

Группа	3532703/00001
ФИО	Кимельфельд Дмитрий Петрович

Отчёт №10.

Дата сдачи 28.11.2020 г.

Задание: Написать программу, моделирующую размножение бактерий в чаше Петри.

- Данные на вход: размеры матрицы $m \times n$, координаты первой бактерии (x, y) , такие, что $1 \leq x \leq m$, $1 \leq y \leq n$, $0 \leq P \leq 1$ – вероятность генерации новой бактерии в клетке.
- На первом шаге матрица размерами $m \times n$ заполнена нулями. На втором шаге появляется одна бактерия в клетке (x, y) . На третьем шаге в клетках, соседних с первой клеткой генерируются новые бактерии с вероятностью P . Соседними считаются клетки по вертикали, горизонтали и диагонали, координаты которых отличаются от исходной не более, чем на 1. «Новая» клетка, которая появилась на данном шаге, не генерирует бактерии на этом же шаге, но начинает генерировать бактерии на следующем и всех последующих шагах, пока не заполнит все соседние клетки.
- На каждом шаге выводить на экран номер шага и матрицу
- Для заданных m и n вычислить число итераций (шагов) N , за которое заполнится матрица, при различных x, y, P . Как число итераций зависит от указанных параметров?
- Для фиксированных m, n, x, y, P вычислить среднее число итераций $\langle N \rangle$ за k экспериментов. Как меняется число итераций в зависимости от k ?
- Рекомендуемые параметры $m=n=10, m=n=30, m=n=100, 1 \leq x \leq m, 1 \leq y \leq n, P=0, 0.05, 0.1, 0.2, 0.5, 0.6, 0.9, 1$

