

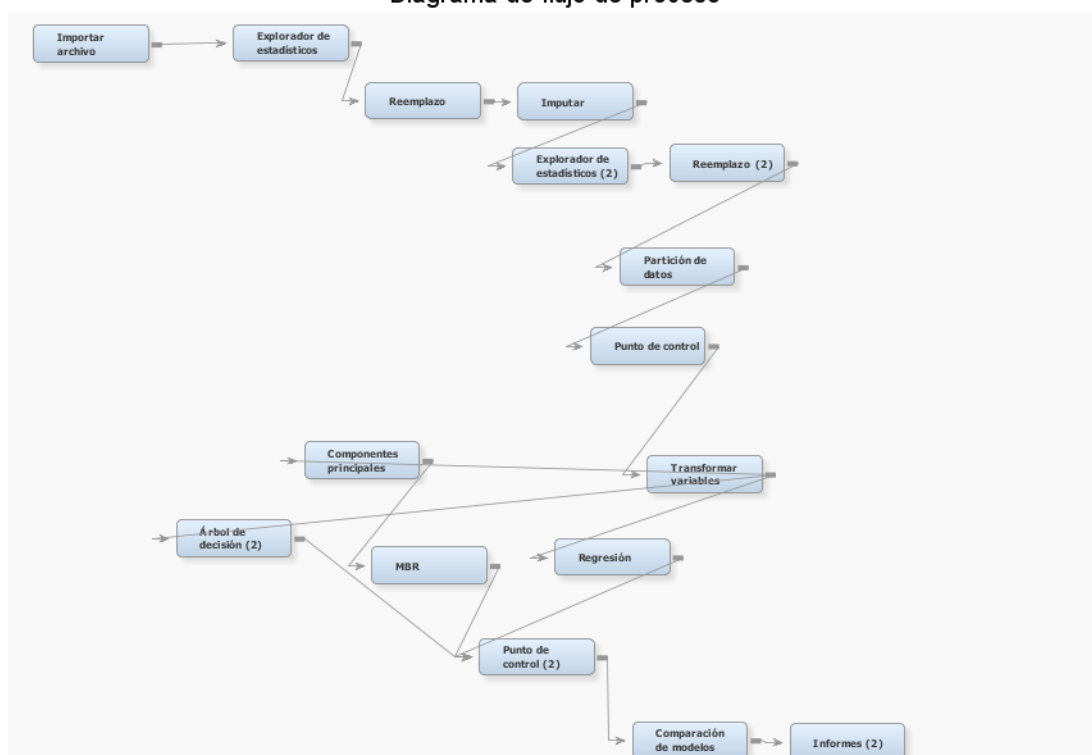
Informe SAS Enterprise Miner

Usuario =LENOVO
 Fecha = 01:29:52 13-12-21
 Proyecto =Final_Finolb
 Diagrama =test

Nodo de inicio =Report2
 Etiqueta de nodo = Informes (2)
 Nodos =PATH
 Mostrar todo = N

Formato =PDF
 Estilo =LISTING

Informe SAS Enterprise Miner Diagrama de flujo de proceso



Informe SAS Enterprise Miner

Nodo=Importar archivo
Sumarización

Id de nodo = FIMPORT
Etiqueta de nodo = Importar archivo
Ruta meta = FIMPORT
Notas =

Nodo=Importar archivo
Propiedades

Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado
Component	FileImport		GuessRows	500		NameRow	Y	
AccessTable	NoTableName		IFileName	C:\Users\LENOVO\Desktop\Final BAN 210\Test.xlsx		Password	NoPassword	
AdvancedAdvisor	N		ImportType	Local	LOCAL	Role	TRAIN	
Delimiter	,		MaxCols	10000		SkipRows	0	
FileType	xlsx	XLS	MaxRows	1000000		Summarize	N	

Nodo=Importar archivo
Atributos de datos

Atributo	Valor	Atributo	Valor	Atributo	Valor
Nombre de los datos	FIMPORT_DATA	Fecha de creación	12-12-2021 15:37:57	Tamaño de los datos	66560
Tipo de datos	DATA	Fecha de modificación	12-12-2021 15:37:57	Rol	TRAIN
Etiqueta de datos		Filas de número	768	Segmento	
Engine	V9	Número de columnas	9	Librería de datos	EMWS1

Nodo=Importar archivo
Lista de variables

Nombre	Etiqueta	Rol	Nivel	Tipo	Longitud	Formato	Creador
Age	Age	INPUT	INTERVAL	N	8	BEST.	
BMI	BMI	INPUT	INTERVAL	N	8	BEST.	
BloodPressure	BloodPressure	INPUT	INTERVAL	N	8	BEST.	
DiabetesPedigreeFunction	DiabetesPedigreeFunction	INPUT	INTERVAL	N	8	BEST.	
Glucose	Glucose	INPUT	INTERVAL	N	8	BEST.	
Insulin	Insulin	INPUT	NOMINAL	C	4	\$4.	
Outcome	Outcome	TARGET	BINARY	C	1	\$1.	
Pregnancies	Pregnancies	INPUT	INTERVAL	N	8	BEST.	
SkinThickness	SkinThickness	INPUT	INTERVAL	N	8	BEST.	

Nodo=Importar archivo
Lista de variables creadas

Informe SAS Enterprise Miner

Nodo=Explorador de estadísticos
Sumarización

Id de nodo = Stat
Etiqueta de nodo = Explorador de estadísticos
Ruta meta = FIMPORT => Stat
Notas =

Nodo=Explorador de estadísticos
Propiedades

Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado
Component	StatExplore		Correlation	Y		NObs	100000	1000000
BySegment	N	Y	DropRejected	Y		Pearson	Y	
ChiSquare	Y		HideVariable	Y		Spearman	N	
ChiSquareInterval	Y	N	IntervalDistribution	Y		UseScore	N	
ChiSquareIntervalNBins	5		LevelSummary	Y		UseTest	N	
ClassDistribution	Y		MaximumVars	1000		UseValidate	N	

