Zajęcia VI

Cele:

• omówić alokację pamięci

Problem

Załóżmy, że nie mamy std::string . Jak wczytać string od użytkownika?

Można tak:

```
#include <iostream>
int main() {
   char array[10];

   std::cin >> array;
   std::cout << array << std::endl;

   return 0;
}</pre>
```

Ale co jeśli użytkownik wpisze 11 znaków? To zróbmy: char array[20];

Ale co jeśli użytkownik wpisze 25 znaków?

Rozwiązanie 💡 🎯 🗸 🧩









Dynamiczna alokacja pamięci

```
char * array = new char[10];
int * number_array = new int[10];

struct dna {
   int a,t,c,g;
};

int count = 10;
dna * dnas = new dna[count];
```

Katastrofa X

```
#include <iostream>
int main() {
    while(1) {
        char * memory = new char[1024];
    }
    return 0;
}
```

Katastrofa zażegnana 🗸



```
#include <iostream>
int main() {
    while(1) {
        char * memory = new char[1024];
        delete[] memory;
    return 0;
```

Zadanie Lab I

Napisz własną implementację std::string

```
int main()
  int size = 10;
  char *array = new char[size];
  int length = 0;
  char ch;
  while (std::cin.get(ch) && ch != '\n')
    if (length >= size - 1)
      size = size * 2;
      char *new_array = new char[size];
      for (int i = 0; i < length; ++i)
        new_array[i] = array[i];
      delete[] array;
      array = new_array;
    array[length++] = static_cast<char>(ch);
  array[length] = '\0';
  std::cout << "Input: " << array << std::endl;</pre>
  std::cout << "Length: " << length << std::endl;</pre>
  std::cout << "Size: " << size << std::endl;</pre>
  delete[] array;
  return 0;
```

Referencja - rozszerzenie wskaźników

```
void process_string( std::string dna ) {
  char third_element = dna[2];
}
```

```
void process_string( std::string * dna ) {
  char third_element = (*dna)[2];
}
```

```
void process_string( std::string & dna ) {
  char third_element = dna[2];
}
```

Zadanie Lab II

Napisać program, który sprawdzi działanie referencji vs kopiowania vs wskaźnika

```
#include <iostream>
// potem przez referencję
void process(std::string dna)
  std::cout << dna.length() << std::endl;</pre>
  while (1)
int main()
  std::string dna;
  for (int i = 0; i < 100000000; i++)
    dna += "A";
  process(dna);
  return 0;
```

Zadanie I

Napisz program, który:

- wczyta z pliku ciągi dna, gdzie pierwszy wiersz będzie liczbą oznaczającą ilość ciągów w pliku, a przed każdym ciągiem będzie również linia z jego długością.
- wypisze na wyjście informację dla każdego ciągu:
 - NO jeśli ciąg nie jest palindromem
 - YES jeśli ciąg jest palindromem
 - INVALID jeśli ciąg zawiera niepoprawne znaki

- do badania 'palindomowości' ciągu stwórz osobną funkcję, która skorzysta ze wskaźników aby określić, czy string wejściowy jest palindomem. Skorzystaj z std::string i referencji.
- musi zaalokować dynamicznie dokładnie tyle miejsca, ile wskazują na to wartości w pliku. Może się zdarzyć, że ciąg testowy będzie miał długość 10, a może 10 tysięcy, a może n milionów.
- pamiętaj obsłużyć duże i małe literki
- pamiętaj 'posprzątać' po sobie zaalokowaną pamięć

Przykład:

Wejście w pliku:

```
6
5
ATTCG
4
ttCt
4
TTAT
9
ilovecpp!
ttCGACT
5
ATTTA
```

Wyjście:

```
NO
NO
NO
INVALID
NO
YES
```