:Chloroplast:seawater:metagenome
14	2.95	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Animalia:BCP clade:Bilateria:Protostomia:Ecdysozoa:Arthropoda:Chelicerata:Arachnida:Acari:Lasioeythraeus sp. QSAL 000751
8	1.68	Bacteria:Bacteroidota:Bacteroidia:Cytophagales,Microsielaceae:Dhaejaanella:metagenome
6	1.26	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Animalia:BCP clade:Bilateria:Deuterostomia:Chordata:Vertebrata:Gnathostomata:Euteleostomi:Actinopterygii:Neogingly:Teleostei:Salmo salar
5	1.05	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Animalia:BCP clade:Bilateria:Protostomia:Ecdysozoa:Arthropoda:Crustacea:Malacostraca:Eumalacostraca:Peracarida:Proasellus parvulus
4	0.84	Eukaryota:Archaeplastida:Chloroplastida:Charophyta:Phragmoplastophyta:Streptophyta:Embryophyta:Tracheophyta:Spermatophyta:Magnoliophyta:Abies:Vigna,Vigna angularis var. angularis
4	0.84	Bacteria:Proteobacteria:Gamma:proteobacteria:Xanthomonadales:Xanthomonadaceae:Stenotrophomonas:Pseudomonas geniculata
4	0.84	Bacteria:Proteobacteria:Alphaproteobacteria:Rickettsiales,Mitochondria,Nicotiana tabacum
4	0.84	Bacteria:Cyanobacteria:Cyanobacteria:Chloroplast:Caulepila verticillata
3	0.63	Eukaryota:SAR,Rhizaria:Retaria:Polycystinea:Colodaria,Thalassiosira,Thalassiosira nucleata
3	0.63	Eukaryota:Archaeplastida:Chloroplastida:Charophyta:Phragmoplastophyta:Betula pendula
3	0.63	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Animalia:BCP clade:Bilateria:Protostomia:Ecdysozoa:Arthropoda:Hexapoda:Insecta:Plengota:Neoptera:Coleoptera:Dmex californicus
3	0.63	Bacteria:Proteobacteria:Gamma:proteobacteria:Enterobacterales:Pasteurellaceae:Haemophilus:uncultured bacterium
3	0.63	Bacteria:Bacteroidota,Bacteroidia,Bacteroides,Rikenellaceae:Rikenellaceae RC9 gut group:Bacteroidia bacterium feline oral taxon 115
2	0.42	Eukaryota:SAR,Rhizaria:Retaria:Polycystinea:Colodaria:Collophora:Collophora tuberosa
2	0.42	Eukaryota:SAR,Alveolata,Ciliophora:intramacronucleate:Axellus aquaticus
2	0.42	Eukaryota:Archaeplastida:Chloroplastida:Charophyta:Phragmoplastophyta:Streptophyta:Embryophyta:Tracheophyta:Spermatophyta:Magnoliophyta:Brassicales:Brassica:Brassica juncea var. tumida
2	0.42	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Nucleoteyna:Fung:Diaryae:Ascomycota:Saccharomycotina:Saccharomycetes,Saccharomycetales:synthetic construct
2	0.42	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Nucleoteyna:Fung:Diaryae:Ascomycota:Saccharomycotina:Saccharomycetes,Saccharomycetales:Incertae Sedis:Kuraishia:Kuraishia borneana
2	0.42	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Nucleoteyna:Fung:Diaryae:Ascomycota:Pyrenomycotina:Sordariomycetes:metagenome
2	0.42	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Animalia:BCP clade:Bilateria:Protostomia:Lophotrochozoa:Annelida:Polychaeta:Palpata:Phyllocladia:Psione hartmanni:chroodaeae
2	0.42	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Animalia:BCP clade:Bilateria:Protostomia:Ecdysozoa:Arthropoda:Chelicerata:Arachnida:Araneae:Leucage bicus
2	0.42	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Animalia:BCP clade:Bilateria:Deuterostomia:Chordata:Vertebrata:Gnathostomata:Euteleostomi:Clupea jacksonis
2	0.42	Bacteria:Patescibacteria:Microgenomatia:Candidatus Levybacteria:Candidatus Levybacteria bacterium GW2011_GW09_40_19
2	0.42	Bacteria:Bacteroidota,Bacteroidia:Flavobacteriales,Flavobacteriaceae bacterium T1D6C1
1	0.21	Eukaryota:SAR,Stramenopiles,Odontophyta,Diatomeae,Bacillariophylla:Bacillariophyllaceae:Placones:Placones hambergii
1	0.21	Eukaryota:SAR,Rhizaria:Retaria:Polycystinea:Colodaria,Thalassiosira,Thalassiosira pellicula
1	0.21	Eukaryota:SAR,Alveolata,Dinoflagellata:Dinophyceae:Peridiniophyceae:Goniulacales:Goniulaculuncultured dinoflagellate
1	0.21	Eukaryota:SAR,Alveolata:Dinoflagellata:Dinophyceae:Gymnodiniophyceae:Amphidinium:uncultured eukaryote
