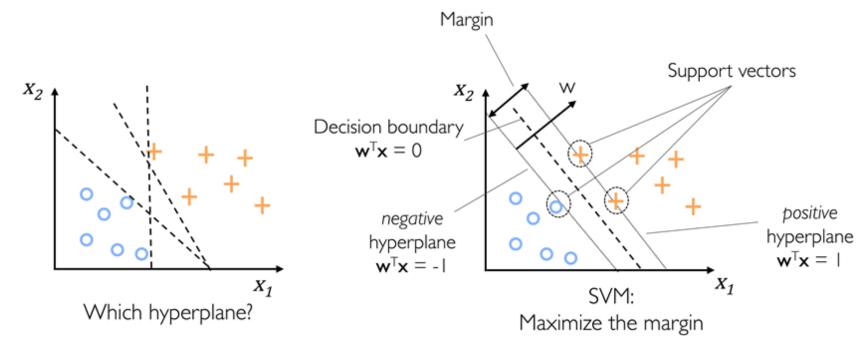




- 결정함수 : n차원의 초평면(hyperplane)
- 결정경계 : 결정 함수의 값이 0인 점. (n-1)차원의 초평면(hyperplane)
- SVM의 최적화는 마진(Margin)을 최대화 하는 것(large margin classification)
 - 마진은 클래스를 구분하는 초평면(결정경계)과 이 초평면에 가장 가까운 훈련 샘플 사이의 거리. 이런 샘플을 서포트 벡터(support vector)라고 한다.
 - 클래스를 구분하는 결정경계와 샘플 사이의 마진을 가능한 한 가장 크게 하는 것



 $https://github.com/rasbt/python-machine-learning-book-2nd-edition/commit/ba17d077c78dafb362971ca8b8f8cd92ee81b40f?short_path=34ed1bf\#diff-34ed1bfbf22327fba9b6df3c88b2c539$

SVM 이론

- n차원 공간에 있는 입력 데이터 $x=[x_1x_2\cdots x_n]^T$
- $h(x) = w_1 x_1 + w_2 x_2 \cdots w_n x_n + b = w^T x + b = 0$
- 경계와 가장 가까운 support vector

$$w^{T}x_{pos} + b = 1$$
 ... (1)
 $w^{T}x_{neg} + b = -1$... (2)
 $w^{T}(x_{pos} - x_{neg}) = 2$... (1) – (2)

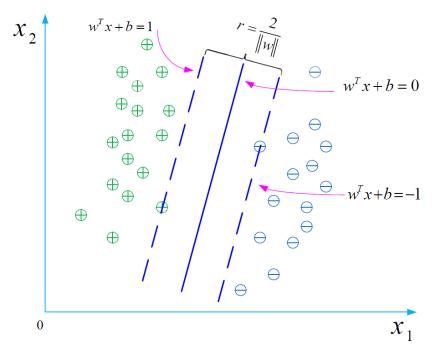
$$||w|| = \sqrt{\sum_{j=1}^{m} w_j^2}$$

$$r_{pos} = \frac{w^T x_{pos} + b}{||w||} = \frac{1}{||w||}$$

$$r_{neg} = \frac{w^T x_{neg} + b}{||w||} = -\frac{1}{||w||}$$

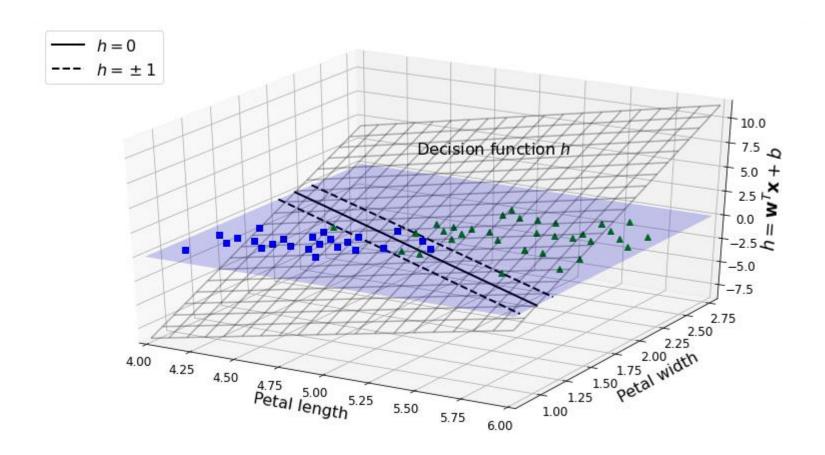
$$\frac{w^{T}(x_{pos} - x_{neg})}{\|w\|} = \frac{2}{\|w\|}$$