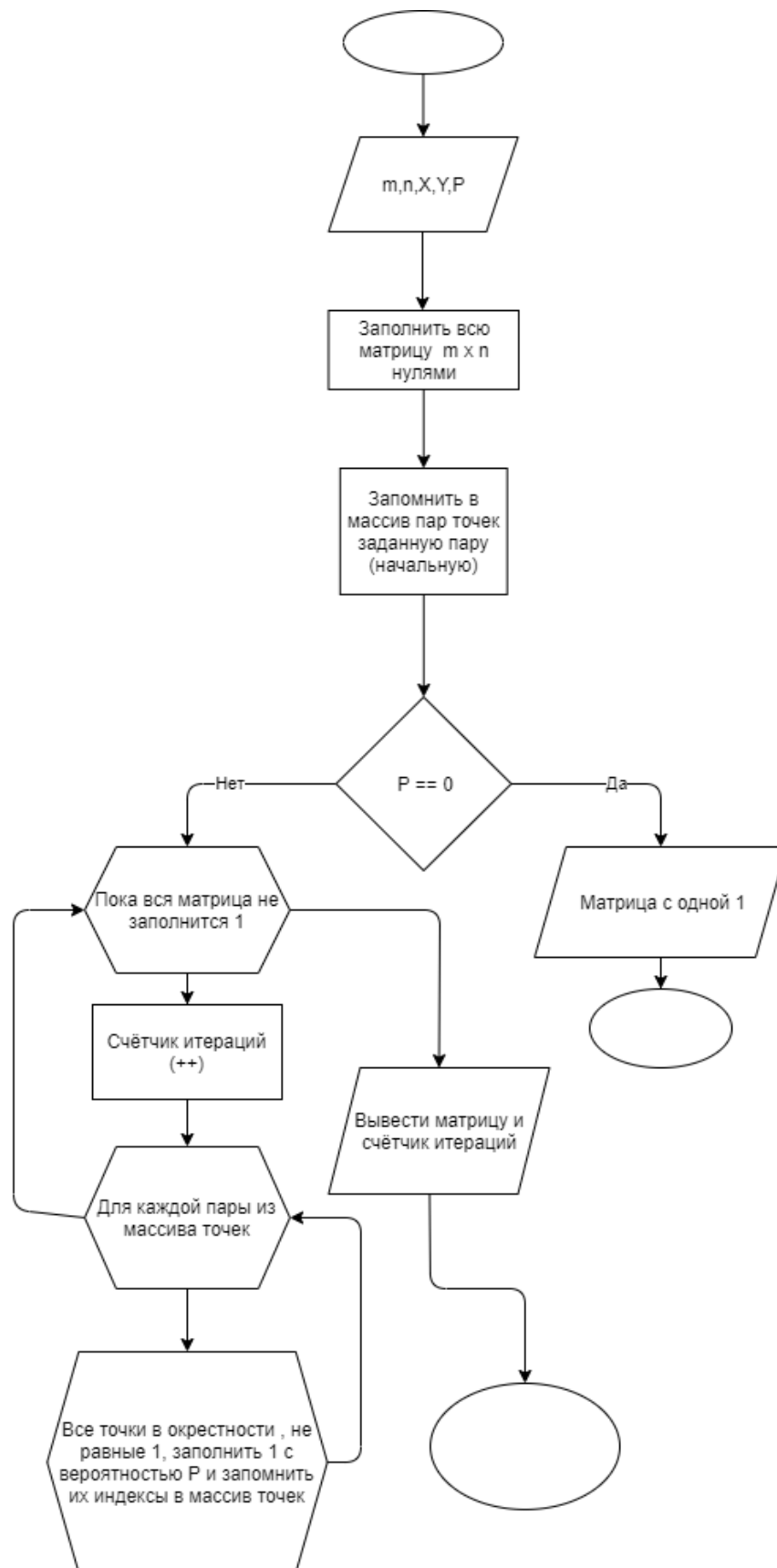
Оглавление

Описание алгоритма решения задачи.....	3
Блок-схема программы.....	4
Текст программы	5
Перечень ошибок при отладке программы.....	7
Тестовые примеры работы программы	8
Выводы	12

Описание алгоритма решения задачи

Создаётся массив пар, в который запоминаем индексы элементов матрицы, которые уже заполнили единицами. Затем, проходя каждую пару индексов, вокруг каждой точки проверяю остальные элементы. Если единица уже установлена в соседнем месте, то переходим к следующей соседней точке, до тех пор, пока не проверим все соседние места. Индексы элементов, которые заполнили единицами, запоминаем также в массив пар точек.

Блок-схема программы



Текст программы

```
#include <iostream>
using namespace std;
struct Pair
{
    int x;
    int y;
};
int main() {
    setlocale(LC_ALL, "Russian");
    int n; // m - строк , n - столбцов
    int m;
    int P;
    int i0, j0;
    cout << "Введите количество строк в массиве: ";
    cin >> m;
    cout << endl << "Введите количество столбцов в массиве: ";
    cin >> n;
    cout << endl << "Введите вероятность генерации новой бактерии в клетке: ";
    cin >> P;
    cout << endl << "Введите координаты изначальной бактерии: ";
    cin >> i0 >> j0;

    int **matrix = new int*[m];
    Pair *points = new Pair[m*n]; // points [0].x; points[0].y

    for (int i = 0; i < m; i++) {
        matrix[i] = new int[n];
    }
    for (int i = 0; i < m; i++) {
        for (int j = 0; j < n; j++, cout << "\t") {
            matrix[i][j] = 0;
            cout << matrix[i][j];
        }
        cout << endl;
    }
    cout << endl;
    int k = 1; // Следующая память под точку из массива
    int g = 0;
    int limit = 1;
    points[0].x = i0;
    points[0].y = j0;
    matrix[points[0].x][points[0].y] = 1;

    for (int i = 0; i < m; i++) {
        for (int j = 0; j < n; j++, cout << "\t") {
            cout << matrix[i][j];
        }
        cout << endl;
    }
    if (P == 0) {
        return 0;
    }
    int size = (m * n) - 1;
    int it = 0;
    while (size != 0) { // Заполнение матрицы
        it++;
        for (int pointer = 0 ; pointer < limit; pointer++ ) { // Проход по массиву
            i0 = points[pointer].x;
            j0 = points[pointer].y;
            for (int i = i0 - 1; i <= i0 + 1; ++i) { // Заполнение бактериями
```

