Ch3_environment_scoping

```
# 환경(Environment)
library(pryr)
parenvs(all = TRUE)
library(dplyr)
search()
# 환경 트리 구조 확인
parenvs(all=TRUE)
parent.env(globalenv())
as.environment("package:dplyr")
# 함수 범위(Scope) 및 실행 환경(Environment)
nums = 1:5
## 버전 1: 함수 내부에서 nums를 새로 정의
add_numbers = function()
 nums = 1:10
 sum_nums = sum(nums)
 return(list(value = sum_nums,
             runtime_env = environment(),
             parent_env = parent.env(environment()),
             objects_env = ls.str(environment())
 ))
}
add_numbers()
environment(add_numbers)
print(nums)
## 버전 2: 전역 환경의 nums를 사용하는 함수
add_numbers_2 = function()
 sum_nums = sum(nums)
 return(sum nums)
add_numbers_2()
## 버전 3: 인자로 받은 nums를 수정하여 반환
nums = 1:5
modify_nums = function(nums)
```

```
{
  nums = nums + 1
  return(nums)
}
nums = modify_nums(nums = nums)
nums
```

$Ch4_numerical_analysis$

```
# 정렬 알고리즘 1
selection_sort = function(vec)
 ## 길이가 n인 입력 벡터
 n = length(vec)
 for (i in 1:(n-1))
   min_index = i
   for (j in (i+1):n)
     if (vec[j] < vec[min_index])</pre>
       min_index = j
   }
   if (min_index != i)
     temp = vec[i]
     vec[i] = vec[min_index]
     vec[min_index] = temp
 }
 return(vec)
vec = c(6, 9, 2, 12, 7, 4)
sorted_vec = selection_sort(vec)
print(sorted_vec)
set.seed(123)
vec = runif(10)
print(vec)
print(selection_sort(vec))
vec = 3
sorted_vec = selection_sort(vec) ## 에러 발생
# 정렬 알고리즘 2
selection_sort = function(vec)
 ## 길이가 n인 입력 벡터
 n = length(vec)
 # 입력 벡터 길이가 1인 경우
 if (n < 2) return(vec)</pre>
```

```
for (i in 1:(n-1)) {
    min_index = i
    for (j in (i+1):n) {
     if (vec[j] < vec[min_index]) {</pre>
       min_index = j
    }
    if (min_index != i) {
     temp = vec[i]
     vec[i] = vec[min_index]
     vec[min_index] = temp
    }
  }
 return(vec)
set.seed(123)
vec = 3
print(selection_sort(vec))
# 가우스 소거법
gaussian_elimination = function(A, b)
 n = nrow(A)
  ## 전진 소거
  for (k in 1:(n-1))
   for (i in (k+1):n)
     factor = A[i, k] / A[k, k]
     A[i, k:n] = A[i, k:n] - factor * A[k, k:n]
      b[i] = b[i] - factor * b[k]
  }
  ## 후진 대입
  x = numeric(n)
  for (i in n:1)
    if (i < n)
      sum_ax = sum(A[i, (i+1):n] * x[(i+1):n])
      sum_ax = 0 ## 마지막 변수일 경우 sum_ax는 0
    x[i] = (b[i] - sum_ax) / A[i, i]
 return(x)
A = matrix(c(3, 1, 2,
```

```
2, -3, 4,
1, 2, -2),
nrow = 3, byrow = TRUE)
b = c(5, -3, 6)
solution = gaussian_elimination(A, b)
print(solution)
```

Ch5 examples

```
source("Ch5_modules.R")
# B-스플라인 기저 함수 시각화
## 3차 B-스플라인
degree = 3
## 예시 매듭점 (경계 반복 포함)
tiny = 1e-5
knots = c(rep(0 - tiny, degree), 0, 1, 2, 3, 4, rep(4 + tiny, degree))
