

1. Pleissner, K.-P., Kröber, R.:

Die Anwendung des Kleinrechnersystems KRS4200 für die on-line Erfassung und Verarbeitung von Messdaten der Röntgen-Kleinwinkelstreuung (RKWS).  
Exp. Technik der Physik 24,79-86(1976)

2. Pleissner, K.-P., Lucius, H., Smettan, G.:

Erfassung und Verarbeitung von Messdaten einer stopped-flow und Temperatur-Sprung-Apparatur mit dem Kleinrechnersystem KRS4200.  
Zeitschrift für physikalische Chemie 259,1-9(1978)

3. Pleissner, K.-P., Haenel, S., Trepte, P.:

Verbesserung elektronenmikroskopischer Bilder mit einem digitalen Bildverarbeitungsverfahren.  
Exp. Technik der Physik 26,303-307(1978)

4. Lutsch, G., Pleissner, K.-P., Wangermann, G., Noll, F.:

Application of a digital image processing method to the enhancement of electron micrographs of small ribosomal subunits.  
Acta biol. med. germ. 36, K59-K62(1977)

5. Pleissner, K.-P., Lutsch, G., Haenel, S., Trepte, P.:

Bildverbesserung mittels Bildakkumulation.  
BILD UND TON 31,311-313(1978)

6. Pleissner, K.-P., Lutsch, G., Wangermann, G.:

Processing of electron micrographs of ribosomal subunits by computer.  
studia biophysica 79,117-118(1980)

7. Pleissner, K.-P., Wessel, R.:

Elementare Bildpunktoperationen und Bildwiedergabe mit dem System BAG1-KRS4200.  
BILD UND TON 34,57-59(1981)

8. Wessel, R., Müller, E.-Ch., Lucius, H., Pleissner, K.-P., Kröber, R.:

Application of a microcomputer in wide angle X-ray scattering.

Computer Physics Communications 26,209-211(1982)

9. Müller, E.-Ch., Wessel, R., Lucius, H., Pleissner, K.-P.:

Mikrorechnersteuerung eines Röntgen-Diffraktometers für die Untersuchung von Proben in Transmission.

Exp. Technik der Physik 32,37-48(1984)

10. Pleissner, K.-P.:

Rechnergestützte Messwerterfassung und Verarbeitung- ein Beitrag zur Automatisierung von Messanlagen der molekularbiologischen Forschung  
Dissertation A, Nov.1978

11. Krone, J., Pleissner, K.-P., Spielberg, A.J.:

Ein multiplikatives Optimalfilter zur Bildverbesserung.

BILD UND TON 37,83-86(1984)

12. Lucius, H., Pleissner, K.-P.:

Zur statistischen Analyse multivariater Merkmalsverteilungen in der Zytologie.

BILD UND TON 37,372-374(1984)

13. Rudolph, M., Pleissner, K.-P.:

Application of computer-assisted image analysis for studying viral structures.

Biology of Cell (France) 55,139-142(1985)

14. Rudolph, M., Pleissner, K.-P., Lucius, H.:

Möglichkeiten und Grenzen des Einsatzes digitaler

Bildverbesserungsverfahren bei morphologischen Virusuntersuchungen

Tagungsberichte der Akademie der Landwirtschaftswissenschaften

der DDR 234,121-126(1985)

15. Pleissner, K.-P., Wessel, R., Knespel, A., Meissner, F., Behlke, J.:

Rechnergestützte Auswertung von Messkurven der analytischen Ultrazentrifuge zur Bestimmung von Sedimentationskoeffizienten, deren Verteilungen und Molmassen

Exp. Technik der Physik 34,139-145(1986)

16. Seifert, G., Pleissner, K.-P., Lucius, H., Anders, W., Beuthan, J.:

Einsatz der digitalen Bildspeicherung beim CCD-Röntgenfernsehen  
Feingertechnik 37, 118-122(1988)

17. Pleissner, K.-P.:

Image processing of two-dimensional gels.

Mathematical Research , vol. 55, Akademie-Verlag, 1989

Proc. 3rd Intern. Conference CAIP '89, p.229-236

18. Behlke, J., Knespel, A., Glaser, R.W., Pleissner, K.-P.:

Analysis of intra- and intermolecular interactions in some oxidases using analytical ultracentrifuge

Progress in Colloid & Polymer Science 86, 30-35(1991)

19. M. Knecht, V. Regitz-Zagrosek, K.-P. Pleissner, S. Emig, P. Jungblut, A. Hildebrandt, E. Fleck:

Dilated Cardiomyopathy: Computer-Assisted Analysis of Endomyocardial Biopsy Protein Patterns

Eur. J. Clin. Chem. Clin. Biochem. 1994, 32, 615-624

20. Jungblut, P., Otto, A., Zeindl-Eberhart, E., Pleissner, K.-P., Knecht, M., Regitz-Zagrosek, V., Fleck, E., Wittmann-Liebold, B.:

Protein composition of the human heart: The construction of a myocardial two-dimensional electrophoresis database

Electrophoresis 1994, 15, 685-707.