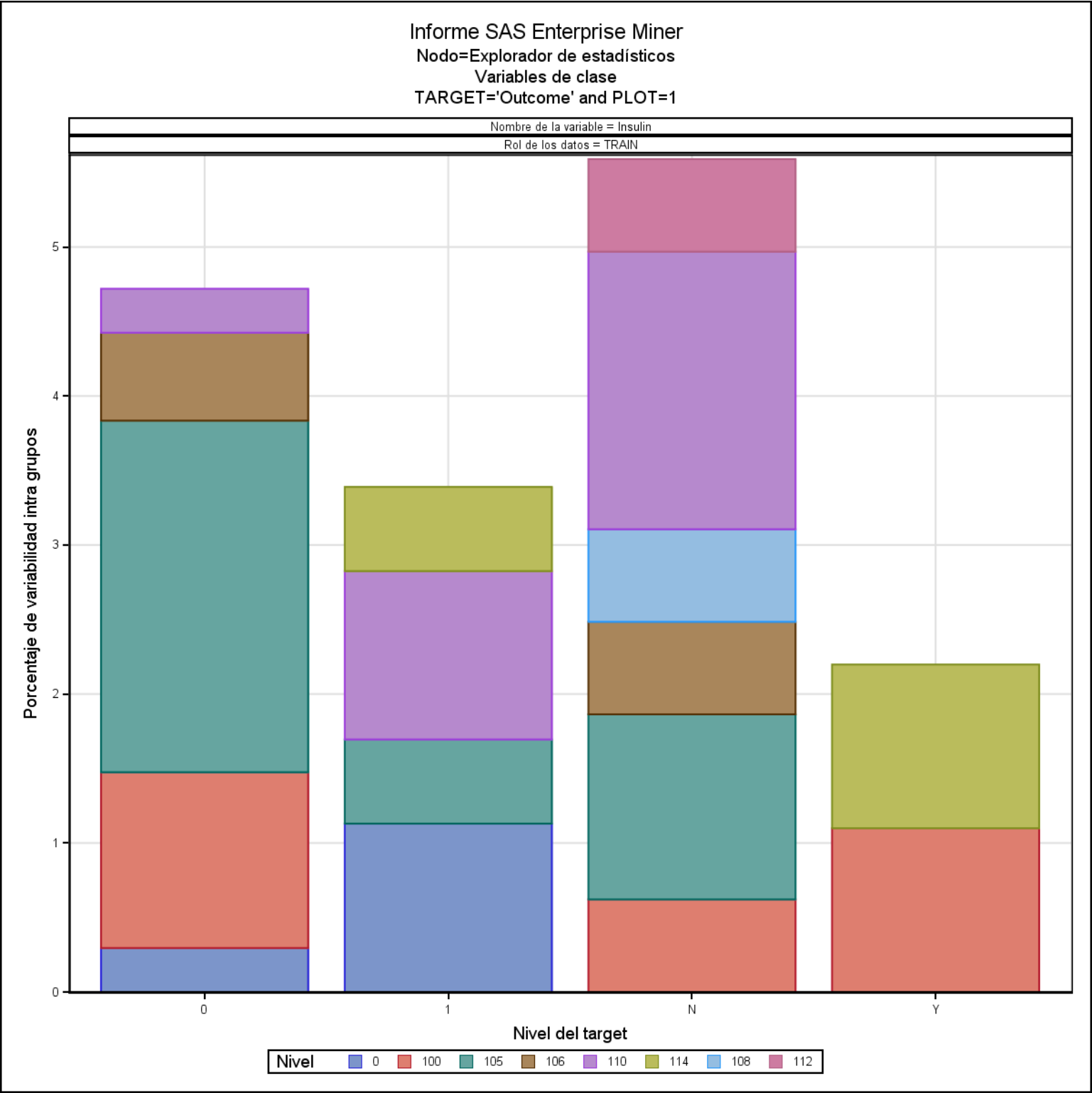
Nodo=Explorador de estadísticos
Resumen de variables

Rol	Nivel	Número de ocurrencias	Nombre
INPUT	INTERVAL	7	Age BMI BloodPressure DiabetesPedigreeFunction Glucose Pregnancies SkinThickness
INPUT	NOMINAL	1	Insulin

Target	Variable	Importancia	Valor	Variable de análisis	Etiqueta	plot
Outcome	Glucose	1	0.060912	1	Glucose	.
Outcome	Age	2	0.038174	1	Age	.
Outcome	BMI	3	0.032444	1	BMI	.
Outcome	SkinThickness	4	0.022092	1	SkinThickness	.
Outcome	Pregnancies	5	0.021146	1	Pregnancies	.
Outcome	DiabetesPedigreeFunction	6	0.020841	1	DiabetesPedigreeFunction	.
Outcome	Insulin	7	0.012871	1	Insulin	.
Outcome	BloodPressure	8	0.011890	1	BloodPressure	.

Rol de los datos	Segmento	Id de segmento	Nombre del segmento:valor	Target	Input	V de Cramer	Prob	Chi-cuadrado	Df	Rol
TRAIN			_OVERALL_	Outcome	Insulin	0.50981	0.0582	598.8219	546	INPUT
TRAIN			_OVERALL_	Outcome	Glucose	0.26963	<.0001	167.5036	15	INPUT
TRAIN			_OVERALL_	Outcome	BMI	0.18326	<.0001	77.3752	15	INPUT
TRAIN			_OVERALL_	Outcome	Pregnancies	0.16378	<.0001	61.8019	15	INPUT
TRAIN			_OVERALL_	Outcome	Age	0.15464	<.0001	55.0933	15	INPUT
TRAIN			_OVERALL_	Outcome	DiabetesPedigreeFunction	0.12548	0.0016	36.2776	15	INPUT
TRAIN			_OVERALL_	Outcome	SkinThickness	0.11574	0.0092	30.8644	15	INPUT
TRAIN			_OVERALL_	Outcome	BloodPressure	0.11255	0.0152	29.1872	15	INPUT

Etiqueta	Inputs ordenados	Grupo	Gráfico
Insulin	1	1	1
Glucose	2	2	1
BMI	3	3	1
Pregnancies	4	4	1
Age	5	5	1
DiabetesPedigreeFunction	6	6	1
SkinThickness	7	7	1
BloodPressure	8	8	1



Informe SAS Enterprise Miner

Nodo=Reemplazo
Sumarización

Id de nodo = Repl
Etiqueta de nodo = Reemplazo
Ruta meta = FIMPORT => Stat => Repl
Notas =

Nodo=Reemplazo
Propiedades

Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado
Component	Replace		IntervalMethod	NONE		SpacingsCutoff	9.0	9
CalcMethod	STDDEV		MADSCutoff	9.0	9	StddevCutoff	3.0	3
CountReport	Y		PercentsCutoff	0.5		UnknownLevel	NONE	MODE
HideVariable	N		ReplaceMethod	MISSING	COMPUTED			

Nodo=Reemplazo
Resumen de variables

Rol	Nivel	Número de ocurrencias	Nombre
INPUT	INTERVAL	7	Age BMI BloodPressure DiabetesPedigreeFunction Glucose Pregnancies SkinThickness
INPUT	NOMINAL	1	Insulin

Nodo=Reemplazo
Variables de intervalo

Variable	Variable de reemplazo	Límite inferior	Límite superior	Etiqueta	Método de límites	Método de reemplaza	Valor de reemplazo inferior	Valor de reemplazo superior
Age	REP_Age	-14.2504	82.468	Age	STDDEV	MISSING	.	.
BMI	REP_BMI	8.2234	55.736	BMI	STDDEV	MISSING	.	.
BloodPressure	REP_BloodPressure	10.5201	127.496	BloodPressure	STDDEV	MISSING	.	.
DiabetesPedigreeFunction	REP_DiabetesPedigreeFunction	-0.5224	1.468	DiabetesPedigreeFunction	STDDEV	MISSING	.	.
Glucose	REP_Glucose	25.8276	216.476	Glucose	STDDEV	MISSING	.	.
Pregnancies	REP_Pregnancies	-6.2833	13.933	Pregnancies	STDDEV	MISSING	.	.
SkinThickness	REP_SkinThickness	-26.7812	68.479	SkinThickness	STDDEV	MISSING	.	.

