# Реальная задача Data Science из золотодобывающей отрасли. Проект предоставлен компанией «Цифра».

## Постановка задачи

Подготовьте прототип модели машинного обучения для «Цифры». Компания разрабатывает решения для эффективной работы промышленных предприятий. Модель должна предсказать коэффициент восстановления золота из золотосодержащей руды. В вашем распоряжении данные с параметрами добычи и очистки. Модель поможет оптимизировать производство, чтобы не запускать предприятие с убыточными характеристиками.

# Технологический процесс

Когда добытая руда проходит первичную обработку, получается дроблёная смесь. Её отправляют на флотацию (обогащение) и двухэтапную очистку.

#### 1. Флотация

Во флотационную установку подаётся смесь золотосодержащей руды. После обогащения получается черновой концентрат и «отвальные хвосты», то есть остатки продукта с низкой концентрацией ценных металлов. На стабильность этого процесса влияет непостоянное и неоптимальное физико-химическое состояние флотационной пульпы (смеси твёрдых частиц и жидкости).

#### 2. Очистка

Черновой концентрат проходит две очистки. На выходе получается финальный концентрат и новые отвальные хвосты.

# Описание данных

## Технологический процесс

- Rougher feed исходное сырье
- Rougher additions (или reagent additions) флотационные реагенты:
  - Хаптате ксантогенат (промотер, или активатор флотации);
  - Sulphate сульфат (на данном производстве сульфид натрия);
  - Depressant депрессант (силикат натрия).
- Rougher process (англ. «грубый процесс») флотация
- Rougher tails отвальные хвосты
- Float banks флотационная установка
- Cleaner process очистка

- Rougher Au черновой концентрат золота
- Final Au финальный концентрат золота

#### Параметры этапов

- air amount объём воздуха
- fluid levels уровень жидкости
- feed size размер гранул сырья
- feed rate скорость подачи

## Наименование признаков

[этап].[тип\_параметра].[название\_параметра]

Пример: rougher.input.feed\_ag

#### Значения для блока [этап]:

- rougher флотация
- primary\_cleaner первичная очистка
- secondary cleaner вторичная очистка
- final финальные характеристики

#### Значения для блока [тип\_параметра]:

- input параметры сырья
- output параметры продукта
- state параметры, характеризующие текущее состояние этапа
- calculation расчётные характеристики

#### Расчёт эффективности

Необходимо смоделировать процесс восстановления золота из золотосодержащей руды. Эффективность обогащения рассчитывается по формуле

$$Recovery = \frac{C(F-T)}{F(C-T)}100\%$$

, где

- С доля золота в концентрате после флотации/очистки;
- F доля золота в сырье/концентрате до флотации/очистки;
- Т доля золота в отвальных хвостах после флотации/очистки.

### Метрика качества

Для решения задачи введём новую метрику качества — sMAPE (англ. Symmetric Mean Absolute Percentage Error, «симметричное среднее абсолютное процентное отклонение»). Она одинаково учитывает масштаб и целевого признака, и предсказания.

$$sMAPE = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} \frac{|y_i - \hat{y}_i|}{\frac{|y_i| + |\hat{y}_i|}{2}}$$

, где

- $y_i$  значение целевого признака для объекта с порядковым номером і в выборке, на которой измеряется качество.
- $\hat{y_i}$  значение предсказания для объекта с порядковым номером і, например, в тестовой выборке.

Нужно спрогнозировать сразу две величины:

- эффективность обогащения чернового концентрата rougher.output.recovery;
- эффективность обогащения финального концентрата final.output.recovery.

Итоговая метрика складывается из двух величин:

$$sMAPE_{result} = 25\% * sMAPE(rougher) + 75\% * sMAPE(final)$$

# План

### 1. Подготовка данных

- 1.1 Получение файлов
- 1.2 Проверка верности расчёта эффективности обогащения
- 1.3 Анализ признаков, которых нет в тестовой выборке
- 1.4 Предобработка данных

## 2. Исследовательский анализ данных

- 2.1 Динамика изменения концентрации металлов (Au, Ag, Pb) на различных э тапах очистки.
- 2.2 Сравнение распределения размеров гранул сырья на обучающей и тестово й выборках.
- 2.3 Исследование суммарной концентрации всех веществ на разных стадиях: в сырье, в черновом и финальном концентратах.