21. M. Knecht, V. Regitz-Zagrosek, K.-P. Pleissner, P. Jungblut, A. Hildebrandt, E. Fleck:

Characterization of myocardial protein composition in dilated cardiomyopathy by two-dimensional gel electrophoresis

European Heart Journal 1994, 15 (supplement D), 37-44

22. K.-P. Pleissner, V. Regitz-Zagrosek, C. Weise, M. Neumann, B. Krüdemagen, P. Söding, K. Buchner, F. Hucho, A. Hildebrandt, E. Fleck:

Chamber-specific expression of human myocardial proteins detected by two-dimensional gel electrophoresis

Electrophoresis 1995, 16, 841-850

23. K.-P. Pleissner, S. Sander, H. Oswald, V. Regitz-Zagrosek, E. Fleck:

The construction of the World Wide Web-accessible myocardial two-dimensional gel electrophoresis protein database "HEART-2DPAGE": A practical approach

Electrophoresis 1996, 17, 1386-1392

24. K.-P. Pleissner, S. Sander, H. Oswald, V. Regitz-Zagrosek, E. Fleck:

Towards design and comparison of World Wide Web-accessible myocardial two-dimensional gel electrophoresis protein databases

Electrophoresis 1997, 18, 480-483

25. K.-P. Pleissner, P. Soeding, S. Sander, H. Oswald, M. Neuss, V. Regitz-Zagrosek, E. Fleck:

Dilated cardiomyopathy-associated proteins and their presentation in a World Wide Web-accessible two-dimensional gel protein database

Electrophoresis 1997, 18, 802-808

26. K.-P. Pleissner, L. Wernisch, H. Oswald, E. Fleck: Representation of amino acid sequences as two-dimensional point patterns

Electrophoresis 1997, 18, 2709-2713

27. K.-P. Pleissner, A. Sahlstroem, S. Wegner, H. Oswald, E. Fleck: Protein spot detection in WWW-accessible 2-D gel images using the watershed transformation,

Proceedings Electrophoresis Forum '97, Strassbourg Nov. 1997

28. H. Alt, F. Hoffmann, K. Kriegel, C. Wenk, K.-P. Pleissner: CAROL- New Algorithmic Tools for Comparing 2-D Electrophoresis Gel Images,

Proceedings Electrophoresis Forum '97, Strassbourg Nov.1997

29. Wegner, S., Sahlstroem, A., Pleissner, K.-P., Oswald, H., Fleck, E.: Eine hierarchische Wasserscheidentransformation für die Spotdetektion in 2D Gelelektrophorese-Bildern. Bildverarbeitung in der Medizin 1998

Algorithmen-Systeme-Anwendungen, Springer Verlag,

Informatik aktuell, Aachen, März 1998, pp.134-138.

30. Pleissner, K.-P., Regitz-Zagrosek, V., Krüdemagen, B., Trenkner, J., Hoher, B., Fleck, E.: Effects of renovascular hypertension on myocardial protein patterns - Analysis by computer assisted 2-dimensional gel electrophoresis

Electrophoresis, 1998, 19, 2043-2050.

31. Pleissner, K.-P., Hoffmann, F., Kriegel, K., Wenk, C., Wegner, S., Sahlström, A., Oswald, H., Alt, H., Fleck, E.:

New algorithmic approaches to protein spot detection and pattern matching in two-dimensional electrophoresis gel databases

Electrophoresis, 1999, 20, 755-765

32. Li, X., Pleissner, K.-P., Regitz-Zagrosek, V., Salnikow, J., Jungblut, P.: A two-dimensional electrophoresis database of rat heart proteins

Electrophoresis, 1999, 20, 891-897.

33. Klaus-Peter Pleissner, Helmut Oswald and Susan Wegner.: Image analysis of 2-dimensional gels, in:

Proteomics - from protein sequence to function,

eds. by S.R. Pennington, M.J. Dunn,

BIOS Scientific Publishers Ltd, 2001

34. W. Michalek, W. Weschke, K.-P. Pleissner, A. Graner: EST analysis in barley defines a unigene set comprising 4,000 genes.

Theor Appl Genet (2002) 104:97-103

35. K.-P. Pleissner, T. Eifert, P.R. Jungblut: A European pathogenic microorganism proteome database: construction and maintenance

Comp Funct Genome 2002;3:97-100.