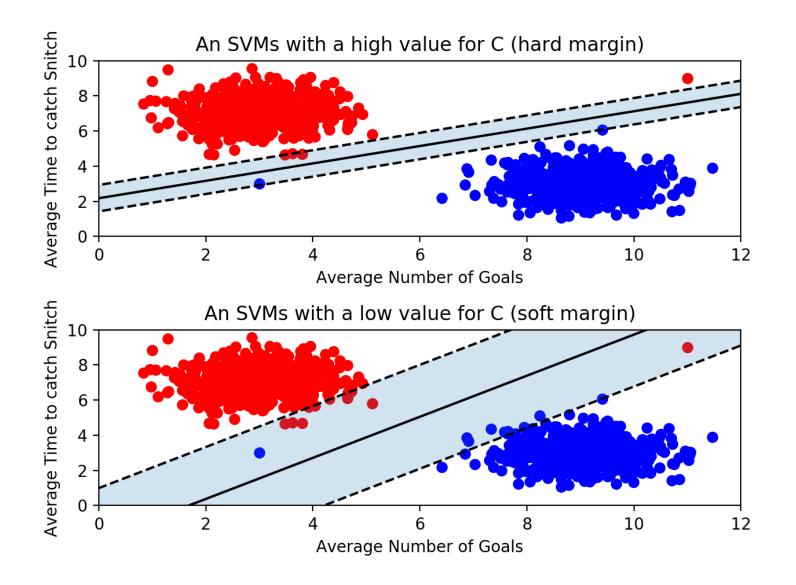
- Goal : maximize the margin
 - $\therefore max \frac{2}{\|w\|}$
 - \Rightarrow 콰드라틱(quadratic) 프로그래밍 방법 $min \frac{1}{2} ||w||^2$ 하는 것이 더 쉽다



iris 데이터셋의 결정함수

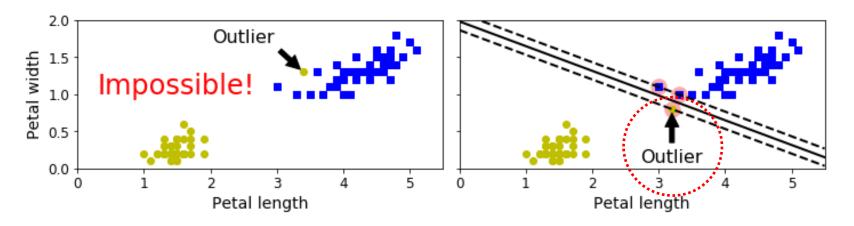
- SVM의 최적화는 가능한 한 마진을 크게 하는 $w^Tx + b$ 의 w와 b를 찾는 것
- 점선: 결정함수의 값이 1 또는 -1인 점



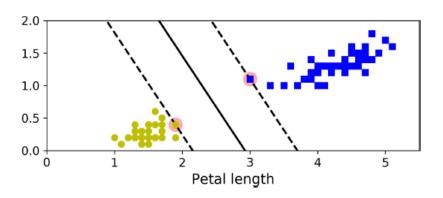


하드 마진 분류(hard margin classification)

- 모든 샘플이 경계선 바깥쪽에 올바르게 분류되어 있는 상태
- 데이터가 선형적으로 구분될 수 있어야 제대로 작동하며 이상치(outlier)에 <u>민감</u>

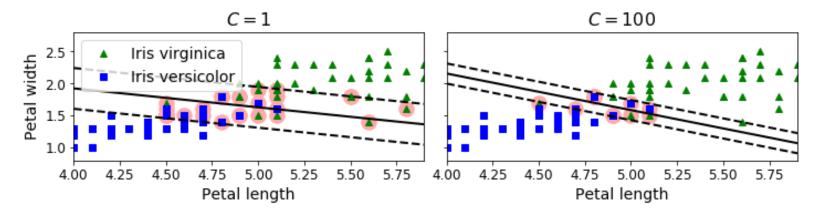


- 왼쪽그래프 : 하드마진을 찾을 수 없다.
- 오른쪽 그래프: 결정경계는 이상치가 없는 경우(하단 그림)와 매우 다르다. 또한 일반화가 잘 될 것 같지 않다



소프트 마진 분류(soft margin classification)