1	0.21	Eukaryota:Archaeplastida:Chloroplastida:Charophyta:Phragmoplastophyta:Pinus taeda
1	0.21	Eukaryota:Archaeplastida:Chloroplastida:Charophyta:Phragmoplastophyta:Picea abies
1	0.21	Eukaryota:Archaeplastida:Chloroplastida:Charophyta:Phragmoplastophyta:Nicotiana sylvestris
1	0.21	Eukaryota:Archaeplastida:Chloroplastida:Charophyta:Phragmoplastophyta:Brassica napus
1	0.21	Eukaryota:Archaeplastida:Chloroplastida:Charophyta:Phragmoplastophyta:Aloia aloia
1	0.21	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Nucleoteyna:Fung:Diaryae:Bassidiomycota:Agaricomycotina,Tremellomycetes,Flabidiaceae,Flabidiaceae:Heterocarpalacia:uncultured Tremellaceae
1	0.21	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Perfora:Demospongiae:Psocodiscaria,Crambe crambe
1	0.21	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Animalia:BCP clade:Bilateria:Protostomia:Lophotrochozoa:Platyhelminthes,Rhabditophora,Seriatia,Tritididia,Maricoda,Ectoplasia limuli
1	0.21	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Animalia:BCP clade:Bilateria:Protostomia:Lophotrochozoa:Platyhelminthes,Cestoda,Eucestoda,Cyclophyllidae,Railletia mitchelli
1	0.21	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Animalia:BCP clade:Bilateria:Protostomia:Lophotrochozoa:Platyhelminthes,Cestoda,Eucestoda,Cyclophyllidae,Hymenolepis nana
1	0.21	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Animalia:BCP clade:Bilateria:Protostomia:Lophotrochozoa:Mollusca,Gastropoda,Diaulula sandiegensis
1	0.21	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Animalia:BCP clade:Bilateria:Protostomia:Ecdysozoa:Nematoda:Nematoda,Ecnopla,Dorylaima,Trichochepalidia,Trichineia murelli
1	0.21	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Animalia:BCP clade:Bilateria:Protostomia:Ecdysozoa:Nematoda:Nematoda,Ecnopla,Dorylaima,Trichineia pseudopiralis
1	0.21	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Animalia:BCP clade:Bilateria:Protostomia:Ecdysozoa:Arthropoda:Chelicerata:Arachnida:Opiliones,Cimes hemipterus
1	0.21	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Animalia:BCP clade:Bilateria:Deuterostomia:Chordata:Vertebrata:Gnathostomata:Euteleostomi:Latex calcarifer
1	0.21	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Animalia:BCP clade:Bilateria:Deuterostomia:Chordata:Vertebrata:Gnathostomata:Euteleostomi:Homio sapiens
1	0.21	Eukaryota:Amorphaei:Obazoa:Opisthokonta:Holozoa:Choanozoa:Metazoa:Animalia:BCP clade:Bilateria:Deuterostomia:Chordata:Vertebrata:Gnathostomata:Euteleostomi:Gorilla gorilla gorilla
1	0.21	Bacteria:Verrucomicrobiota,Verrucomicrobiales:Opitutales,Puniciceobacteriaceae:marine metagenome
1	0.21	Bacteria:Sprochoetota:Sprochoetiales:Sprochoetaceae:Trepomonas,Dictridiales bacterium Firm_16
1	0.21	Bacteria:Proteobacteria:Gamma:proteobacteria:Pseudomonadales:Spongibacteriaceae:uncultured gamma proteobacterium HF400_3610
1	0.21	Bacteria:Proteobacteria:Gamma:proteobacteria:Pseudomonadales:Pseudomonadaceae:Pseudomonas:uncultured bacterium
1	0.21	Bacteria:Proteobacteria:Gamma:proteobacteria:Pseudomonadales:Pseudomonadaceae:Pseudomonas:metagenome
1	0.21	Bacteria:Proteobacteria:Gamma:proteobacteria:Pseudomonadales:Pseudomonadaceae:Pseudomonas:Pseudomonas linyingensis
1	0.21	Bacteria:Proteobacteria:Gamma:proteobacteria:Pseudomonadales:Moraxellaceae:Moraxella:Moraxella catarrhalis
1	0.21	Bacteria:Proteobacteria:Gamma:proteobacteria:Pseudomonadales:Moraxellaceae:Acinetobacter:Acinetobacter sp. AR-2
1	0.21	Bacteria:Proteobacteria:Gamma:proteobacteria:Enterobacterales:Morganellaceae:Endosymbionts:gamma proteobacterium symbiont of Odoporus longicollis
1	0.21	Bacteria:Proteobacteria:Gamma:proteobacteria:Enterobacterales:Enterobacteriaceae:Escherichia-Shigella:Escherichia coli
1	0.21	Bacteria:Proteobacteria:Gamma:proteobacteria:Enterobacterales:Enterobacteriaceae:Enterobacter:Klebsiella sp.