Nodo=Reemplazo
Cuentas de reemplazo total

Variable	Etiqueta	Rol	Entrenamiento
Age	Age	INPUT	4
BMI	BMI	INPUT	14
BloodPressure	BloodPressure	INPUT	35
DiabetesPedigreeFunction	DiabetesPedigreeFunction	INPUT	11
Glucose	Glucose	INPUT	4
Pregnancies	Pregnancies	INPUT	4
SkinThickness	SkinThickness	INPUT	1

Informe SAS Enterprise Miner

Nodo=Imputar
Sumarización

Id de nodo = Impt
Etiqueta de nodo = Imputar
Ruta meta = FIMPORT => Stat => Repl => Impt
Notas =

Nodo=Imputar
Propiedades

Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado
Component	Impute		IndicatorRole	INPUT	REJECTED	MinCatSize	5	
ABWTuning	9		IndicatorSource	IMPUTED		Normalize	Y	
AHUBERTuning	1.5		LeafSize	5		Nrules	5	
AWAVETuning	6.2831853072		MaxPctMissing	50		Nsurrs	2	
DefaultChar			Maxbranch	2		RandomSeed	12345	
DefaultNum	.		Maxdepth	6		ReplaceVariable	N	
DistributionMissing	N		MethodClass	COUNT		SpacingProportion	90	
HideVariable	Y		MethodInterval	MEAN		Splitsize	.	
ImputeNoMissing	N		MethodTargetClass	NONE		ValidateTestMissing	N	
Indicator	UNIQUE	NONE	MethodTargetInterval	NONE				

Nodo=Imputar
Resumen de variables

Rol	Nivel	Número de ocurrencias	Nombre
INPUT	INTERVAL	7	REP_Age REP_BMI REP_BloodPressure REP_DiabetesPedigreeFunction REP_Glucose REP_Pregnancies REP_SkinThickness
INPUT	NOMINAL	1	Insulin

Nodo=Imputar
Resumen de imputación

Nombre de la variable	Imputar método	Variable imputada	Variable de indicador	Variable imputada	Rol	Nivel de medida	Etiqueta	Número de ausentes para TRAIN
Insulin	COUNT	IMP_Insulin	M_Insulin	Zero	INPUT	NOMINAL	Insulin	51
REP_Age	MEAN	IMP_REP_Age	M_REP_Age	33.304347826	INPUT	INTERVAL	Replacement: Age	55
REP_BMI	MEAN	IMP_REP_BMI	M_REP_BMI	32.34659249	INPUT	INTERVAL	Replacement: BMI	49
REP_BloodPressure	MEAN	IMP_REP_BloodPressure	M_REP_BloodPressure	72.463519313	INPUT	INTERVAL	Replacement: BloodPressure	69
REP_DiabetesPedigreeFunction	MEAN	IMP_REP_DiabetesPedigreeFunction	M_REP_DiabetesPedigreeFunction	0.4505927476	INPUT	INTERVAL	Replacement: DiabetesPedigreeFunction	51
REP_Glucose	MEAN	IMP_REP_Glucose	M_REP_Glucose	121.81955923	INPUT	INTERVAL	Replacement: Glucose	42
REP_Pregnancies	MEAN	IMP_REP_Pregnancies	M_REP_Pregnancies	3.7634112792	INPUT	INTERVAL	Replacement: Pregnancies	41
REP_SkinThickness	MEAN	IMP_REP_SkinThickness	M_REP_SkinThickness	20.742155525	INPUT	INTERVAL	Replacement: SkinThickness	35

Informe SAS Enterprise Miner

Nodo=Explorador de estadísticos (2)
Sumarización

Id de nodo = Stat2
Etiqueta de nodo = Explorador de estadísticos (2)
Ruta meta = FIMPORT => Stat => Repl => Impt => Stat2
Notas =

Nodo=Explorador de estadísticos (2)
Propiedades

Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado
Component	StatExplore		Correlation	Y		NObs	100000	1000000
BySegment	N	Y	DropRejected	Y		Pearson	Y	
ChiSquare	Y		HideVariable	Y		Spearman	N	
ChiSquareInterval	N		IntervalDistribution	Y		UseScore	N	
ChiSquareIntervalNBins	5		LevelSummary	Y		UseTest	N	
ClassDistribution	Y		MaximumVars	1000		UseValidate	N	

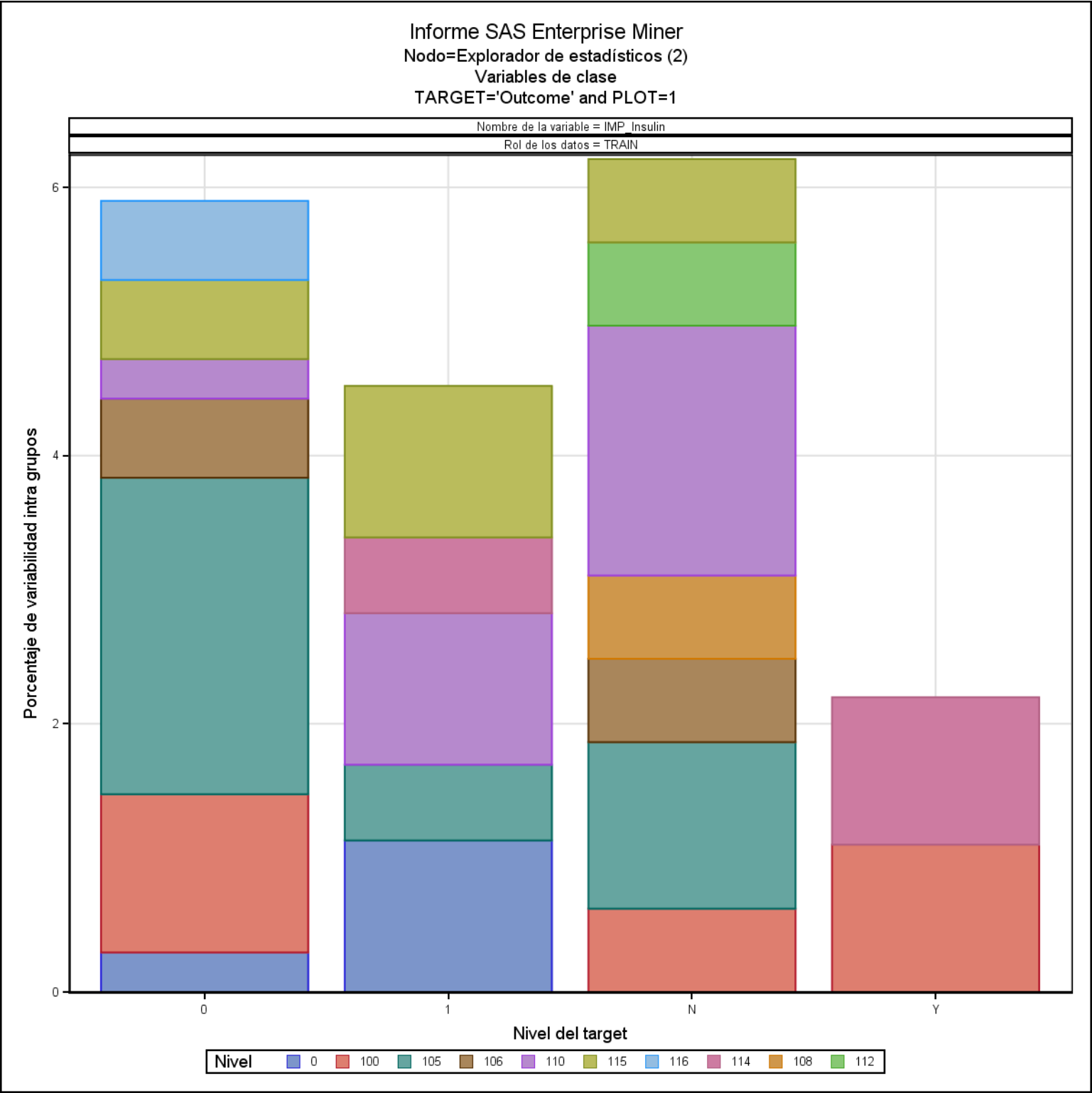
Nodo=Explorador de estadísticos (2)
Resumen de variables

