07B – Implementace CA pomocí Python+MPI Biologií inspirované počítače

Radim Kubiš

xkubis03@stud.fit.vutbr.cz

Vysoké učení technické v Brně Fakulta informačních technologií

10. května 2014

Zadání projektu

- Prostudovat možnosti knihovny mpi4py
- Implementovat pomocí knihovny mpi4py paralelní výpočet
 - Conwayovy hry Life
 - Alespoň jednoho vícestatového CA
- Provést sadu experimentů
 - Různá nastavení velikosti CA
 - Různé stupně paralelizace výpočtu
- Zhodnotit urychlení vůči sekvenčnímu výpočtu v Pythonu
- Posoudit
 - Výhody
 - Nevýhody
 - Použitelnost

Software a hardware

Použitý software a knihovny

- Python 3.4.0 (http://www.python.org/)
- NumPy 1.8.1 (http://www.numpy.org/)
- MPI4Py 1.3.1 (http://mpi4py.scipy.org/)

Testovací sestava

- 2× Intel® Xeon® E5430
 - Počet jader: 4 (8 celkem)
 - Frekvence: 2,66 GHz
- 16 GB DDR3 1333 MHz
- Fedora 18 (Spherical Cow, 64 bitů)

Implementované CA

Conwayova hra Life

2 stavy, 4 pravidla, Moorovo okolí



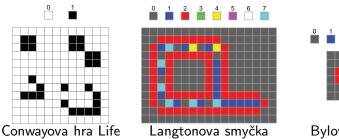


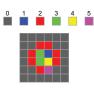
Langtonova smyčka

• 8 stavů, 219 pravidel (+ rotace), von Neumannovo okolí

Bylova smyčka

• 6 stavů, 145 pravidel (+ rotace), von Neumannovo okolí





Bylova smyčka

Metody výpočtu nových stavů

Ošetření hranic plochy CA

- Conwayova hra Life: propojení hranic
- Langtonova a Bylova smyčka: statický stav

Způsoby rozdělení plochy mezi procesory

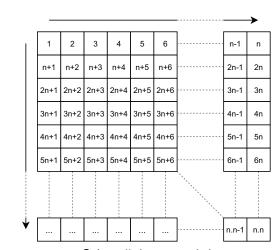
- Sekvenční zpracování
- Zpracování po jedné buňce
- Zpracování po jednom řádku
- Zpracování po bloku rozptýlených řádků
- Zpracování po souvislých blocích řádků

Paralelní zpracování využívá vždy 1 procesor jako řídící a ostatní procesory jako výpočetní.

Sekvenční zpracování

Algoritmus výpočtu

for s=1 to STEPS: for i=0 to N-1: for j=0 to N-1: CA2[i, j] = newVal(i, j)CA1. CA2 = CA2. CA1



Sekvenční zpracování

Zpracování po jedné buňce

Algoritmus řízení

```
for s=1 to STEPS:

broadcastSend(CA1)

for i=0 to (N\cdot N)-1:

CA2[i/N][i\%N] = recv(newCell)

CA1, CA2 = CA2, CA1
```

Algoritmus výpočtu

```
\begin{split} & \text{for s=1 to STEPS:} \\ & \text{myCA} = \text{broadcastReceive(CA1)} \\ & \text{i} = \text{rank-1} \\ & \text{while i} < (\text{N}\cdot\text{N}): \\ & \text{newCell} = \text{newVal(i/N, i\%N)} \\ & \text{send(newCell)} \end{split}
```

1	1	1	2	2	2	3	3		
3	4	4	4	5	5	5	6		
6	6	7	7	7	8	8	8		
9	9	9	10	10	10	11	11		
11	12	12	12	13	13	13	14		
14	14	15	15	15	16	16	16		
17	17	17	18	18	18	19	19		
19	20	20	20	21	21	21	22		

Zpracování po jedné buňce

i += shift

Zpracování po jednom řádku

Algoritmus řízení

```
for s=1 to STEPS:
  broadcastSend(CA1)
  for i=0 to N-1:
     CA2[i] = receive(newRow)
  CA1, CA2 = CA2, CA1
```

Algoritmus výpočtu

```
for s=1 to STEPS:

myCA = broadcastReceive(CA1)

i = rank-1

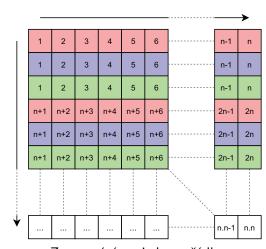
while i < N:

newRow = []

for j=0 to N-1:

newRow.add(newVal(i, j))

send(newRow)
```