## 입력 변수 x 생성
x_values = seq(0, 4, length.out = 200)
## 설계 행렬 생성
design_matrix = create_design_matrix(x_values, knots, degree)
## B-스플라인 기저 함수 시각화
matplot(x_values, design_matrix, type = "1", lty = 1,
       col = rainbow(ncol(design_matrix)),
       xlab = "x", ylab = "B-spline value",
       main = "Cubic B-splines")
# 스플라인 함수 시각화 예제
library(ggplot2)
set.seed(1)
## 임의의 계수 (-2에서 2 사이)
coefficients = runif(ncol(design_matrix), -2, 2)
## 스플라인 함수 계산 (기저 함수와 계수의 선형 결합)
spline_values = design_matrix %*% coefficients
## 데이터 프레임으로 변환
spline_data = data.frame(x = x_values, y = spline_values)
## 3차 B-스플라인 함수 시각화
ggplot(spline_data, aes(x = x, y = y)) +
 geom_line(color = "blue", linewidth = 1.2) +
 labs(title = "Cubic B-spline Function",
      x = "x", y = "Spline Value") +
 theme bw()
# 스플라인 회귀 적합 예제
```

```
set.seed(123)
n = 30
x_values = sort(runif(n, 0, 1))
y_values = sin(2 * pi * x_values) + cos(4 * pi * x_values) + rnorm(n, sd = 0.2)

degree = 3
num_knots = 5
tiny = 1e-5
knots = c(rep(0 - tiny, degree), seq(0, 1, length.out = num_knots), rep(1 + tiny, degree))

model = fit_spline(x_values, y_values, knots, degree)
grid_x = seq(min(x_values), max(x_values), length.out = 100)
plot_spline(x_values, y_values, model, grid_x)
```

Ch5 modules

```
# B-스플라인 기저 함수 값을 계산하는 함수
# b_spline(x, knots, degree, i)
# - x:입력 데이터(스칼라 값)
# - knots: B-스플라인 매듭점(벡터)
# - degree: B-스플라인의 차수(정수)
# - i:해당 기저 함수의 인덱스(정수)
# - 반환값:해당x에서의B-스플라인 기저 함수 값(스칼라 값)
b_spline = function(x, knots, degree, i) {
 # 0차 B-스플라인 기저함수의 경우 (구간별 상수 함수)
 if (degree == 0) {
   return(ifelse(knots[i] <= x & x < knots[i + 1], 1, 0))</pre>
 }
 # 재귀적인 경우 (차수 d > 0)
 B_i_d1 = b_spline(x, knots, degree - 1, i)
 B_i1_d1 = b_spline(x, knots, degree - 1, i + 1)
 denom1 = knots[i + degree] - knots[i]
 denom2 = knots[i + degree + 1] - knots[i + 1]
 term1 = if (denom1 == 0) 0 else
   ((x - knots[i]) / denom1) * B_i_d1
 term2 = if (denom2 == 0) 0 else
   ((knots[i + degree + 1] - x) / denom2) * B_i1_d1
 return(term1 + term2)
}
# 데이터를 기반으로 설계 행렬을 생성하는 함수
# create_design_matrix(x_values, knots, degree)
# - x_values: 입력 데이터 (벡터)
# - knots: B-스플라인 매듭점 (벡터)
# - degree: B-스플라인의 차수 (정수)
# - 반환값: B-스플라인 기저 함수로 구성된 설계 행렬 (행렬)
create_design_matrix = function(x_values, knots, degree)
```

```
n = length(x_values) # 샘플의 갯수
 num_basis = length(knots) - degree - 1 # 기저 함수의 갯수
 design_matrix = matrix(0, nrow = n, ncol = num_basis) # 설계 행렬 초기화
 for (j in 1:num_basis)
   for (i in 1:n)
     design_matrix[i, j] = b_spline(x_values[i], knots, degree, j)
 return(design_matrix)