## 3. Построение модели и её обучение

- 3.1 Функция нахождения итоговой sMAPE.
- 3.2 Обучение моделей и оценка их качеств кросс-валидацией. Выбор лучшей модели и её проверка на тестовой выборке.

#### 1. Подготовка данных

1.1 Получение файлов

```
import pandas as pd
import numpy as np

from sklearn.metrics import mean_absolute_error as mae
from sklearn.metrics import make_scorer

from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.model_selection import GridSearchCV
from sklearn.model_selection import cross_val_score

from sklearn.ensemble import RandomForestRegressor
from sklearn.tree import DecisionTreeRegressor
from sklearn.linear_model import LinearRegression

import os
import urllib
import matplotlib.pyplot as plt

pd.options.display.float_format = "{:.3f}".format
PLOT = True
```

```
B [3]: class DF:
    def __init__(self, df):
        self.df = df

    def get(self, part_of_name):
        return self.df.loc[:, list(filter(lambda x: part_of_name in x, self.df.cc
```

```
B [4]: train_origin, test_origin, full_origin = [DF(pd.read_csv(name)) for name, _ in data
train, test, full = [DF(pd.read_csv(name)) for name, _ in datas]
target_col_1, target_col_2 = 'rougher.output.recovery', 'final.output.recovery'
```

#### 1.2 Проверка верности расчёта эффективности обогащения

Вычислите её на обучающей выборке для признака rougher.output.recovery. Найдите МАЕ между вашими расчётами и значением признака. Опишите выводы.

```
B [5]: C = train.get('rougher.output.concentrate_au').iloc[:, 0]
F = train.get('rougher.input.feed_au').iloc[:, 0]
T = train.get('rougher.output.tail_au').iloc[:, 0]
Recovery_calc = ((C * (F - T)) / (F * (C - T)) * 100)
Recovery_actu = train.get('rougher.output.recovery').iloc[:, 0]
res = pd.concat([Recovery_calc, Recovery_actu], axis=1)
res = res.dropna()
res.columns = 'calculated actual'.split()
print('Pacчёт признака Recovery верный' if mae(res.iloc[:, 0], res.iloc[:, 1]) <</pre>
```

Расчёт признака Recovery верный

#### 1.3 Анализ признаков, которых нет в тестовой выборке

```
B [6]: cols not in test = sorted(list(set(full.df.columns) - set(test.df.columns)))
       print(*cols_not_in_test, sep='\n')
       print('#' * 50)
       print(len(cols not in test))
       print("Is gen features in test -> ", target_col_1 in cols_not_in_test, target_col
       final.output.concentrate ag
       final.output.concentrate au
       final.output.concentrate pb
       final.output.concentrate_sol
       final.output.recovery
       final.output.tail ag
       final.output.tail au
       final.output.tail pb
       final.output.tail sol
       primary_cleaner.output.concentrate_ag
       primary_cleaner.output.concentrate_au
       primary cleaner.output.concentrate pb
       primary cleaner.output.concentrate sol
       primary_cleaner.output.tail_ag
       primary cleaner.output.tail au
       primary_cleaner.output.tail_pb
       primary_cleaner.output.tail_sol
       rougher.calculation.au pb ratio
       rougher.calculation.floatbank10 sulfate to au feed
       rougher.calculation.floatbank11_sulfate_to_au_feed
       rougher.calculation.sulfate to au concentrate
       rougher.output.concentrate_ag
       rougher.output.concentrate_au
       rougher.output.concentrate pb
       rougher.output.concentrate sol
       rougher.output.recovery
       rougher.output.tail ag
       rougher.output.tail au
       rougher.output.tail pb
       rougher.output.tail sol
       secondary cleaner.output.tail ag
       secondary_cleaner.output.tail_au
       secondary_cleaner.output.tail_pb
       secondary cleaner.output.tail sol
       34
       Is gen features in test -> True True
```