Rol	Nivel	Número de ocurrencias	Nombre
INPUT	BINARY	8	M_Insulin M_REP_Age M_REP_BMI M_REP_BloodPressure M_REP_DiabetesPedigreeFunction M_REP_Glucose M_REP_Pregnancies M_REP_SkinThickness
INPUT	INTERVAL	7	IMP_REP_Age IMP_REP_BMI IMP_REP_BloodPressure IMP_REP_DiabetesPedigreeFunction IMP_REP_Glucose IMP_REP_Pregnancies IMP_REP_SkinThickness
INPUT	NOMINAL	1	IMP_Insulin

Target	Variable	Importancia	Valor	Variable de análisis	Etiqueta	plot
Outcome	IMP_REP_Glucose	1	0.062236	1	Imputed: Replacement: Glucose	.
Outcome	IMP_REP_Age	2	0.037092	1	Imputed: Replacement: Age	.
Outcome	IMP_REP_BMI	3	0.032962	1	Imputed: Replacement: BMI	.
Outcome	IMP_REP_DiabetesPedigreeFunction	4	0.021048	1	Imputed: Replacement: DiabetesPedigreeFunction	.
Outcome	IMP_REP_SkinThickness	5	0.020164	1	Imputed: Replacement: SkinThickness	.
Outcome	IMP_REP_Pregnancies	6	0.019964	1	Imputed: Replacement: Pregnancies	.
Outcome	IMP_Insulin	7	0.012871	1	Imputed: Insulin	.
Outcome	IMP_REP_BloodPressure	8	0.011543	1	Imputed: Replacement: BloodPressure	.
Outcome	M_REP_SkinThickness	9	0.004267	1	Imputation Indicator for REP_SkinThickness	.
Outcome	M_REP_Pregnancies	10	0.002789	1	Imputation Indicator for REP_Pregnancies	.
Outcome	M_Insulin	11	0.001238	1	Imputation Indicator for Insulin	.
Outcome	M_REP_DiabetesPedigreeFunction	12	0.000794	1	Imputation Indicator for REP_DiabetesPedigreeFunction	.
Outcome	M_REP_Age	13	0.000749	1	Imputation Indicator for REP_Age	.
Outcome	M_REP_Glucose	14	0.000494	1	Imputation Indicator for REP_Glucose	.
Outcome	M_REP_BloodPressure	15	0.000366	1	Imputation Indicator for REP_BloodPressure	.
Outcome	M_REP_BMI	16	0.000117	1	Imputation Indicator for REP_BMI	.

Rol de los datos	Segmento	Id de segmento	Nombre del segmento:valor	Target	Input	V de Cramer
TRAIN			_OVERALL_	Outcome	IMP_Insulin	0.50753
TRAIN			_OVERALL_	Outcome	M_REP_SkinThickness	0.11854
TRAIN			_OVERALL_	Outcome	M_REP_Pregnancies	0.09475
TRAIN			_OVERALL_	Outcome	M_Insulin	0.08202
TRAIN			_OVERALL_	Outcome	M_REP_Age	0.07361
TRAIN			_OVERALL_	Outcome	M_REP_Glucose	0.05406
TRAIN			_OVERALL_	Outcome	M_REP_DiabetesPedigreeFunction	0.05011
TRAIN			_OVERALL_	Outcome	M_REP_BloodPressure	0.03712
TRAIN			_OVERALL_	Outcome	M_REP_BMI	0.02441

Prob	Chi-cuadrado	Df	Rol	Etiqueta	Inputs ordenados	Grupo	Gráfico
0.0659	593.4887	543	INPUT	Imputed: Insulin	1	1	1
0.0129	10.7917	3	INPUT	Imputation Indicator for REP_SkinThickness	2	2	1
0.0753	6.8951	3	INPUT	Imputation Indicator for REP_Pregnancies	3	3	1
0.1600	5.1671	3	INPUT	Imputation Indicator for Insulin	4	4	1
0.2445	4.1619	3	INPUT	Imputation Indicator for REP_Age	5	5	1
0.5232	2.2447	3	INPUT	Imputation Indicator for REP_Glucose	6	6	1
0.5873	1.9288	3	INPUT	Imputation Indicator for REP_DiabetesPedigreeFunction	7	7	1
0.7872	1.0580	3	INPUT	Imputation Indicator for REP_BloodPressure	8	8	1
0.9281	0.4576	3	INPUT	Imputation Indicator for REP_BMI	9	9	1



Informe SAS Enterprise Miner

Nodo=Reemplazo (2)
Sumarización

Id de nodo = Repl2
Etiqueta de nodo = Reemplazo (2)
Ruta meta = FIMPORT => Stat => Repl => Impt => Stat2 => Repl2
Notas =

Nodo=Reemplazo (2)
Propiedades

Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado
Component	Replace		IntervalMethod	NONE		SpacingsCutoff	9.0	9
CalcMethod	STDDEV		MADSCutoff	9.0	9	StddevCutoff	3.0	3
CountReport	Y		PercentsCutoff	0.5		UnknownLevel	NONE	MODE
HideVariable	N		ReplaceMethod	COMPUTED				

Nodo=Reemplazo (2)
Resumen de variables

Rol	Nivel	Número de ocurrencias	Nombre
INPUT	BINARY	8	M_Insulin M_REP_Age M_REP_BMI M_REP_BloodPressure M_REP_DiabetesPedigreeFunction M_REP_Glucose M_REP_Pregnancies M_REP_SkinThickness
INPUT	INTERVAL	7	IMP_REP_Age IMP_REP_BMI IMP_REP_BloodPressure IMP_REP_DiabetesPedigreeFunction IMP_REP_Glucose IMP_REP_Pregnancies IMP_REP_SkinThickness
INPUT	NOMINAL	1	IMP_Insulin

Nodo=Reemplazo (2)
Variables de intervalo

Variable	Variable de reemplazo	Límite inferior	Límite superior	Etiqueta	Método de límites	Método de reemplaza	Valor de reemplazo inferior	Valor de reemplazo superior
IMP_REP_Age	REP_IMP_REP_Age	-1.2692	67.878	Imputed: Replacement: Age	STDDEV	COMPUTED	-1.2692	67.878
IMP_REP_BMI	REP_IMP_REP_BMI	12.9909	51.702	Imputed: Replacement: BMI	STDDEV	COMPUTED	12.9909	51.702
IMP_REP_BloodPressure	REP_IMP_REP_BloodPressure	37.5991	107.328	Imputed: Replacement: BloodPressure	STDDEV	COMPUTED	37.5991	107.328
IMP_REP_DiabetesPedigreeFunction	REP_IMP_REP_DiabetesPedigreeFunc	-0.3582	1.259	Imputed: Replacement: DiabetesPedigreeFunction	STDDEV	COMPUTED	-0.3582	1.259
IMP_REP_Glucose	REP_IMP_REP_Glucose	32.6914	210.948	Imputed: Replacement: Glucose	STDDEV	COMPUTED	32.6914	210.948
IMP_REP_Pregnancies	REP_IMP_REP_Pregnancies	-5.7908	13.318	Imputed: Replacement: Pregnancies	STDDEV	COMPUTED	-5.7908	13.318
IMP_REP_SkinThickness	REP_IMP_REP_SkinThickness	-25.0431	66.527	Imputed: Replacement: SkinThickness	STDDEV	COMPUTED	-25.0431	66.527