- 마진오류(margin violation): 샘플이 경계선 중간이나 반대쪽에 있는 경우
- 경계의 폭을 가능한 넓게 유지하는 것
- 마진 오류 사이에 적절한 균형을 잡는 것



- 사이킷런(sklearn)의 SVM모델에서 여러 하이퍼 파라미터 지정(<math>c는 여러 하이퍼 파라미터 중 하나)
 - 왼쪽 그래프: 낮게 설정
 - 오른쪽 그래프 : 높게 설정
- 마진 오류는 일반적으로 적은 것이 좋다.
 - 그렇지만, 위의 경우에 왼쪽 모델의 마진 오류가 많지만 일반화가 더 잘 될 것 같다

목적함수

- 결정함수의 기울기 : 가중치 벡터 노름 ||w|| . 가중치 벡터 w가 작을 수록 마진은 커진다
- 마진을 크게 하기 위해 ||w||를 최소화 : $w^T w = ||w||^2$
- 음성 샘플일 때 $t^{(i)} = -1$, 양성 샘플일 때 $t^{(i)} = 1$ 로 정의하면 $t^{(i)}(\mathbf{w}^T\mathbf{x}^{(i)} + \mathbf{b}) \ge 1$ 로 표현할 수 있다.
- 하드마진 선형 SVM 분류기의 목적함수

$$\underset{W,b}{minimize} \quad \frac{1}{2} ||w||^2$$

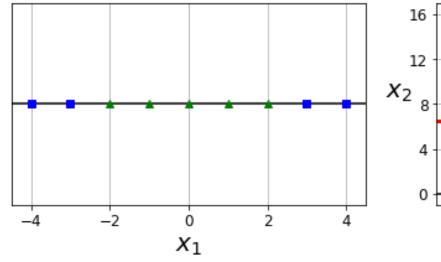
[조건]
$$i = 1, 2, \dots, m$$
일때 $t^{(i)}(w^T x^{(i)} + b) \ge 1$

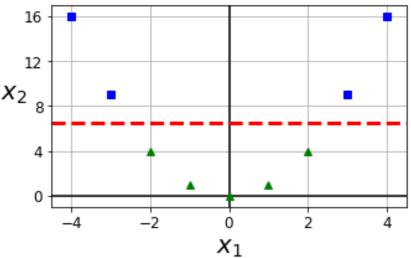
- 소프트마진 선형 SVM 분류기의 목적함수
 - 슬랙변수(slack variable) $\zeta^{(i)} \ge 0$ 을 도입. $\zeta^{(i)}$ 는 i번째 샘플이 얼마나 마진을 위반할지 결정
 - 하이퍼파라미터 C는 아래 두 목표 사이의 트레이드 오프를 정의
 - 슬랙변수의 값이 작으면 마진의 오류를 최소화
 - $\cdot \frac{1}{2} ||w||^2$ 가 작으면 마진을 크게 한다

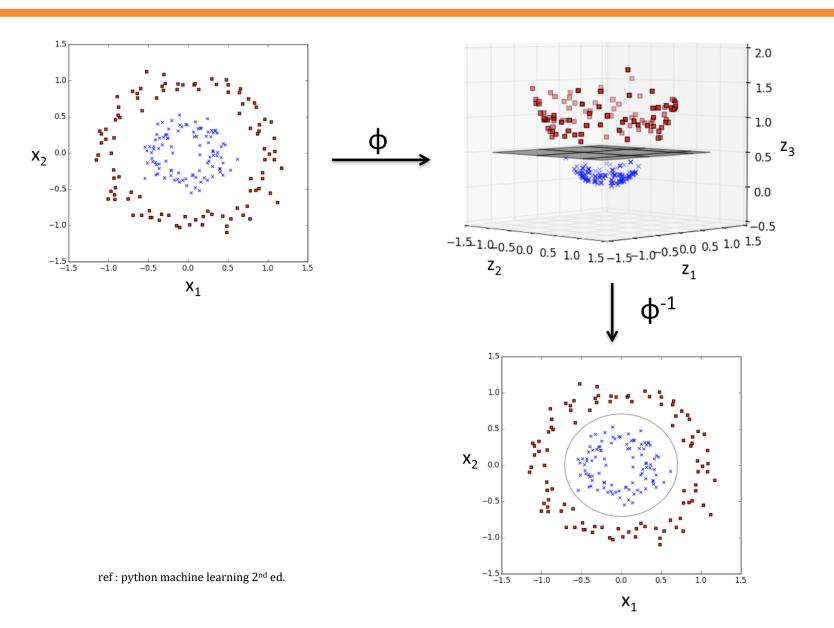
minimize
$$\frac{1}{2}||w||^2 + C\sum_{i=1}^m \zeta^{(i)}$$