В тестовой выборке не хватает 34 признаков, включая rougher.output.recovery, final.output.recovery (целевые прирнаки). Все признаки, кроме целевых, а точнее их величины могут быть получены лишь при работающем механизме фильтрации (концентрации, излишки)

#### 1.4 Предобработка данных

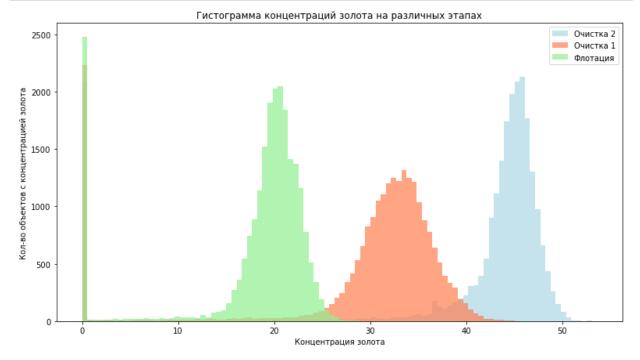
B [7]: train.df.columns.shape[0], test.df.columns.shape[0], full.df.columns.shape[0]

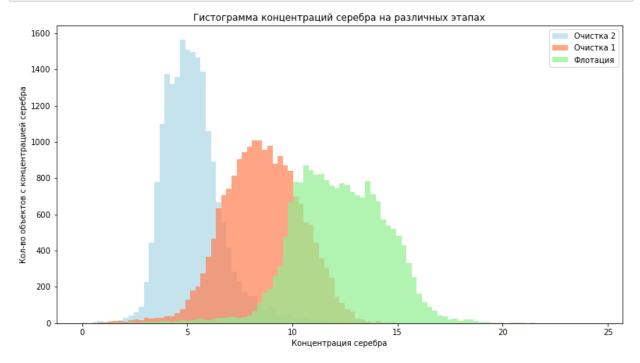
```
Out[7]: (87, 53, 87)
                      В датасетах различное количество столбцов, что недопустимо для обучения модели (train
                     должен иметь такие же столбцы, как и test или valid). Проверим, совпадают ли столбцы
                     из train c full на предмет того, что все столбцы рассматриваются.
  B [8]: set(train.df.columns) == set(full.df.columns)
Out[8]: True
  B [9]: target_col_1 in full.df.columns and target_col_2 in full.df.columns
Out[9]: True
B [10]: train.df = train.df.loc[:, list(test.df.columns) + [target_col_1, target_col_2]]
B [11]: for df in train.df, test.df, full.df:
                                df.index = df.date
                                df.drop(['date'], axis=1, inplace=True)
B [12]: test.df = test.df.join(full.df[[target col 1, target col 2]])
B [13]: print('Nan values in train (max) {:.3f} %'.format(train.df.isna().sum().max() /
                     print('Nan values in test (max) {:.3f} %'.format(test.df.isna().sum().max() / test.df.isna().sum().max() / test.df.isna().sum().sum().max() / test.df.isna().sum().sum().max() / test.df.isna().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().sum().s
                     Nan values in train (max) 15.261 %
                     Nan values in test (max) 9.324 %
B [14]: | %%time
                     f = s = t = 1
                     while f or s or t:
                                if f:
                                          train.df = train.df.ffill(limit=5)
                                          train.df = train.df.bfill(limit=5)
                                if s:
                                          test.df = test.df.ffill(limit=5)
                                          test.df = test.df.bfill(limit=5)
                                if t:
                                          full.df = full.df.ffill(limit=5)
                                          full.df = full.df.bfill(limit=5)
                                f, s, t = (train.df.isna().sum().sum(),\
                                                            test.df.isna().sum().sum(),\
                                                            full.df.isna().sum().sum())
```