# 최소제곱 추정법을 적용하여 회귀 계수를 계산하는 함수
# fit_spline(x_values, y_values, knots, degree)
# - x_values: 입력 데이터 (벡터)
# - y_values: 목표 값 (벡터)
# - knots: B-스플라인 매듭점 (벡터)
# - degree: B-스플라인의 차수 (정수)
# - 반환값: 회귀 계수 및 모델 정보 (리스트)
fit_spline = function(x_values, y_values, knots, degree)
 G = create_design_matrix(x_values, knots, degree)
 beta = solve(t(G) %*% G) %*% t(G) %*% y_values
 return(list(beta = beta, knots = knots, degree = degree))
}
# 새로운 데이터에 대한 예측을 수행하는 함수
# predict_spline(model, new_x)
# - model: fit_spline()으로 학습된 스플라인 모델 (리스트)
# - new_x: 예측을 수행할 x 값 (벡터)
# - 반환값: 예측된 y 값 (벡터)
predict_spline = function(model, new_x)
 G_new = create_design_matrix(new_x, model$knots, model$degree)
 y_pred = G_new %*% model$beta
 return(y_pred)
}
# 원래 데이터와 적합된 스플라인 회귀 곡선을 시각화하는 함수
# plot_spline(x_values, y_values, model, qrid_x)
# - x_values: 원본 데이터 (벡터)
# - y_values: 원본 데이터의 목표 값 (벡터)
# - model: fit_spline()으로 학습된 스플라인 모델 (리스트)
# - qrid_x: 예측할 x 값의 범위 (벡터)
```

```
# - 반환값: ggplot을 이용한 스플라인 회귀곡선 시각화 (플롯)
plot_spline = function(x_values, y_values, model, grid_x)
{
  y_pred = predict_spline(model, grid_x)
  data_plot = data.frame(x = x_values, y = y_values)
  spline_plot = data.frame(x = grid_x, y = y_pred)
  ggplot() +
    geom_point(data = data_plot, aes(x, y), color = "black") +
    geom_line(data = spline_plot, aes(x, y), color = "blue", linewidth = 1) +
    labs(title = "Fitted B-spline Regression", x = "x", y = "y") +
    xlim(c(min(x_values), max(x_values))) +
    theme_minimal()
}
```

Ch6 OOP

```
# 클래스와 속성
num_vec = 1:5
class(num_vec) = "new_class"
print(num_vec)
class(num_vec)
num_vec2 = structure(1:5, class = "new_class")
print(num_vec2)
df = data.frame(a = 1:4, b = 5:8)
class(df)
attributes(df)
names(df)
# 제너릭 함수
print
methods(print)[1:20]
print.data.frame(df)
print.data.frame
x = 1:5
class(x)
plot(x)
lm_fit = lm(log(mpg) ~ log(disp), data = mtcars)
class(lm fit)
plot(lm_fit)
# 제너릭 함수와 메서드의 구현
my_function = function(x) UseMethod("my_function")
my_function.default = function(x)
{
 cat("일반 객체입니다:", x, "\n")
my_function.person_info = function(x)
 cat("이름:", x$name, "나이:", x$age, "\n")
p = list(name = "Kwan-Young Bak", age = 35)
class(p) = "person_info"
```

```
my function (42)
my_function(p)
# 스플라인 기저 함수 플랏 메서드
## B-스플라인 기저 함수 값을 계산하는 함수
b_spline = function(x, knots, degree, i) {
 if (degree == 0) {
   return(ifelse(knots[i] <= x & x < knots[i + 1], 1, 0))</pre>
 }
 B_i_d1 = b_spline(x, knots, degree - 1, i)
 B_{i1}d1 = b_{spline}(x, knots, degree - 1, i + 1)
 denom1 = knots[i + degree] - knots[i]
 denom2 = knots[i + degree + 1] - knots[i + 1]
 term1 = if (denom1 == 0) 0 else
   ((x - knots[i]) / denom1) * B i d1
 term2 = if (denom2 == 0) 0 else