Nodo=Reemplazo (2)
Cuentas de reemplazo total

Variable	Etiqueta	Rol	Entrenamiento
IMP_Insulin	Imputed: Insulin	INPUT	397
IMP_REP_Age	Imputed: Replacement: Age	INPUT	6
IMP_REP_BMI	Imputed: Replacement: BMI	INPUT	5
IMP_REP_BloodPressure	Imputed: Replacement: BloodPressure	INPUT	8
IMP_REP_DiabetesPedigreeFunction	Imputed: Replacement: DiabetesPedigreeFunction	INPUT	11
IMP_REP_Glucose	Imputed: Replacement: Glucose	INPUT	0
IMP_REP_Pregnancies	Imputed: Replacement: Pregnancies	INPUT	0

Variable	Etiqueta	Rol	Entrenamiento
IMP_REP_SkinThickness	Imputed: Replacement: SkinThickness	INPUT	0
Outcome	Outcome	TARGET	252

Informe SAS Enterprise Miner

Nodo=Partición de datos
Sumarización

Id de nodo = Part
Etiqueta de nodo = Partición de datos
Ruta meta = FIMPORT => Stat => Repl => Impt => Stat2 => Repl2 => Part
Notas =

Nodo=Partición de datos
Propiedades

Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado
Component	Partition		Method	DEFAULT		TestPct	0	30
ClassDistribution	Y		OutputType	DATA		TrainPct	80	40
IntervalDistribution	Y		RandomSeed	12345		ValidatePct	20	30

Nodo=Partición de datos
Resumen de variables

Rol	Nivel	Número de ocurrencias	Nombre
TARGET	BINARY	1	REP_Outcome
REJECTED	BINARY	1	Outcome
REJECTED	INTERVAL	7	IMP_REP_Age IMP_REP_BMI IMP_REP_BloodPressure IMP_REP_DiabetesPedigreeFunction IMP_REP_Glucose IMP_REP_Pregnancies IMP_REP_SkinThickness
REJECTED	NOMINAL	1	IMP_Insulin
INPUT	BINARY	8	M_Insulin M_REP_Age M_REP_BMI M_REP_BloodPressure M_REP_DiabetesPedigreeFunction M_REP_Glucose M_REP_Pregnancies M_REP_SkinThickness
INPUT	INTERVAL	7	REP_IMP_REP_Age REP_IMP_REP_BMI REP_IMP_REP_BloodPressure REP_IMP_REP_DiabetesPedigreeFunc REP_IMP_REP_Glucose REP_IMP_REP_Pregnancies REP_IMP_REP_SkinThickness
INPUT	NOMINAL	1	REP_IMP_Insulin

Informe SAS Enterprise Miner

Nodo=Transformar variables
Sumarización

Id de nodo = Trans
Etiqueta de nodo = Transformar variables
Ruta meta = FIMPORT => Stat => Repl => Impt => Stat2 => Repl2 => Part => Trans
Notas =

Nodo=Transformar variables
Propiedades

Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado
Component	Transform		EmSampleSize	DEFAULT		MissingValue	USEINSEARCH	
DefaultClassMethod	NONE		GroupCutoff	0.1		NumberofBins	VARIABLES	
DefaultClassTargetMethod	NONE		GroupMissing	N		Offset	1	
DefaultMethod	NONE		HideVariable	Y		RejectVariable	Y	
DefaultTargetMethod	NONE		MaxOptimalBins	4		SummaryStatistics	Y	
EmRandomSeed	12345		MinOffset	Y		SummaryVariables	TRANSFORMED	
EmSampleMethod	FIRSTN		MissingAsLevel	N		UseMetaTransform	Y	

Nodo=Transformar variables
Resumen de variables

Rol	Nivel	Número de ocurrencias	Nombre
TARGET	BINARY	1	REP_Outcome
REJECTED	BINARY	1	Outcome
REJECTED	INTERVAL	7	IMP_REP_Age IMP_REP_BMI IMP_REP_BloodPressure IMP_REP_DiabetesPedigreeFunction IMP_REP_Glucose IMP_REP_Pregnancies IMP_REP_SkinThickness
REJECTED	NOMINAL	1	IMP_Insulin
INPUT	BINARY	8	M_Insulin M_REP_Age M_REP_BMI M_REP_BloodPressure M_REP_DiabetesPedigreeFunction M_REP_Glucose M_REP_Pregnancies M_REP_SkinThickness
INPUT	INTERVAL	7	REP_IMP_REP_Age REP_IMP_REP_BMI REP_IMP_REP_BloodPressure REP_IMP_REP_DiabetesPedigreeFunc REP_IMP_REP_Glucose REP_IMP_REP_Pregnancies REP_IMP_REP_SkinThickness
INPUT	NOMINAL	1	REP_IMP_Insulin

Nodo=Transformar variables
Estadísticos de transformaciones

Fuente	Método	Nombre de la variable	Fórmula	Número de niveles
Input	Original	REP_IMP_REP_Age		.
Input	Original	REP_IMP_REP_BMI		.
Input	Original	REP_IMP_REP_BloodPressure		.
Input	Original	REP_IMP_REP_DiabetesPedigreeFunc		.
Input	Original	REP_IMP_REP_Glucose		.
Input	Original	REP_IMP_REP_Pregnancies		.
Input	Original	REP_IMP_REP_SkinThickness		.
Output	Computed	LG10_REP_IMP_REP_Age	$\log_{10}(\text{REP_IMP_REP_Age} + 2)$.
Output	Computed	LG10_REP_IMP_REP_BMI	$\log_{10}(\text{REP_IMP_REP_BMI} + 1)$.
Output	Computed	LG10_REP_IMP_REP_BloodPressure	$\log_{10}(\text{REP_IMP_REP_BloodPressure} + 1)$.
Output	Computed	LG10_REP_IMP_REP_DiabetesPedigree	$\log_{10}(\text{REP_IMP_REP_DiabetesPedigreeFunc} + 1)$.
Output	Computed	LG10_REP_IMP_REP_Glucose	$\log_{10}(\text{REP_IMP_REP_Glucose} + 1)$.
Output	Computed	LG10_REP_IMP_REP_Pregnancies	$\log_{10}(\text{REP_IMP_REP_Pregnancies} + 1)$.
Output	Computed	LG10_REP_IMP_REP_SkinThickness	$\log_{10}(\text{REP_IMP_REP_SkinThickness} + 1)$.