[조건]
$$i=1,2,\cdots,m$$
일때 $t^{(i)}(w^Tx^{(i)}+b) \ge 1-\zeta^{(i)}$ 이고 $\zeta^{(i)} \ge 0$

• $x_2 = (x_1)^2$ 로 하여 만들어진 2차원 데이터셋은 선형적으로 구분 가능(오른쪽 그래프)







PolynomialFeatures(degree=d)

- 다항식 특성
 - + 낮은 차수의 다항식 : 매우 복잡한 데이터셋을 잘 표현하지 못함
 - 높은 차수의 다항식 : 매우 많은 특성을 추가하므로 모델이 느림
- 특성이 n개인 배열을 특성이 $\frac{(n+d)!}{d!n!}$ 개인 배열로 변환
 - n! 로서 특성수가 교차항을 포함해 엄청나게 늘어날 수 있다.
- (예) 두 개의 특성 a, b가 있을 때 degree=3으로 적용하면
 - $-a^{2}$, a^{3} , $b^{2}b^{3}$, ab, $a^{2}b$, ab^{2}

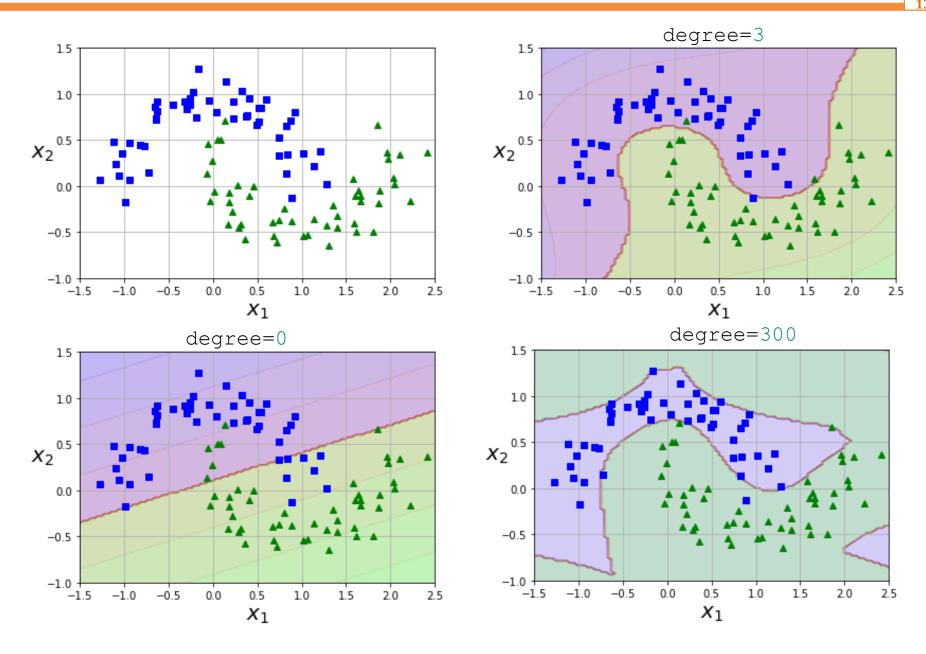
```
from sklearn.datasets import make_moons
from sklearn.preprocessing import PolynomialFeatures
X, y = make_moons(n_samples=100, noise=0.15, random_state=42)

poly =PolynomialFeatures(degree=3)
poly.fit(X, y)
# 만들어진 특성의 차수 확인
poly.get_feature_names()
```

['1', 'x0', 'x1', 'x0^2', 'x0 x1', 'x1^2', 'x0^3', 'x0^2 x1', 'x0 x1^2', 'x1^3']

```
# interaction_only=TrueNod : 거듭제곱이 포함된 항은 제외 poly =PolynomialFeatures(degree=3, interaction_only=True) poly.fit(X, y) poly.get_feature_names()
```

['1', 'x0', 'x1', 'x0 x1'



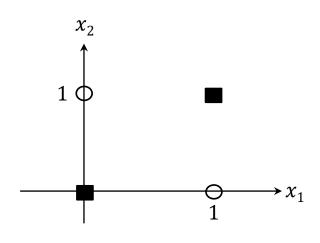


커널트릭(kernel trick)