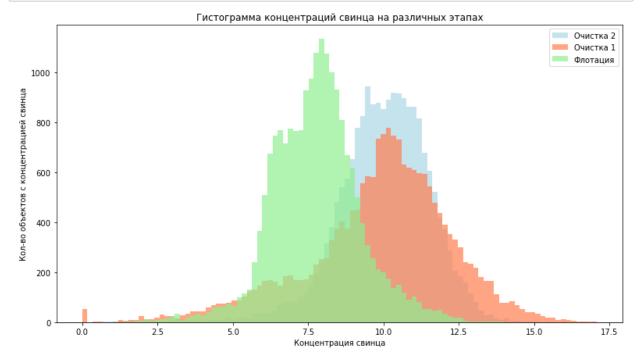
Wall time: 1.42 s

## 2. Исследовательский анализ данных

# 2.1 Динамика изменения концентрации металлов (Au, Ag, Pb) на различных этапах очистки.



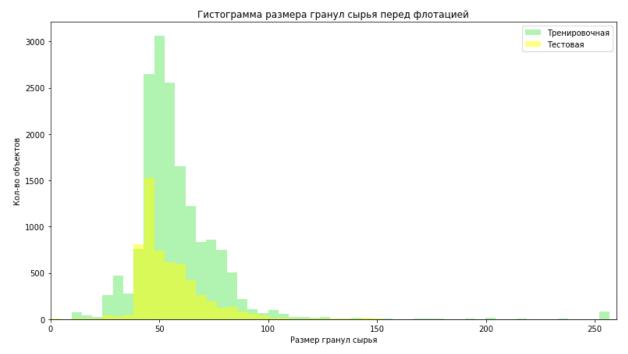


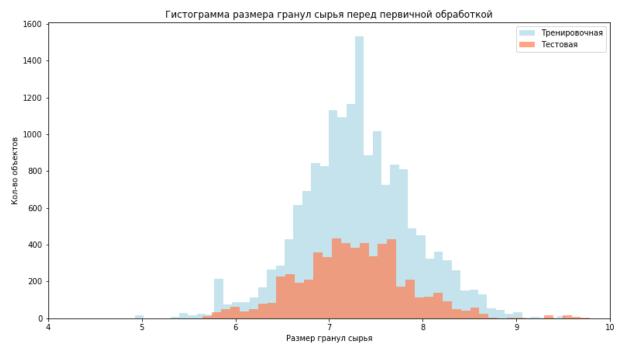


Концентраци серебра при прохождении руды через такую последовательность этапов: флотация, первая очистка и вторая очистка уменьшается. При таком же следовании этапов концетрация золота увеличивается. В свою очередь после флотации концетрация свинца увеличивается, но разница не так хорошо прослеживается между очистками.

# 2.2 Сравнение распределения размеров гранул сырья на обучающей и тестовой выборках.

Если распределения сильно отличаются друг от друга, оценка модели будет неверной.





Размер гранул сырья перед флотацией на обеих выборках имеют распределения похожие на распределение Пуссона, в свою очередь распределения перед первой очисткой похожи на нормальное распределение

# 2.3 Исследование суммарной концентрации всех веществ на разных стадиях: в сырье, в черновом и финальном концентратах.

```
B [22]: if PLOT:
             full.df.loc[:, 'rougher.input.feed_sum'] = (full
                  .get('rougher.input.feed')
                  .drop(['rougher.input.feed_size', 'rougher.input.feed_rate'], axis=1)
                  .apply(lambda x: x.sum(), axis=1)
              )
B [23]: if PLOT:
             for name in ['rougher.output.concentrate', 'primary_cleaner.output.concentrat
                  full.df.loc[:, name + '_sum'] = (full
                       .get(name)
                       .apply(lambda x: x.sum(), axis=1)
                  )
B [24]: if PLOT:
             df_sum_conc = full.get('sum')
             df_sum_conc.columns = ['В сырье', 'В черновом концентрате после флотации',\
                                        'В черновом концентрате после 1-ой очистки', 'В чернов
              _ = df_sum_conc.plot(kind='hist', bins=100, figsize=(13, 7),\
                                 color=('lightblue', 'coral', 'lightgreen', 'teal'), alpha=.7
             plt.title('Гистограмма суммарных концентраций')
             plt.xlabel('Суммарная концентрация')
             plt.ylabel('Кол-во объектов')
             plt.show()
                                          Гистограмма суммарных концентраций
            3000
                   В сырье
                   В черновом концентрате после флотации
                   В черновом концентрате после 1-ой очистки

    В черновом концентрате после 2-ой очистки (финальный концетрат)

            2500
            2000
          Кол-во объектов
           1500
            1000
            500
```