No ausente	Ausente	Mínimo	Máximo	Media	Desviación estándar	Asimetría	Curtosis	Etiqueta
612	0	-1.0000	67.878	33.386	11.4488	0.97131	0.6630	Replacement: Imputed: Replacement: Age
612	0	18.2000	51.702	32.491	6.3433	0.31234	-0.0250	Replacement: Imputed: Replacement: BMI
612	0	37.5991	107.328	72.721	11.6722	0.18952	0.6130	Replacement: Imputed: Replacement: BloodPres
612	0	0.0780	1.259	0.443	0.2638	1.13524	0.9530	Replacement: Imputed: Replacement: DiabetesP
612	0	44.0000	198.000	122.982	30.0438	0.51722	-0.2607	Replacement: Imputed: Replacement: Glucose
612	0	0.0000	13.000	3.788	3.1943	0.86444	0.0806	Replacement: Imputed: Replacement: Pregnanci
612	0	0.0000	63.000	21.355	15.4301	-0.07913	-1.0347	Replacement: Imputed: Replacement: SkinThick
612	0	0.0000	1.844	1.526	0.1545	-2.78598	29.5818	Transformed: Replacement: Imputed: Replaceme
612	0	1.2833	1.722	1.517	0.0833	-0.20558	-0.1493	Transformed: Replacement: Imputed: Replaceme
612	0	1.5866	2.035	1.862	0.0704	-0.44589	0.9582	Transformed: Replacement: Imputed: Replaceme
612	0	0.0326	0.354	0.153	0.0743	0.75012	-0.0168	Transformed: Replacement: Imputed: Replaceme
612	0	1.6532	2.299	2.081	0.1052	-0.08405	-0.0635	Transformed: Replacement: Imputed: Replaceme
612	0	0.0000	1.146	0.572	0.3243	-0.32088	-0.8371	Transformed: Replacement: Imputed: Replaceme
612	0	0.0000	1.806	1.069	0.6532	-0.94013	-0.9390	Transformed: Replacement: Imputed: Replaceme

Informe SAS Enterprise Miner

Nodo=Componentes principales Sumarización

Id de nodo = PRINCOMP

Etiqueta de nodo = Componentes principales

Ruta meta = FIMPORT => Stat => Repl => Impt => Stat2 => Repl2 => Part => Trans => PRINCOMP

Notas =

Nodo=Componentes principales Propiedades

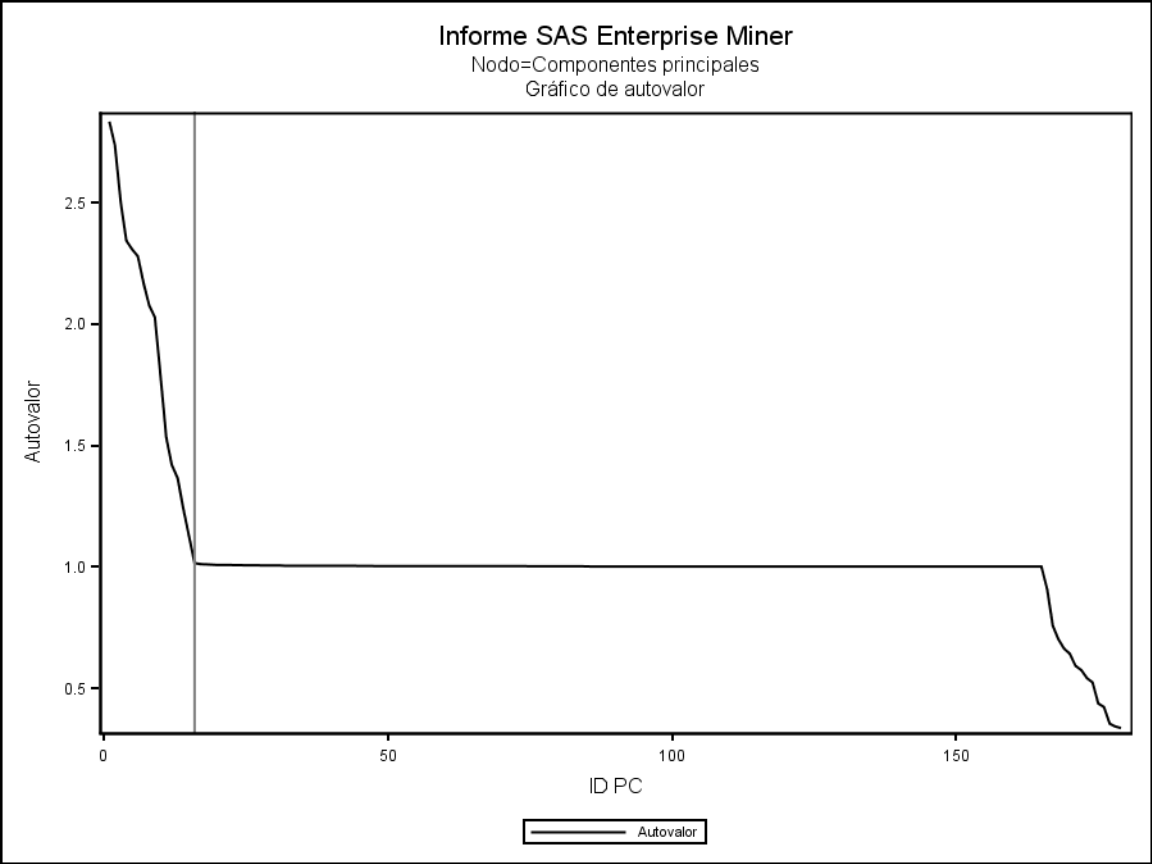
Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado
Component	PrinComp		EigenSource	CORR		PrincompLabel	PRINCOMPLABEL	
ApplyMaxPrincomp	Y		HideOriginalInputVariables	Y		PrincompPrefix	PC	
CumEigenCutoff	0.99		MaxPrincomp	20		PrintEigenSourceMatrix	N	
EigenIncrCutoff	0.001		NUserSelectedPrincomp	16	1	RejectOriginalInputVariables	Y	

Nodo=Componentes principales Resumen de variables

Rol	Nivel	Número de ocurrencias	Nombre
INPUT	BINARY	8	M_Insulin M_REP_Age M_REP_BMI M_REP_BloodPressure M_REP_DiabetesPedigreeFunction M_REP_Glucose M_REP_Pregnancies M_REP_SkinThickness
INPUT	INTERVAL	7	LG10_REP_IMP_REP_Age LG10_REP_IMP_REP_BMI LG10_REP_IMP_REP_BloodPressure LG10_REP_IMP_REP_DiabetesPedigre LG10_REP_IMP_REP_Glucose LG10_REP_IMP_REP_Pregnancies LG10_REP_IMP_REP_SkinThickness
INPUT	NOMINAL	1	REP_IMP_Insulin

Nodo=Componentes principales Sumarización de variables creadas

Rol	Nivel	Número de ocurrencias	Nombre
INPUT	INTERVAL	16	PC_1 PC_10 PC_11 PC_12 PC_13 PC_14 PC_15 PC_16 PC_2 PC_3 PC_4 PC_5 PC_6 PC_7 PC_8 PC_9



Informe SAS Enterprise Miner

Nodo=MBR Sumarización

Id de nodo = MBR
Etiqueta de nodo = MBR
Ruta meta = FIMPORT => Stat => Repl => Impt => Stat2 => Repl2 => Part => Trans => PRINCOMP => MBR
Notas =

Nodo=MBR Propiedades

Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado
Component	MBR		Method	SCAN	RDTREE	ShowNodes	N	
Buckets	8		Neighbors	Y		Weighted	N	Y
Epsilon	0		NumberOfNeighbors	16				