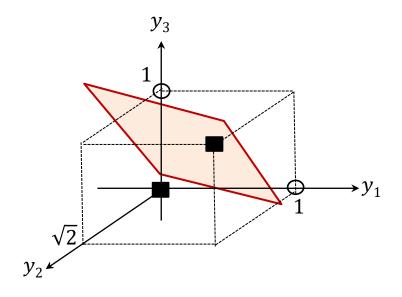
- 고차원 공간으로 매핑
 - SVM으로 비선형을 해결하기 위하여 매핑함수 φ를 사용하여 훈련 데이터를 고차원 특성 공간으로 변환
 - 새로운 특성을 만드는 계산 비용이 매우 비싸다(특히 고차원 데이터일 때)
 - $-\phi$ 를 고차원으로 변환하여 계산하지 않고 원래 데이터에서 계산. 따라서 높은 비용을 절감하기 위해 커널함수를 정의
- 커널(kernel)
 - 샘플간의 유사도 함수(similarity function)
 - 0과 1사이의 범위
- 커널 트릭(kernel trick)
 - 원래 공간에서 더 높은 차원의 새로운 공간으로 매핑
 - 실제로 특성을 추가하지 않으면서 다항식 특성을 많이 추가한 것과 같은 결과를 얻을 수 있다

커널트릭(kernel trick) - 예

XOR의 2차원 입력 (x_1, x_2) 를 **매핑함수** $\phi(x_1, x_2)$ 를 이용하여 3차원으로 변환 $\phi(x_1, x_2) = (x_1^2, \sqrt{2}x_1x_2, x_2^2) = (y_1, y_2, y_3)$



(a)원래공간 x



(b)변환 공간 $\phi(x)$

커널함수(kernel function)

- 어떤 특징공간에 정의된 두 특징벡터 $x^{(i)}, x^{(i)}$ 에 대해 $K(x^{(i)}, x^{(j)}) = \phi(x^{(i)})$ • $\phi(x^{(j)})$ 인 변환함수 ϕ 가 존재하면 $K(x^{(i)}, x^{(j)})$ 를 커널함수라 부른다
- 선형 커널

$$K(x^{(i)}, x^{(j)}) = (x^{(i)})^T \cdot x^{(j)}$$

• 다항식 커널(polynomial kernel)

$$K(x^{(i)}, x^{(j)}) = (Y(x^{(i)})^T \cdot x^{(j)} + r)^d, \qquad d: \text{integer}(+)$$

• 방사기저 함수(radial basis function, RBF), 가우시안 커널(Gaussian kernel)

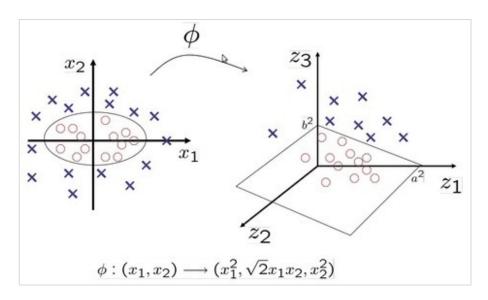
$$K(x^{(i)}, x^{(j)}) = exp\left(-\frac{\|x^{(i)} - x^{(j)}\|^{2}}{2\sigma^{2}}\right)$$

$$K(x^{(i)}, x^{(j)}) = exp\left(-Y\|x^{(i)} - x^{(j)}\|^{2}\right), \qquad \gamma = \frac{1}{2\sigma^{2}}$$

- 쌍곡 탄젠트 커널(hyperbolic tangent), 시그모이드(sigmoid) $K(x^{(i)}, x^{(j)}) = tanh(Y(x^{(i)})^T \cdot x^{(j)} + r)$
- 사이킷런의 SVC, SVR에서 매개변수 kernel에 지정할 수 있는 함수
 "linear", "poly", "rbf", "sigmoid"

2차 다항식 매핑 함수 φ

$$\phi(x) = \phi\left(\begin{pmatrix} x_1 \\ x_2 \end{pmatrix}\right) = \begin{pmatrix} x_1^2 \\ \sqrt{2}x_1x_2 \\ x_2^2 \end{pmatrix}$$