   ((knots[i + degree + 1] - x) / denom2) * B_i1_d1
 return(term1 + term2)
## 데이터를 기반으로 설계 행렬을 생성하는 함수 (basis 클래스 부여)
create_design_matrix = function(x_values, knots, degree) {
 n = length(x_values) # 데이터 포인트 갯수
 num_basis = length(knots) - degree - 1 # 기저 함수 갯수
 design_matrix = matrix(0, nrow = n, ncol = num_basis) # 설계 행렬 초기화
 for (j in 1:num_basis)
   for (i in 1:n)
     design_matrix[i, j] = b_spline(x_values[i], knots, degree, j)
 attr(design_matrix, "x_values") = x_values # 벡터 x 값 저장
 attr(design_matrix, "knots") = knots # 매듭점 시퀀스 저장
 attr(design_matrix, "degree") = degree # 스플라인 차수 저장
 class(design_matrix) = "basis" # "basis" 클래스 부여
 return(design_matrix)
}
## 원래 데이터와 적합된 스플라인 회귀 곡선을 시각화하는 함수 (S3 메서드 이용)
plot.basis = function(basis_obj, ...) {
 x_values = attr(basis_obj, "x_values")
 if (is.null(x_values))
   stop("x_values attribute is missing in the basis object.")
```

Ch7 debug

```
# 예제 함수
## 로지스틱 곡선 생성 함수
logistic = function(a)
 return(1 / (1 + exp(-a)))
## 가중 최소제곱법
wls = function(X, y, W = NULL)
 if (is.null(W))
   W = diag(1, length(y))
 return(solve(t(X) %*% W %*% X, t(X) %*% W %*% y))
## IRLS 알고리즘
glm_irls = function(X, y, max_iter = 1000, epsilon = 1e-8)
 p = ncol(X)
  beta_hat = beta_hat_old = rep(1, p)
  diff = 1
  iter = 1
  while((diff > epsilon) & (iter < max_iter))</pre>
    iter = iter + 1
   beta_hat_old = beta_hat
   y_hat = logistic(X %*% beta_hat)
   y_hat_prod = y_hat * (1 - y_hat)
   W = diag(as.vector(y_hat_prod))
    z = (y - y_{hat}) / y_{hat_prod}
    beta_hat = beta_hat + wls(X, z, W)
    diff = sum((beta_hat - beta_hat_old)^2)
  return(beta_hat)
## 데이터 생성
set.seed(923)
n = 1000
x1 = runif(n)
x2 = runif(n)
X = matrix(c(rep(1, n), x1, x2), nrow = n)
beta = c(1, 3, -2)
y = rbinom(n, size = 1, prob = logistic(X %*% beta))
## IRLS 추정치
```

```
beta_est = glm_irls(X, y)
as.vector(beta_est)
## glm() 함수를 이용한 적합
glm(y ~ x1 + x2, family = binomial())$coefficients
# traceback()을 사용한 디버깅
wls = function(X, y, W = NULL)
  if (is.null(W))
    W = diag(1, length(y))
 return(solve(t(X) %*% Wt %*% X, t(X) %*% Wt %*% y))
beta_est = glm_irls(X, y)
traceback()
# browser()를 사용한 디버깅
wls = function(X, y, W = NULL)
 if (is.null(W))
    W = diag(1, length(y))
 return(solve(t(X) %*% W %*% X, t(X) %*% W %*% y))
}
glm_irls = function(X, y, max_iter = 1000, epsilon = 1e-8)
  p = ncol(X)
  beta_hat = beta_hat_old = rep(1, p)
  browser() # 디버깅 모드 진입
  diff = 1
  iter = 1
  while((diff > epsilon) & (iter < max_iter))</pre>
   iter = iter + 1
   beta_hat_old = beta_hat
   y_hat = logistic(X %*% beta_hat)
   y_hat_prod = y_hat * (1 - y_hat)