Zpracování po jednom řádku

i += shift

Zpracování po bloku rozptýlených řádků

Algoritmus řízení

```
for s=1 to STEPS:

broadcastSend(CA1)

for p=1 to numberOfProcs:

CA3 = receive(myCA2)

i = p-1

while i < N:

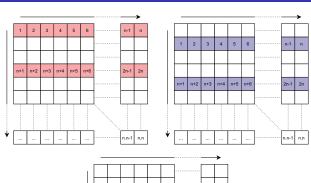
CA2[i] = CA3[i]

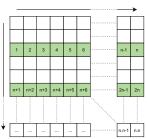
i + = shift

CA1. CA2 = CA2. CA1
```

Algoritmus výpočtu

```
\begin{aligned} & \text{for s=1 to STEPS:} \\ & \text{myCA1} = \text{broadcastReceive(CA1)} \\ & \text{i} = \text{rank-1} \\ & \text{while } i < \text{N:} \\ & \text{for } j{=}0 \text{ to N-1:} \\ & \text{myCA2[i, j]} = \text{newVal(i, j)} \\ & \text{i} + = \text{shift} \\ & \text{send(myCA2)} \end{aligned}
```



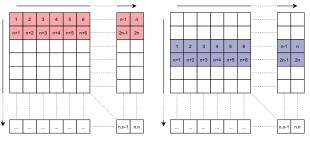


Zpracování po bloku rozptýlených řádků

Zpracování po souvislých blocích řádků

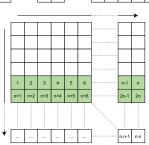
Algoritmus řízení

```
\begin{split} &\text{for s=1 to STEPS:} \\ &\text{broadcastSend(CA1)} \\ &\text{for p=1 to nOfProcs:} \\ &\text{iFr} = (p\text{-}1)\cdot(N/(\text{nOfProcs-}1)) \\ &\text{iTo} = p\cdot(N/(\text{nOfProcs-}1)) \\ &\text{CA2[iFr:iTo]} = \text{recv(myCA2[iFr:iTo])} \\ &\text{CA1, CA2} = \text{CA2, CA1} \end{split}
```



Algoritmus výpočtu

```
\begin{aligned} & \text{for s=1 to STEPS:} \\ & \text{myCA1} = \text{broadcastReceive(CA1)} \\ & i = i \text{Fr} \\ & \text{while } i < i \text{To:} \\ & \text{for } j = 0 \text{ to N-1:} \\ & \text{myCA2[i, j]} = \text{newVal(i, j)} \\ & i += 1 \\ & \text{send(myCA2[iFr:iTo])} \end{aligned}
```



Zpracování po souvislých blocích řádků

Testované rozměry a stupně paralelizace

Conwayova hra Life

10×10, 20×20, ..., 500×500 buněk (krok 10)

Langtonova a Bylova smyčka

• 35×35, 50×50, ..., 500×500 buněk (krok 15)

Sekvenční zpracování

Běh pouze na jednom jádře jednoho z procesorů

Paralelní zpracování

- 6, 8, 10, (12 a 14) paralelních procesů (MPI procesorů)
- K dispozici pouze 8 fyzických jader

Paralelní zpracování využívá vždy 1 procesor jako řídící a ostatní procesory jako výpočetní.

Způsob testování

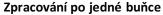
Počet testů

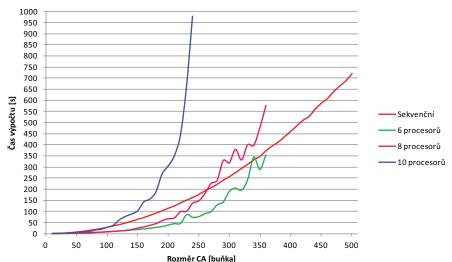
- Každá kombinace parametrů spuštěna 10krát
 [typ CA]×[rozměr]×[metoda výpočtu]×[stupeň paralelizace]
- V každém běhu proveden 100krát výpočet nových stavů celého CA

Měření délky trvání testu

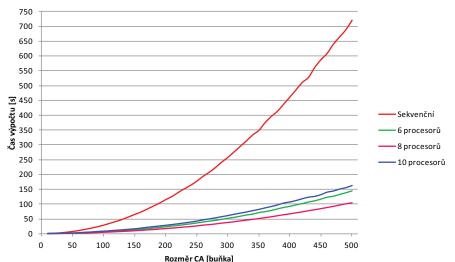
- Čas měřen pouze v řídícím procesu/procesoru
- Měření pomocí time.process_time() (sekvenční), time.time() (paralelní) a výpočet rozdílu dvou časů
- Délka běhu nezahrnuje inicializaci pole CA, pouze čas výpočtu

Výsledný čas jednoho testu je vypočten jako aritmetický průměr všech 10 časů změřených pro jednu kombinaci.