Как и ожидалось, концентрация металлов увеличивается к концу всех этапов.

Суммарная концентрация

### 3. Построение модели и её обучение

3.1 Функция нахождения итоговой sMAPE.

```
def sMAPE(predicted, target):
    res = np.sum(np.abs(predicted - target) / (np.abs(predicted) + np.abs(target)
    return res / len(predicted) * 100

def sMAPE_result(predicted_rougher, target_rougher, predicted_final, target_final
    sMAPE_rougher = sMAPE(predicted_rougher, target_rougher)
    sMAPE_final = sMAPE(predicted_final, target_final)
    return .25 * sMAPE_rougher + .75 * sMAPE_final

sMAPE_score = make_scorer(sMAPE, greater_is_better=False)
```

3.2 Обучение моделей и оценка их качеств кросс-валидацией. Выбор лучшей модели и её проверка на тестовой выборке.

## Линейная регрессия

```
B [28]: model_lin = LinearRegression()
model_lin.fit(features_train, target_train)
predicts_lin = model_lin.predict(features_test)
```

```
B [29]: sMAPE_result(predicts_lin[:, 0], target_test.iloc[:, 0], predicts_lin[:, 1], target_test.iloc[:, 0]
```

Out[29]: 9.140700746751737

## Дерево решений

```
B [30]: | features_train_1 = train.df.drop([target_col_1], axis=1).reset_index(drop=True)
         target train 1 = train.df[target col 1].reset index(drop=True)
         features train 2 = train.df.drop([target col 2], axis=1).reset index(drop=True)
         target train 2 = train.df[target col 2].reset index(drop=True)
         features_test_1 = test.df.drop([target_col_1], axis=1).reset_index(drop=True)
         target_test_1 = test.df[target_col_1].reset_index(drop=True)
         features test 2 = test.df.drop([target col 2], axis=1).reset index(drop=True)
         target test 2 = test.df[target col 2].reset index(drop=True)
 B [31]: param grid tree = {
             'max depth': [i for i in range(3, 30)]
         model tree = DecisionTreeRegressor(random state=1)
         model_tree_gscv = GridSearchCV(estimator=model_tree, param_grid=param_grid_tree,)
                                        n_jobs=-1, cv=3, verbose=2,\
                                        scoring=sMAPE score)
         model tree gscv.fit(features train 1, target train 1)
         model_tree_best_model_1 = model_tree_gscv.best_estimator_
         predicts tree 1 = model tree best model 1.predict(features test 1)
         Fitting 3 folds for each of 27 candidates, totalling 81 fits
         [Parallel(n_jobs=-1)]: Using backend LokyBackend with 8 concurrent workers.
         [Parallel(n jobs=-1)]: Done 25 tasks
                                                     | elapsed:
                                                                  5.8s
         [Parallel(n_jobs=-1)]: Done 81 out of 81 | elapsed:
                                                                 17.2s finished
 B [32]:
         model tree gscv.fit(features train 2, target train 2)
         model tree best model 2 = model tree gscv.best estimator
         predicts_tree_2 = model_tree_best_model_2.predict(features_test_2)
         Fitting 3 folds for each of 27 candidates, totalling 81 fits
         [Parallel(n jobs=-1)]: Using backend LokyBackend with 8 concurrent workers.
         [Parallel(n jobs=-1)]: Done 25 tasks
                                                                   3.1s
                                                     | elapsed:
         [Parallel(n jobs=-1)]: Done 81 out of 81 | elapsed:
                                                                 15.3s finished
 B [33]: sMAPE_result(predicts_tree_1, target_test_1, predicts_tree_2, target_test_2)
Out[33]: 9.045763502493083
```