Nodo=MBR Resumen de variables

Rol	Nivel	Número de ocurrencias	Nombre
TARGET	BINARY	1	REP_Outcome
INPUT	INTERVAL	16	PC_1 PC_10 PC_11 PC_12 PC_13 PC_14 PC_15 PC_16 PC_2 PC_3 PC_4 PC_5 PC_6 PC_7 PC_8 PC_9
ID	INTERVAL	1	_dataobs_

Nodo=MBR Sumarización de variables creadas

Rol	Nivel	Número de ocurrencias	Nombre
RESIDUAL	INTERVAL	2	R_REP_Outcome0 R_REP_Outcome1
PREDICT	INTERVAL	2	P_REP_Outcome0 P_REP_Outcome1
INPUT	INTERVAL	16	_N1 _N10 _N11 _N12 _N13 _N14 _N15 _N16 _N2 _N3 _N4 _N5 _N6 _N7 _N8 _N9
CLASSIFICATION	NOMINAL	3	F_REP_Outcome I_REP_Outcome U_REP_Outcome
ASSESS	NOMINAL	1	_WARN_

Nodo=MBR Estadísticos de ajuste del modelo

Target=REP_Outcome Etiqueta target=Replacement: Outcome

Etiqueta de estadístico	Entrenamiento	Validación	Prueba
Number of Estimated Weights	0.00	.	.
Sum of Frequencies	612.00	156.000	.
Sum of Case Weights Times Freq	1224.00	312.000	.
Total Degrees of Freedom	612.00	.	.
Model Degrees of Freedom	0.00	.	.
Degrees of Freedom for Error	612.00	.	.
Average Squared Error	0.17	0.204	.
Root Average Squared Error	0.41	0.451	.
Divisor for ASE	1224.00	312.000	.
Sum of Squared Errors	208.28	63.516	.
Mean Squared Error	0.17	0.204	.

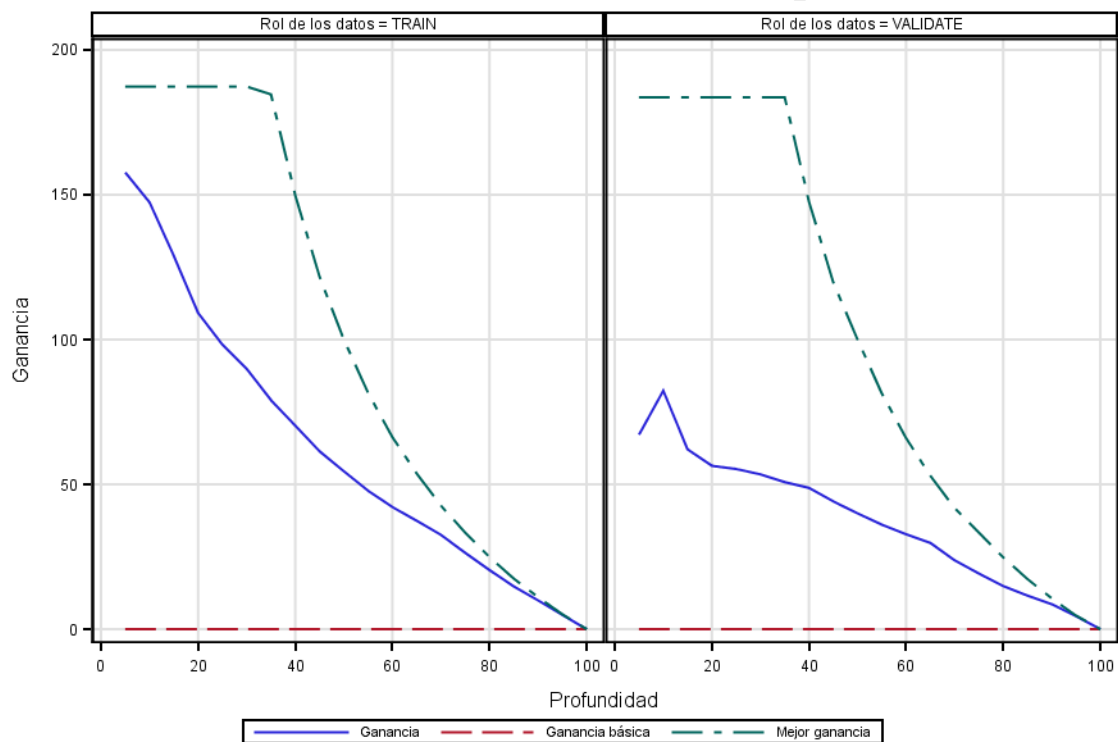
Target=REP_Outcome Etiqueta target=Replacement: Outcome

