R 프로그래밍

환경생태데이터사이언스 실습 September 17, 2019

R의 특징

R 언어 프로그래밍 특징

- 1. 벡터 처리에 최적화
 - 내장 함수: sum(), mean(), lapply(), sapply() 등
- 2. 결측치 (NA) 고려
 - na.rm, na.omit, na.exclude, na.pass 등
- 3. 객체의 불변성
 - 객체가 수정되지 않고 각 원소가 변경될 때마다 새로운 객체를 생성하여 저장함
 - 메모리, 속도 문제
- 4. 많은 자료를 다루면서 순환문이 불가피할 때
 - Rcpp 사용 (C++ 코드를 R에서 구동)
- -> 할 수 있다면 내장 함수와 벡터 연산 권장

예시

##

##

user system elapsed

```
TestVector \leftarrow c(1:100000)
# Calculate the elapsed time for a code run: system.time()
system.time(TestCumSum <- cumsum(as.numeric(TestVector)))</pre>
##
      user system elapsed
##
     0.000 0.000 0.001
system.time( { TestSum <- numeric(length(TestVector))</pre>
                for(i in 1:length(TestVector)){
                if(i==1){
                     TestSum[1] <- TestVector[1]</pre>
                }else{
                     TestSum[i] <- TestSum[i-1] + TestVector[i]</pre>
                } } } )
```

4

오늘의 학습 내용

조건문과 반복문 그리고 함수



출처: Chris_moden, Car_conveyor via wikimedia commons

조건문과 반복문 그리고 함수



출처: TE connectivity

흐름 제어 (조건문과 반복문)

조건문

- 1. 조건에 따라 코드의 수행 여부를 결정.
 - 예) 입장객의 나이가 7살 미만이면 오른쪽으로 나이가 7살 이상이면 왼쪽으로 나가게 하세요.
- 2. R에서는 주로 if 혹은 ifelse 함수를 이용하여 조건문 처리
 - 복잡한 혹은 복합적인 조건문
 - if(condition){...TRUE...}else{...FALSE...}
 - 한 줄 정도로 표현되는 단순한 조건문
 - ifelse(condition, ...TRUE..., ...FALSE...)

```
Attendance <- sample(30, 20); Attendance
    [1] 8 7 3 9 19 14 1 17 21 12 16 13 24 2 26 15 4 28
##
## [19] 29 22
Direction <- character(20); Direction
##
## [19]
# if(condition){...TRUE...}else{...FALSE...}
for(i in 1:length(Attendance)){
    if(Attendance[i] < 7){</pre>
        Direction[i] <- "Right"</pre>
    }else{
        Direction[i] <- "Left"</pre>
    }
```

조건문 사용법

Direction

Direction ## [1] "Left" "Left" "Right" "Left" "Left" "Left" "Right" ## [8] "Left" "Left" "Left" "Left" "Left" "Left" "Right" ## [15] "Left" "Left" "Right" "Left" "Left" "Left" # ifelse(condition, ...TRUE..., ...FALSE...) for(i in 1:length(Attendance)){ Direction[i] <- ifelse(Attendance[i] < 7, "Right", "Left") }</pre>

```
## [1] "Left" "Left" "Right" "Left" "Left" "Left" "Right"
## [8] "Left" "Left" "Left" "Left" "Left" "Left" "Left" "Left" "Left" "Left"
```

다른 방법

```
# We can achieve our goal using the characteristics of vector
Direction[Attendance < 7] <- "Right"
Direction[Attendance >= 7] <- "Left"
Direction</pre>
```

```
## [1] "Left" "Left" "Right" "Left" "Left" "Left" "Right"
## [8] "Left" "Left" "Left" "Left" "Left" "Left" "Left" "Left" "Left"
```

```
# We can also achieve the goal using data frame
TestDf <- data.frame(Attendance, Direction)
TestDf$Direction <- "Left"
TestDf$Direction[TestDf$Attendance < 7] <- "Right"
TestDf$Direction</pre>
```

```
## [1] "Left" "Left" "Right" "Left" "Left" "Left" "Right"
## [8] "Left" "Left" "Left" "Left" "Left" "Left" "Right"
## [15] "Left" "Left" "Right" "Left" "Left" "Left"
```