# Случайный лес

```
B [34]: param grid = {
            'bootstrap': [True],
            'max depth': [i for i in range(3, 20, 4)],
            'max features': [3, 7],
            'min_samples_leaf': [3, 7],
            'min_samples_split': [4, 8],
            'n estimators': [i for i in range(20, 120, 20)]
        }
        model = RandomForestRegressor()
        grid search = GridSearchCV(estimator=model, param grid=param grid,\
                                  cv=3, verbose=2, n_jobs=-1,\
                                  scoring=make_scorer(sMAPE, greater_is_better=False))
        grid search.fit(features train 1, target train 1)
        model forest best 1 = grid search.best estimator
        predicts forest 1 = model forest best 1.predict(features test 1)
        Fitting 3 folds for each of 200 candidates, totalling 600 fits
        [Parallel(n_jobs=-1)]: Using backend LokyBackend with 8 concurrent workers.
        [Parallel(n jobs=-1)]: Done 25 tasks
                                                      elapsed:
        [Parallel(n jobs=-1)]: Done 146 tasks
                                                      elapsed:
                                                                 31.6s
        [Parallel(n jobs=-1)]: Done 349 tasks
                                                      elapsed:
                                                                2.3min
        [Parallel(n jobs=-1)]: Done 600 out of 600 | elapsed: 5.4min finished
B [35]: grid_search.fit(features_test_2, target_test_2)
        model forest best 2 = grid search.best estimator
        predicts forest 2 = model forest best 2.predict(features test 2)
        Fitting 3 folds for each of 200 candidates, totalling 600 fits
        [Parallel(n_jobs=-1)]: Using backend LokyBackend with 8 concurrent workers.
        [Parallel(n_jobs=-1)]: Done 34 tasks
                                                      elapsed:
                                                                  2.1s
        [Parallel(n jobs=-1)]: Done 194 tasks
                                                                 18.5s
                                                      elapsed:
        [Parallel(n jobs=-1)]: Done 397 tasks
                                                      elapsed:
                                                                 56.2s
        [Parallel(n jobs=-1)]: Done 600 out of 600 | elapsed:
                                                                1.8min finished
B [36]: sMAPE_result(predicts_forest_1, target_test_1, predicts_forest_2, target_test_2)
```

# Вывод

Out[36]: 8.087939651378415

Лучшая модель (2 модели для двух целевых признаков) на тестовой выборке - RandomForestRegressor

```
B [37]: model forest best 1.get params()
Out[37]: {'bootstrap': True,
           'ccp_alpha': 0.0,
           'criterion': 'mse',
           'max_depth': 11,
           'max features': 3,
           'max leaf nodes': None,
           'max samples': None,
           'min_impurity_decrease': 0.0,
           'min_impurity_split': None,
           'min samples leaf': 7,
           'min_samples_split': 4,
           'min weight fraction leaf': 0.0,
           'n estimators': 100,
           'n_jobs': None,
           'oob_score': False,
           'random_state': None,
           'verbose': 0,
           'warm_start': False}
 B [38]: model_forest_best_2.get_params()
Out[38]: {'bootstrap': True,
           'ccp alpha': 0.0,
           'criterion': 'mse',
           'max_depth': 3,
           'max_features': 7,
           'max leaf nodes': None,
           'max samples': None,
           'min_impurity_decrease': 0.0,
           'min impurity split': None,
           'min_samples_leaf': 7,
           'min_samples_split': 4,
           'min weight fraction leaf': 0.0,
           'n estimators': 60,
           'n_jobs': None,
           'oob score': False,
           'random_state': None,
           'verbose': 0,
           'warm start': False}
         C показетелем sMAPE_reslt = 8.09
```