   W = diag(as.vector(y_hat_prod))
   z = (y - y_hat) / y_hat_prod
    beta_hat = beta_hat + wls(X, z, W)
```

```
diff = sum((beta_hat - beta_hat_old)^2)
 }
 return(beta_hat)
glm_irls(X, y, max_iter = 2)
# debug()와 debugonce()를 사용한 디버깅
glm_irls = function(X, y, max_iter = 1000, epsilon = 1e-8)
{
 p = ncol(X)
 beta_hat = beta_hat_old = rep(1, p)
 diff = 1
 iter = 1
 while((diff > epsilon) & (iter < max_iter))</pre>
   iter = iter + 1
   beta_hat_old = beta_hat
   y_hat = logistic(X %*% beta_hat)
   y_hat_prod = y_hat * (1 - y_hat)
   W = diag(as.vector(y_hat_prod))
   z = (y - y_hat) / y_hat_prod
   beta_hat = beta_hat + wls(X, z, W)
   diff = sum((beta_hat - beta_hat_old)^2)
 return(beta_hat)
}
debug(glm_irls)
glm_irls(X, y, max_iter = 2)
undebug(glm_irls)
debugonce(glm_irls)
glm_irls(X, y, max_iter = 2) # 디버깅 모드 진입
glm_irls(X, y, max_iter = 2) # 디버깅 과정 없이 코드 실행
```

Ch8 python

```
library(reticulate)
#use_python("path") : 원하는 Python 경로 지정
#use_virtualenv("myenv") : Python 가상 환경을 사용
#use_condaenv("myenv") : Conda 가상 환경을 사용
use_virtualenv("r-reticulate")
py_install("numpy")
np = import("numpy")
np$arange(10)
# R과 Python을 연동하는 머신러닝 예제
## 데이터 불러오기
data("mtcars")
head(mtcars, 10)
## lm() 함수로 선형 회귀 적합
lm(mpg ~ ., data = mtcars)$coefficients
## Python의 sklearn.linear_model 모듈을 불러와서 R에서 적합
### 모듈 불러오기
skl_lr = import("sklearn.linear_model")
### 설명 변수와 반응 변수 설정
x = as.matrix(mtcars[, -1])
y = as.numeric(mtcars[, 1])
### 파이썬 객체(numpy 배열)로 변환
np = import("numpy")
pyx = np\$array(x)
pyy = np\$array(y)
### 선형 회귀 모델 생성
lr = skl_lr$LinearRegression()
lr$fit(pyx, pyy)
### 계수와 절편 저장 및 출력
coefficients = lr$coef
intercept = lr$intercept_
coefficients
cat("Intercept: ", intercept, "\n")
## py_run_string() 함수를 사용해 python 코드 직접 실행
### 설명 변수와 반응 변수 설정
x = as.matrix(mtcars[, -1])
```

```
y = as.numeric(mtcars[, 1])
### 파이썬 객체(numpy 배열)로 변환
np = import("numpy")
pyx = np\$array(x)
pyy = np\$array(y)
### 파이썬 코드 문자열 생성
python_code = "
from sklearn.linear_model import LinearRegression
# 데이터 준비
X = r.pyx
y = r.pyy
# 모델 생성 및 학습
lr = LinearRegression()
lr.fit(X, y)
# 계수와 절편 추출
coefficients = lr.coef_
intercept = lr.intercept_
# 결과 출력
print('Coefficients:', coefficients)
print('Intercept:', intercept)
### 파이썬 코드 실행
py_run_string(python_code)
```

Ch8_rcpp

```
library(Rcpp)

# cppFunction()을 사용하여 C++ 코드 실행
cppFunction('
int add(int x, int y)
{
return x + y;
}')
add(2, 3)

# sourceCpp() 함수를 이용하여 .cpp 파일 실행
sourceCpp("my_code.cpp") ## 필요한 경우 .cpp 파일 경로 설정
multiply(3, 4)

# Rcpp 코드 디버깅
add(3, 4)
```

```
# 유클리드 거리 함수 예제
## R 코드
euclidean_distance_r = function(mat)
 n = nrow(mat)
 dist_mat = matrix(0, n, n)