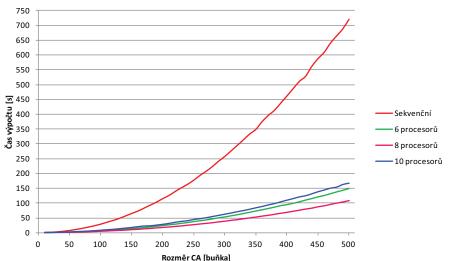




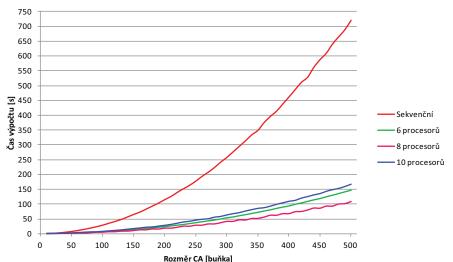
Zpracování po jednom řádku



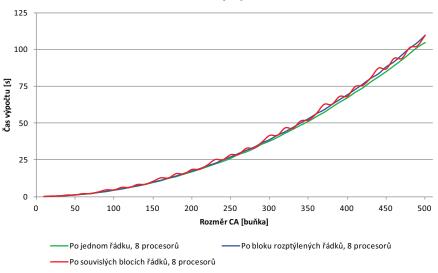




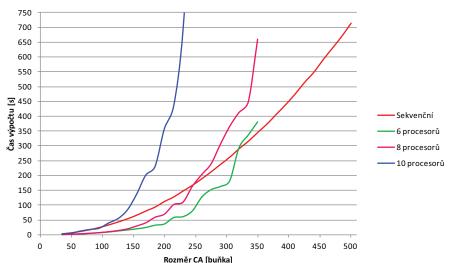




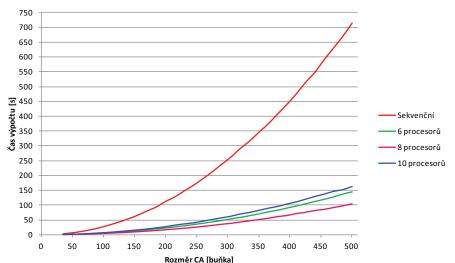
Porovnání tří nejlepších metod



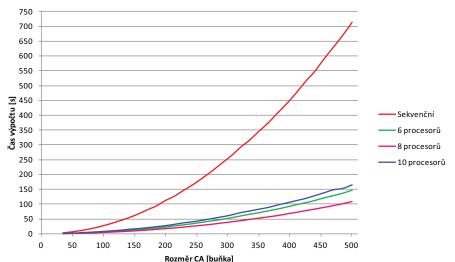
Zpracování po jedné buňce



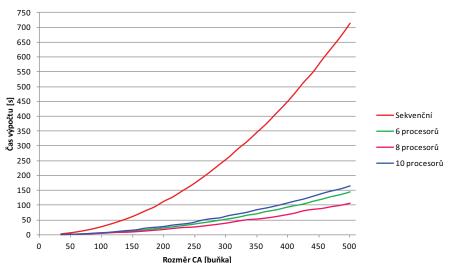
Zpracování po jednom řádku



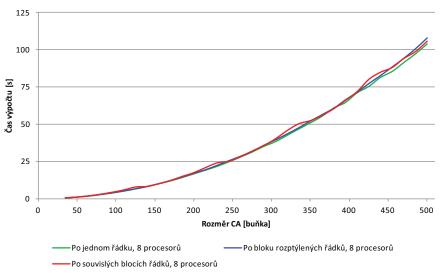
Zpracování po bloku rozptýlených řádků



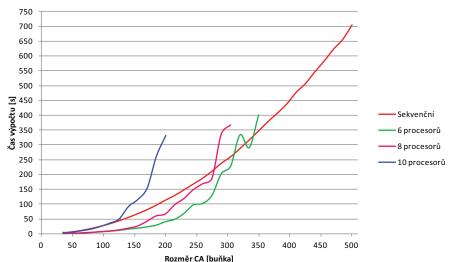
Zpracování po souvislých blocích řádků



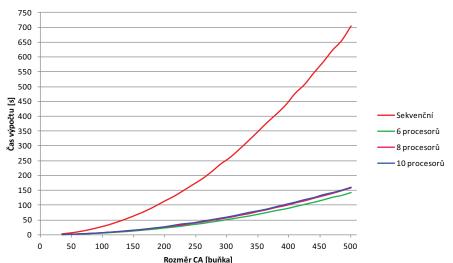
Porovnání tří nejlepších metod



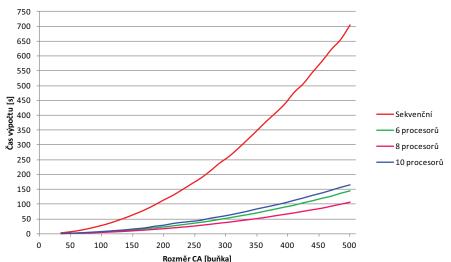




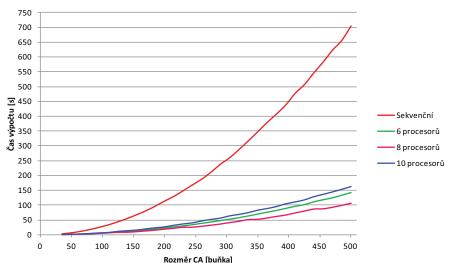
Zpracování po jednom řádku



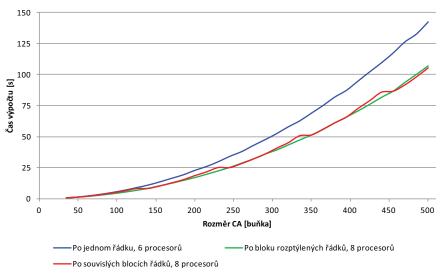
Zpracování po bloku rozptýlených řádků



Zpracování po souvislých blocích řádků



Porovnání tří nejlepších metod



Výsledky – Urychlení výpočtu

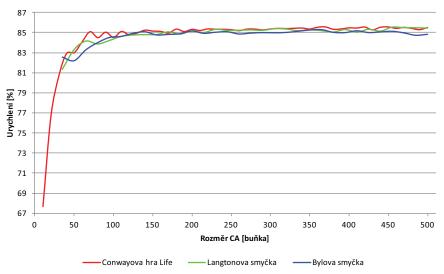
Porovnání časů sekvenčního zpracování a paralelního výpočtu nejrychlejší metodou vybraných rozměrů CA

	Conwayova hra Life		Langtonova smyčka		Bylova smyčka	