반복문

- 1. 주어진 조건동안 블록 안의 명령을 반복적으로 수행
 - for, while, repreat
- 2. 가장 많이 이용되는 반복문은 for 이다.
 - 'for(i in data){codes that are represented by i}
- 3. 쓰기 전에 내장 함수 혹은 벡터 연산으로 처리 가능한지 확인.
 - 많은 양의 데이터를 다룰 때 속도가 굉장히 느려짐.
- 4. break: 반복문 종료
- 5. next : 현재 명령을 수행하지 않고 다음 반복 시작.

```
# For-loop
for( i in data)
    Commands represented by i
# while-loop
while(condition)
    Commands
# repreat-loop
repeat{
    Commands
```

반복문 예시 (for)

[1] 5050

```
# Print integer from 1 to 10
for( i in 1:3){
   print(i)
## [1] 1
## [1] 2
## [1] 3
# Calculate accumulated sum from 1 to 100.
CumSum <- 0 # Value initialization
for( i in 1:100)
   CumSum <- CumSum + i
CumSum
```

반복문 예시 (for)

```
# Print words in the character vector
TestSentence <- c("Team Team Class is Fun")
TestChar <- strsplit(TestSentence, " ")[[1]]</pre>
TestChar
## [1] "Team" "Team" "Class" "is" "Fun"
for( i in TestChar){
   print(i)
## [1] "Team"
## [1] "Team"
## [1] "Class"
## [1] "is"
## [1] "Fun"
```

반복문 예시 (while)

초등학교 입학 전까지 R 공부를 하지 않아도 된다고 말하는 코드를 작성해 봅시다.

[1] "You are only 0 years old. You don't need to study R."
[1] "You are only 1 years old. You don't need to study R."
[1] "You are only 2 years old. You don't need to study R."
[1] "You are only 3 years old. You don't need to study R."
[1] "You are only 4 years old. You don't need to study R."
[1] "You are only 5 years old. You don't need to study R."
[1] "You are only 6 years old. You don't need to study R."

반복문 예시 (repeat)

팀팀 클래스는 재밌다는 말을 다섯번 해봅시다.

```
count <- 0 # value initialization
repeat{
    count <- count + 1
    if(count > 5){break}
    print("Team-Team class is fun")
}
```

```
## [1] "Team-Team class is fun"
```

어떻게 하면 코드 순서만 바꿔서 6개의 문장을 만들 수 있을까요?

연산

수치 연산

▼ 표 3-4 수치 연산자와 함수

연산자와 함수	의미
+, -, *, /	사칙 연산
n %% m	n을 m으로 나눈 나머지
n %/% m	n을 m으로 나눈 몫
n^m	n의 m승
exp(n)	e의 n승
log(x, base=exp(1))	logbase(x). 만약 base가 지정되지 않으면 loge(x)를 계산
log2(x), log10(x)	각각 log2(x), log10(x)를 계산
sin(x), cos(x), tan(x)	삼각 함수

출처: 서명구 (2014). R을 이용한 데이터 처리 & 분석 실무. 길벗

수치 연산 예시

```
c(6+4, 6-4, 6/4, 4*2, 6\%4, 6\%/\%4)
## [1] 10.0 2.0 1.5 8.0 2.0 1.0
c(4^6, exp(4), log(4), log(4, base=6), log2(4), log10(4))
## [1] 4096.0000000 54.5981500 1.3862944 0.7737056
## [5] 2.0000000 0.6020600
c(\sin(4), \cos(4), \tan(4), \sin(pi/2), \cos(pi/2), \tan(pi/2))
## [1] -7.568025e-01 -6.536436e-01 1.157821e+00 1.000000e+00
## [5] 6.123234e-17 1.633124e+16
```

행렬 연산

▼ 표 2-16 행렬 연산자

연산자	의미
A + x	행렬 A의 모든 값에 스칼라 x를 더한다. 이외에도 -, *, / 연산자를 사용할 수 있다.
A + B	행렬 A와 행렬 B의 합을 구한다. 행렬 간의 차는 - 연산자를 사용한다.
A %*% B	행렬 A와 행렬 B의 곱을 구한다.

출처: 서명구 (2014). R을 이용한 데이터 처리 & 분석 실무. 길벗

행렬 및 벡터 연산 예시

```
TestVector <- c(1:3)
TestVector * TestVector
## [1] 1 4 9
TestVector %*% t(TestVector)
## [,1][,2][,3]
## [1,] 1 2 3
## [2,] 2 4 6
## [3,] 3 6 9
t(TestVector) %*% TestVector
## [,1]
## [1,] 14
```

NA의 연산

R에서 NA는 결측치를 의미하며 일반적으로 다른 숫자와 연사할 때 NA를 출력하다.

```
c(NA+1, NA/0, NA/NA, NA * 0, NA - NA, 1/0)
## [1] NA NA NA NA NA Inf
TestNA <- c(c(1:3), NA, c(3:6))
TestNA
## [1] 1 2 3 NA 3 4 5 6
c(sum(TestNA), sum(TestNA, na.rm=T),
 mean(TestNA), mean(TestNA, na.rm=T))
```