точек

```

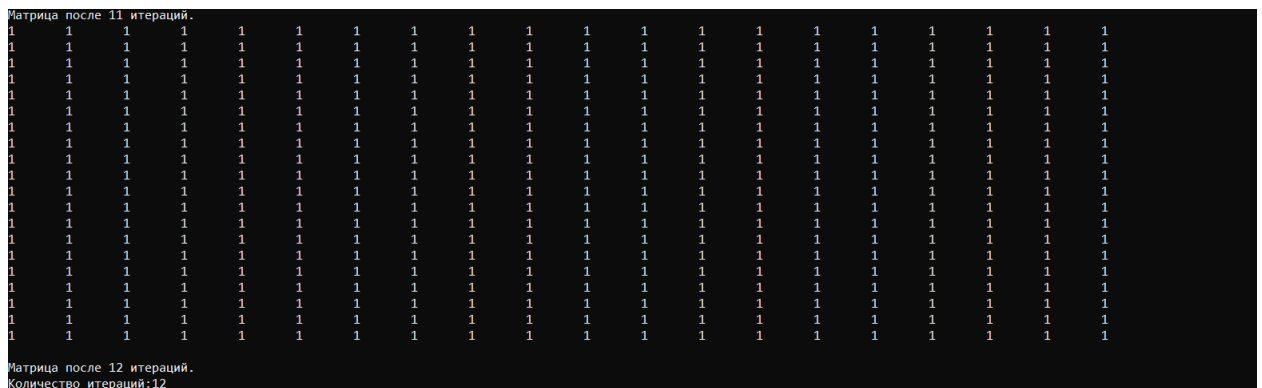
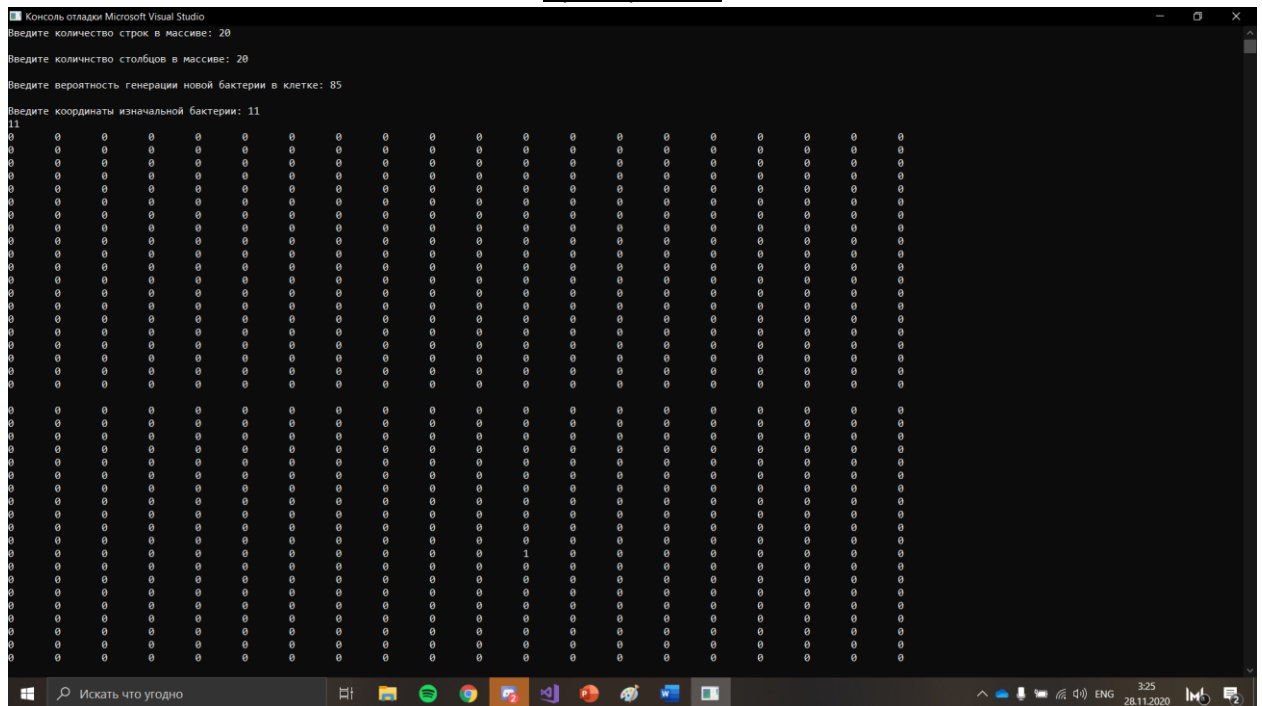
        for (int j = j0 - 1; j <= j0 + 1; ++j) {
            if ((0 <= i) && (i < m) && (0 <= j) && (j < n) && (i
!= i0 || j != j0)) {
                if (((rand() % 100) <= P) && (matrix[i][j] !=
1)) {
                    matrix[i][j] = 1;
                    size--;
                    points[k].x = i; // Запоминает точки,
заполненные единицами
                    points[k].y = j; // от 1 до p
                    k++;
                    g++;
                }
            }
        }
    }
    cout << endl;
    for (int i = 0; i < m; i++) {
        for (int j = 0; j < n; j++, cout << "\t") {
            cout << matrix[i][j];
        }
        cout << endl;
    }
    limit += g ;
    g = 0;
}
cout << endl << "Количество итераций:" << it;
return 0;
}