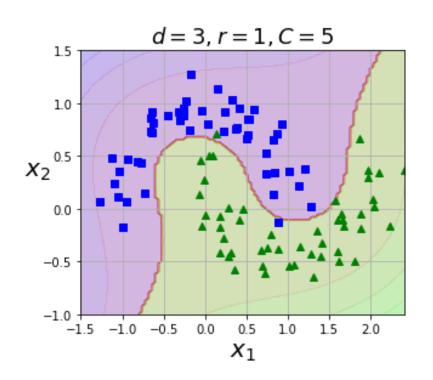
• 2차 다항식 매핑을 위한 커널 트릭

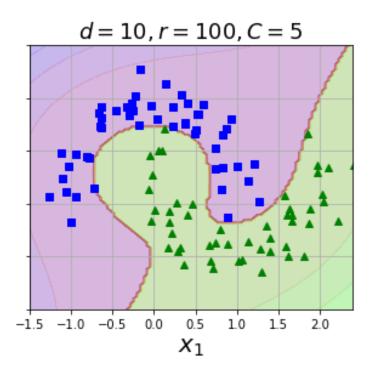
$$\phi(a)^{T}\phi(b) = \begin{pmatrix} a_{1}^{2} \\ \sqrt{2}a_{1}a_{2} \end{pmatrix}^{T} \begin{pmatrix} b_{1}^{2} \\ \sqrt{2}b_{1}b_{2} \end{pmatrix} = a_{1}^{2}b_{1}^{2} + 2a_{1}b_{1}a_{2}b_{2} + a_{2}^{2}b_{2}^{2}$$
$$= (a_{1}b_{1} + a_{2}b_{2})^{2} = \left(\begin{pmatrix} a_{1} \\ a_{2} \end{pmatrix}^{T} \begin{pmatrix} b_{1} \\ b_{2} \end{pmatrix}\right)^{2} = (a^{T}b)^{2}$$

$$\therefore \phi(a)^T \phi(b) = (a^T b)^2$$

비선형 SVM분류 - 다항식 커널(1)

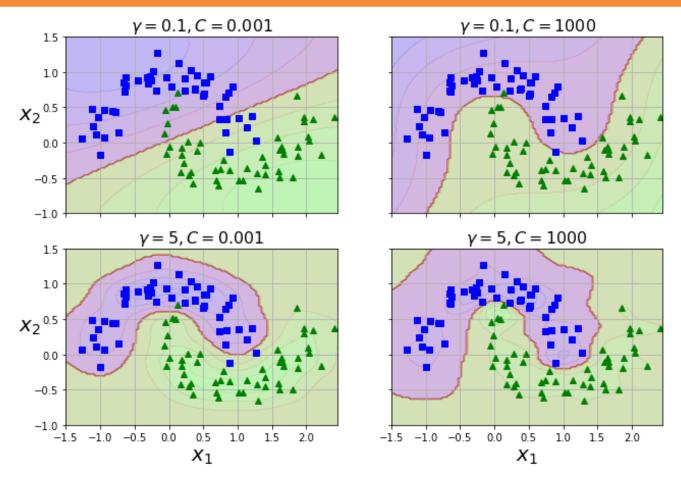
- 과대적합(overfitting) : 다항식의 차수를 줄인다
- 과소적합(underfitting): 다항식의 차수를 늘린다
- coef0: 모델이 높은 차수와 낮은 차수에 얼마나 영향을 받을 지 조절
 - 차수가 높아질수록 1보다 작은 값과 1보다 큰 값의 차이가 크게 벌어지므로 coef0을
 적절한 값으로 지정하면 고차항의 영향을 줄일 수 있다.
 - 다항식 커널에 있는 상수항 r (기본값은 0)





비선형 SVM분류 - RBF(1)

```
from sklearn.svm import SVC
gamma1, gamma2 = 0.1, 5
C1, C2 = 0.001, 1000
hyperparams = (gamma1, C1), (gamma1, C2), (gamma2, C1), (gamma2, C2)
svm clfs = []
for gamma, C in hyperparams:
    rbf kernel svm clf = Pipeline([
            ("scaler", StandardScaler()),
            ("svm clf", SVC(kernel="rbf", gamma=gamma, C=C))
        1)
    rbf kernel svm clf.fit(X, y)
    svm clfs.append(rbf kernel svm clf)
fig, axes = plt.subplots(nrows=2, ncols=2, figsize=(10.5, 7), sharex=T
rue, sharey=True)
```



- gammer가 규제역할: 과대적합일 경우 감소, 과소적합일 경우 증가
- γ 를 증가시키면 결정경계가 불규칙해지고 각 샘플을 따라 구불구불하게 휘어진다.
- 작은 γ 값은 샘플이 넓은 범위에 걸쳐 영향을 주므로 결정경계가 더 부드러워진다
- 모델의 복잡도를 조절하려면 γ 와 C 를 함께 조정하는 것이 좋다