[1] NA 24.00000

NA 3.428571

NA의 처리

▼ **표 3-5** NA 처리 함수

함수	의미
na.fail(object,)	object에 NA가 포함되어 있으면 실패한다.
na.omit(object,)	object에 NA가 포함되어 있으면 이를 제외한다.
na.exclude(object,)	object에 NA가 포함되어 있으면 이를 제외한다는 점에서 na.omit 과 동일하다. 그러나 naresid, napredict를 사용하는 함수에서 N A로 제외한 행을 결과에 다시 추가한다는 점이 다르다.
na.pass(object,)	object에 NA가 포함되어 있더라도 통과시킨다.

출처: 서명구 (2014). R을 이용한 데이터 처리 & 분석 실무. 길벗

NA의 처리 예시

```
TestDf <- data.frame(c(1, 2, NA), c(1, NA, NA), c(3, NA, 5))
# na.fail(TestDf)
na.exclude(TestDf)
     c.1..2..NA. c.1..NA..NA. c.3..NA..5.
##
## 1
na.omit(TestDf)
##
     c.1..2..NA. c.1..NA..NA. c.3..NA..5.
## 1
                             1
na.pass(TestDf)
##
     c.1..2..NA. c.1..NA..NA. c.3..NA..5.
## 1
## 2
                            NA
                                        NΑ
## 3
              NA
                            NA
```

함수 (function)

함수의 정의

함수는 입력 인자들을 이용하여 새로운 결과 값을 계산하는 명령어들의 집합.

```
function_name <- function(parameter1, parameter2, ...){
   main process
   return(output)
}</pre>
```

```
Divider <- function(x, y){
    result <- x / y
    return(result)
}
c(Divider(3,5), Divider(y=5, x=3))</pre>
```

[1] 0.6 0.6

중첩 함수

[1] 0.024

중첩함수: 다른 함수를 포함하고 있는 함수

```
NestedFn 1 <- function(x){</pre>
    return(function(y){ return( x + y )})
g <- NestedFn 1(1)
g(2)
## [1] 3
NestedFn 2 <- function(x,y){</pre>
    z <- function(y){return(y^3)}</pre>
    return(x/z(y))
NestedFn_2(3,5)
```

29

함수 작성 예시 (큐 모듈 작성)

- 1. 큐 (Queue)는 먼저 들어온 데이터를 먼저 처리 (FIFO, First In First Out)하는 데 사용하는 자료 구조.
- 2. 큐는 다음 세 가지 함수로 구현한다.
 - Enqueue : 줄의 맨 뒤에 데이터를 추가한다.
 - Dequeue : 줄의 맨 앞에 있는 데이터를 가져온다. 가져온 데이터는 줄에서 빠지다.
 - Size : 줄의 길이, 즉 자료 구조 내에 저장된 데이터의 수를 반환한다.

함수 작성 예시 (큐 모듈 작성)

```
queue <- function(){
    q <- c(); qsize <- 0
    enqueue <- function(data){</pre>
        q <<- c(q, data)
        qsize <<- qsize + 1
        return(q)
    dequeue <- function(){</pre>
        first <- q[1]
        q <<- q[-1]
        qsize <<- qsize - 1
        return(first)
    size <- function(){return(qsize)}</pre>
    return(list(enqueue = enqueue, dequeue = dequeue, size = size))
```

함수 작성 예시 (큐 모듈 작성)

```
Testq <- queue()</pre>
Testq$enqueue(3)
## [1] 3
Testq$size()
## [1] 1
Testq$enqueue(5)
## [1] 3 5
Testq$dequeue()
## [1] 3
```

간단한 과제

큐 모듈을 적절히 변형하여 다음과 같은 생태계 지수를 계산할 수 있는 모형을 작성하세요.

- 1. 현재 생물 종과 각각의 종의 수를 입력하여 Shannon index 구하기.
- 2. 새로운 종이 들어왔을 때 각기 다른 생물 종의 숫자 (풍부도), Shannon index (다양성 지수)를 계산 및 출력.
- 3. 하나의 종이 사라졌을 때 생물 종의 숫자 (풍부도), Shannon index (다양성 지수)를 계산 및 출력.
- Shannon index (다양성): $S = -\sum_{i=1}^{R} p_i log(p_i)$
- Richness (풍부도): R