```

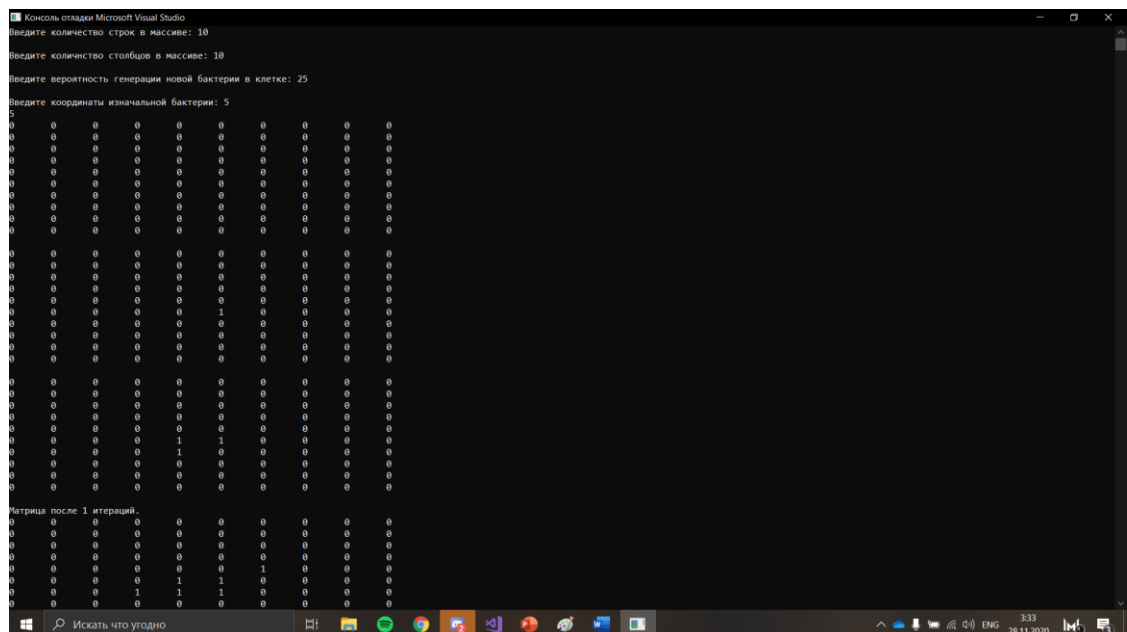
Перечень ошибок при отладке программы

1. При установление лимита неправильно записал суммирование (=+) , а не (+=) . Из- за этого цикл заполнения зацикливался.

Пример 20x20



Примеры 10x10




```

Введите количество строк в массиве: 10
Введите количество столбцов в массиве: 10
Введите вероятность генерации новой бактерии в клетке: 60
Введите координаты изначальной бактерии: 9
9
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0

0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 1 1

0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 1 0
0 0 0 0 0 0 0 0 1 1

Матрица после 1 итераций.
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
0 0 0 0 0 0 0 0 1 0

0 0 0 0 0 1 1 1 1 0
0 1 1 1 1 1 1 1 1 1
0 1 1 1 1 1 1 1 1 1
0 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
0 1 1 1 1 1 1 1 1 1
0 1 1 1 1 1 1 1 1 1
0 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1

Матрица после 9 итераций.
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
0 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1

Матрица после 10 итераций.
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
1 1 1 1 1 1 1 1 1 1

Матрица после 11 итераций.
Количество итераций:11

```

При фиксированных данных.

```
Консоль отладки Microsoft Visual Studio
Введите количество строк в массиве: 30
Введите количество столбцов в массиве: 30
Введите вероятность генерации новой бактерии в клетке: 60
Введите координаты изначальной бактерии: 15
15
```

№	Кол-во итераций
1	20
2	20
3	18
4	19
5	19
6	19
7	18
8	20
9	20
10	18
<it>=19	

```
Консоль отладки Microsoft Visual Studio
Введите количество строк в массиве: 10
Введите количество столбцов в массиве: 10
Введите вероятность генерации новой бактерии в клетке: 14
Введите координаты изначальной бактерии: 4
4
```

№	Кол-во итераций
1	15
2	20
3	16
4	18
5	20
6	18
7	18
8	18
9	16
10	18
11	15
12	18
13	18
14	20
15	19
<it>=18	

Выводы

В ходе этой работы я изучил динамические массивы и структуры, пронаблюдал особенность реализации `rand ()`, которая выдает одинаковые “псевдослучайные” числа для каждого запуска программы.

Из работы со статистикой я заключил, что при равномерном уменьшении вероятности количество итераций непропорционально увеличивается, из-за того, что “размножение” — это геометрическая прогрессия: более низкая вероятность является причиной увеличения итераций относительно более высоких вероятностей.