1	0.21	Bacteria:Proteobacteria:Gamma:proteobacteria:Conifiales:Caifilaceae:Caifilaceae:uncultured bacterium
1	0.21	Bacteria:Proteobacteria:Gamma:proteobacteria:Burkholderiales:Burkholderiaceae:Ralstonia:Ralstonia solanaceum
1	0.21	Bacteria:Proteobacteria:Alphaproteobacteria:Sphingomonadales:Sphingomonadaceae:Sphingomonas:Sphingomonas korensis
1	0.21	Bacteria:Proteobacteria:Alphaproteobacteria:Rickettsiales,Mitochondria,museum specimen metagenome
1	0.21	Bacteria:Proteobacteria:Alphaproteobacteria:Rickettsiales,Mitochondria,Cryptomonas curvata
1	0.21	Bacteria:Proteobacteria:Alphaproteobacteria:Rhizobiales:Devosiaceae:Devosia:uncultured Alphaproteobacteria bacterium
1	0.21	Bacteria:Proteobacteria:Alphaproteobacteria:Rhizobiales:DS-2:metagenome
1	0.21	Bacteria:Patescibacteria:Microgenomatia:Candidatus Gottesmanbacteria:uncultured bacterium
1	0.21	Bacteria:Firmicutes,Clostridia:Peptostreptococcales:Tissierellales:Peptostreptococaceae:Clostridioides,Clostridioides difficile
1	0.21	Bacteria:Firmicutes,Bacilli:Streptococcales:Streptococcaceae:Streptococcus:Streptococcus nemus
1	0.21	Bacteria:Firmicutes,Bacilli:Mycobacteriales:Mycobacteriaceae:Mycobacterium:uncultured sediment bacterium
1	0.21	Bacteria:Firmicutes,Bacilli:Lactobacillales:Lactobacillaceae:Limosilactobacillus:Lactobacillus fermentum
1	0.21	Bacteria:Elusimicrobiota:Endomicrobia:Endomicrobiales:Endomicrobiaceae:Candidatus Endomicrobium:uncultured bacterium
1	0.21	Bacteria:Chloroflexi:Anaerolineae:Anaerolineales:Thermonaerilineae:uncultured bacterium
1	0.21	Bacteria:Actinobacteria:Actinobacteria:Micrococcales:Micrococaceae:Rothia:Rothia mucilaginosa ATCC 25296
1	0.21	Bacteria:Actinobacteria:Actinobacteria:Frankiales:Spicrithyaceae:hgcI clade:uncultured actinobacterium
1	0.21	Bacteria:Actinobacteria:Actinobacteria:Acidimicrobia:Actinomiriales:uncultured bacterium
1	0.21	Bacteria:Acidobacteriota:Thermoanaerobaculi:Thermoanaerobaculales:Thermoanaerobaculaceae:Subgroup 10:uncultured bacterium
1	0.21	Archaea:Halobacteriota:Halobacteriales:Halobacteriaceae:Halobacterium:Halobacterium salinarum
1	0.21	Archaea:Asgardarchaeota:Ollochaeia:uncultured crenarchaeote