Rozměr CA	Sekvenční zpracování	Nejrychlejší metoda	Sekvenční zpracování	Nejrychlejší metoda	Sekvenční zpracování	Nejrychlejší metoda
50	7,146	1,214	6,597	1,100	6,948	1,239
100/95	28,442	4,403	24,538	3,869	25,553	3,962
150/155	64,708	9,605	65,988	10,014	67,843	10,347
200	114,744	16,838	112,517	16,652	113,852	16,919
250/245	177,173	26,059	167,268	24,706	168,442	25,153
300/305	257,556	37,680	262,234	38,262	260,326	39,137
350	348,958	51,086	345,886	50,888	347,596	51,297
400/395	461,903	67,083	439,837	64,549	437,860	65,765
450/455	588,048	84,857	590,735	85,324	581,944	86,603
500	721,227	104,498	714,156	103,784	703,930	106,915

Tabulka časů výpočtů pro vybrané rozměry CA-v sekundách, hra Life/Langtonova a Bylova smyčka.

Výsledky – Urychlení výpočtu

Porovnání urychlení jednotlivých CA



Závěr

Paralelním výpočtem nových stavů CA pomocí knihovny *mpi4py* dosáhneme cca **85%** zrychlení oproti sekvenčnímu zpracování, což je vynikající výsledek.

Výhody:

- + rychlá implementace v Pythonu,
- velké urychlení výpočtu.

Nevýhody:

- nárůst využitého paměťového prostoru,
- ?

Knihovna *mpi4py* je <u>použitelná</u> pro implementaci paralelních výpočtů nových stavů CA a lze ji pro tento účel rozhodně doporučit.