 for (i in 1:n)
   for (j in 1:n)
     dist_mat[i, j] = sqrt(sum((mat[i, ] - mat[j, ])^2))
 return(dist_mat)
## cpp 코드
cppFunction('
NumericMatrix euclidean_distance_cpp(NumericMatrix mat) {
int n = mat.nrow();
int d = mat.ncol();
NumericMatrix dist mat(n, n);
for (int i = 0; i < n; i++) {
for (int j = 0; j < n; j++) {
double sum_sq = 0.0;
for (int k = 0; k < d; k++) {
sum_sq += pow(mat(i, k) - mat(j, k), 2);
dist_mat(i, j) = sqrt(sum_sq);
}
}
return dist_mat;
')
## 데이터 생성
set.seed(923)
mat = matrix(runif(300 * 10), nrow = 300, ncol = 10)
## 두 함수 비교
dist_mat1 = euclidean_distance_r(mat)
dist_mat2 = euclidean_distance_cpp(mat)
dist_mat1[1:5, 1:5]
dist_mat2[1:5, 1:5]
## microbenchmark()를 이용한 성능 평가 (계산 시간 비교)
library(microbenchmark)
benchmark_results = microbenchmark(
```

```
R = euclidean_distance_r(mat),
Rcpp = euclidean_distance_cpp(mat),
times = 100
)
print(benchmark_results)
```

Ch14 R basics

```
{\it \#install.packages(c("ggplot2", "palmerpenguins"))}
# 경로 관리
getwd()
# R 객체
## 벡터
### 수치형 벡터
odd = c(1, 3, 5, 7, 9)
odd
typeof(odd)
odd_L = c(1L, 3L, 5L, 7L, 9L)
odd L
typeof(odd_L)
### 문자형 벡터
txt = c("Advanced", "R", "Book")
txt
typeof(txt)
### 논리형 벡터
3.14 > 3
logic = c(FALSE, TRUE)
logic
typeof(logic)
## 행렬
vec = c(1:10)
mat = matrix(vec, nrow = 2, ncol = 5)
mat
mat1 = matrix(vec, nrow = 2, ncol = 5, byrow = TRUE)
mat1
## 배열
arr = array(1:30, dim = c(3, 5, 2))
arr
## 리스트
lst = list(name = "Alice",
```

```
age = 25,
          subject = c("math", "science", "english"),
          score = matrix(c(90, 85, 88, 75, 83, 90),
                        nrow = 2,
                        dimnames = list(c("Midterm", "Final"),
                                       c("math", "science", "english"))))
lst
## 데이터 프레임
df = data.frame(Name = c("Alice", "Bob", "Charlie"),
              Age = c(25, 30, 35),
              Score = c(90, 93, 88))
df
df$Age # Age 열에 접근
df[[2]] #두 번째 열에 접근
df[1, ] # 첫 번째 행에 접근
df[2, 1] # 두 번째 행, 첫 번째 열에 접근
# 반복문과 조건문
## 반복문 기초 문법
for (i in 1:5)
print(i)
for (string in c("advanced", "R", "book", "study"))
print(string)
i = 1
while (i <= 5)
print(i)
i = i + 1
num = -5
if (num > 0)
{
```

```
print("positive")
} else if (num < 0)</pre>
  print("negative")
} else
 print("zero")
## 조건문 기초 문법
num = -5
if (num > 0)
{
print("positive")
} else if (num < 0)</pre>
 print("negative")
} else
{
 print("zero")
## 함수 정의 및 호출
add_numbers = function(x, y) ### 함수 정의
{
 sum = x + y
 return(sum)
result = add_numbers(3, 5) ### 함수 호출
print(result)
greet = function(name = "사용자") ### 함수 정의
 return(paste("안녕하세요,", name, "!"))
greet() ### 함수 호출
greet("철수")
```