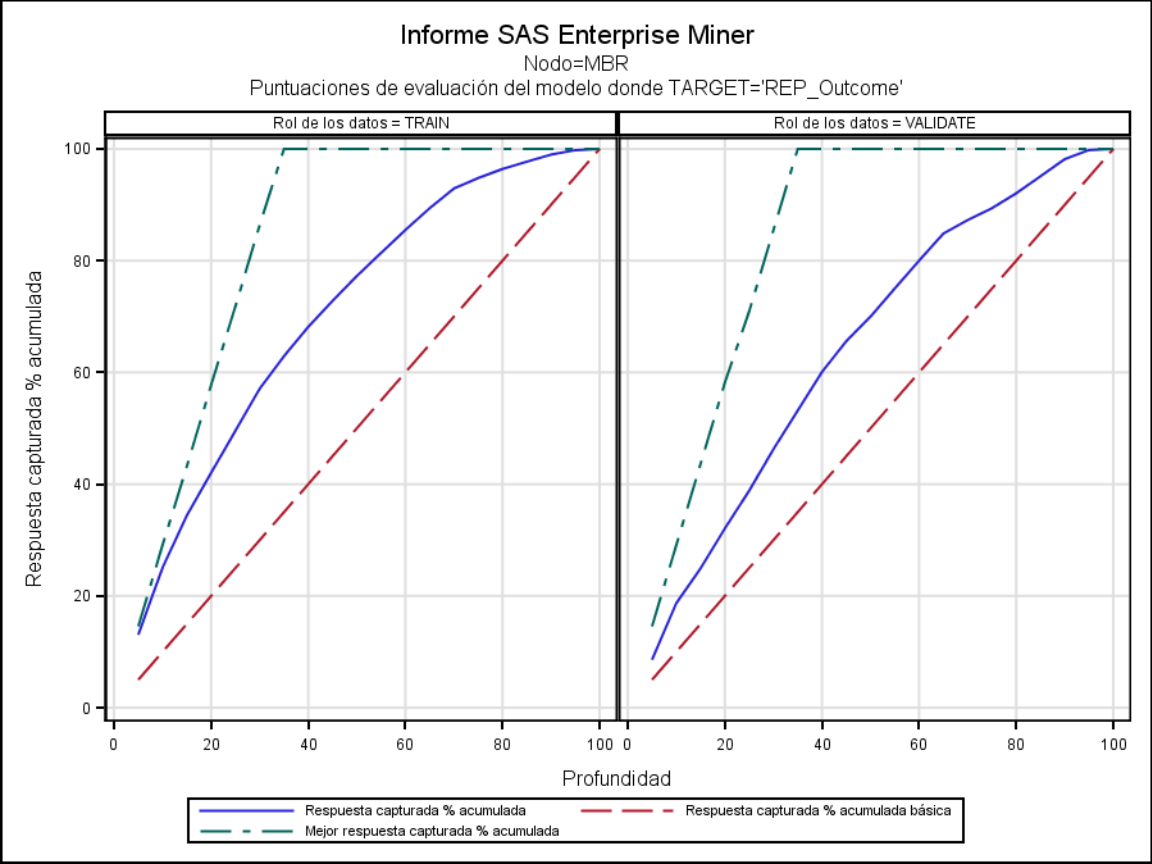
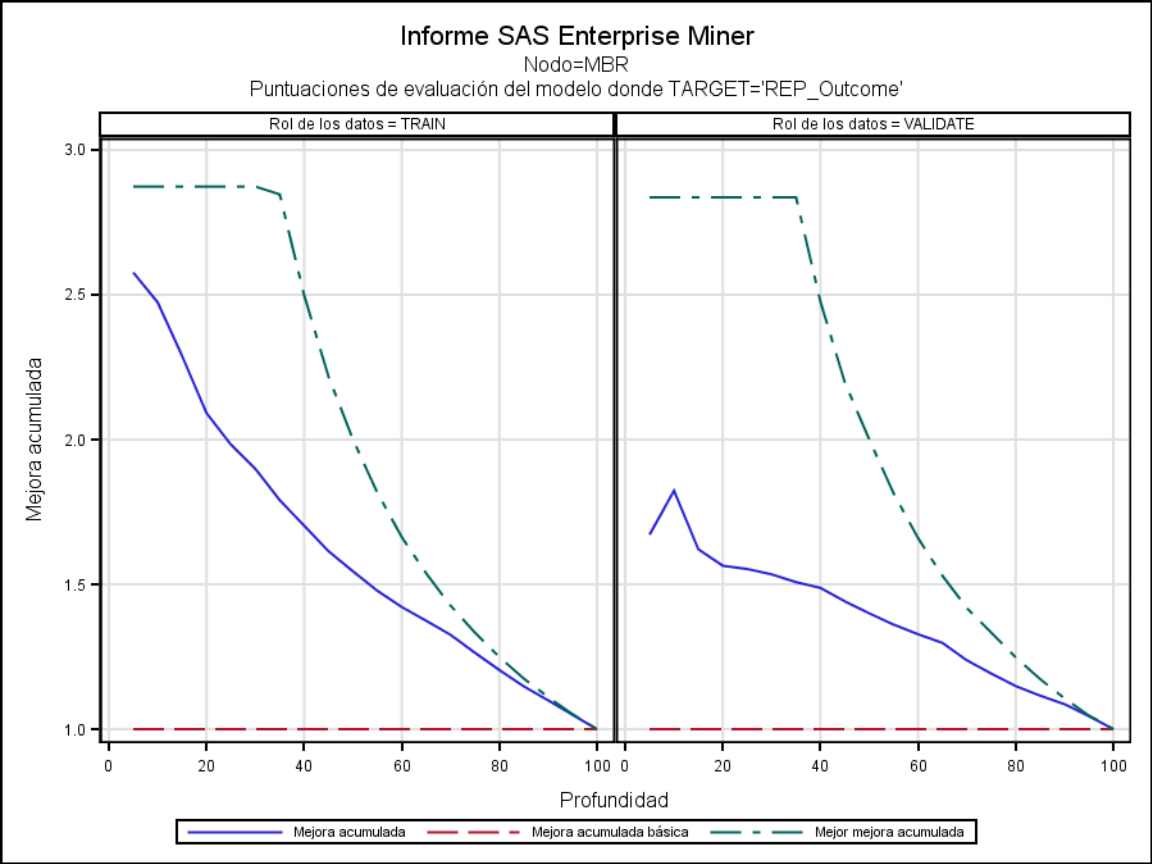
Etiqueta de estadístico	Entrenamiento	Validación	Prueba
Root Mean Squared Error	0.41	0.451	.
Average Error Function	0.51	0.591	.
Error Function	624.76	184.311	.
Maximum Absolute Error	0.94	0.938	.
Final Prediction Error	0.17	.	.
Root Final Prediction Error	0.41	.	.
Akaike's Information Criterion	624.76	.	.
Schwarz's Bayesian Criterion	624.76	.	.
Misclassification Rate	0.25	0.327	.
Number of Wrong Classifications	153.00	51.000	.

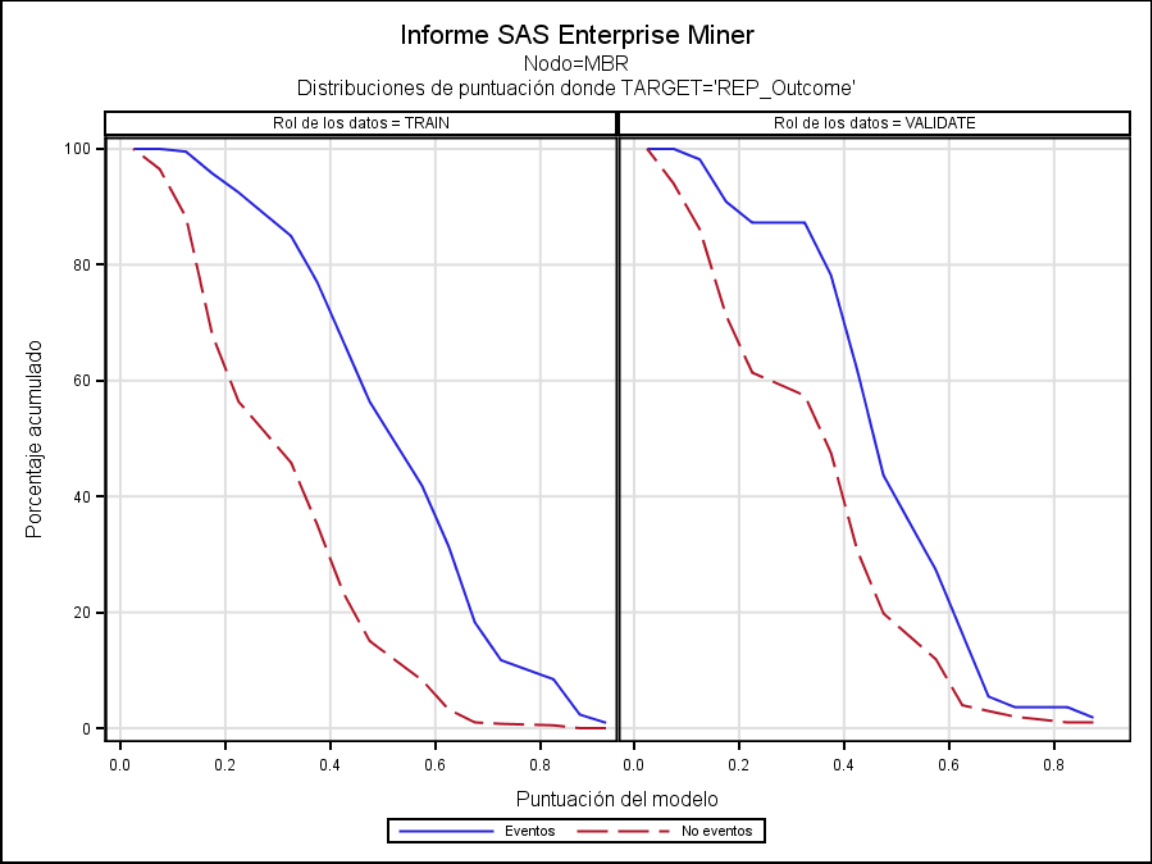
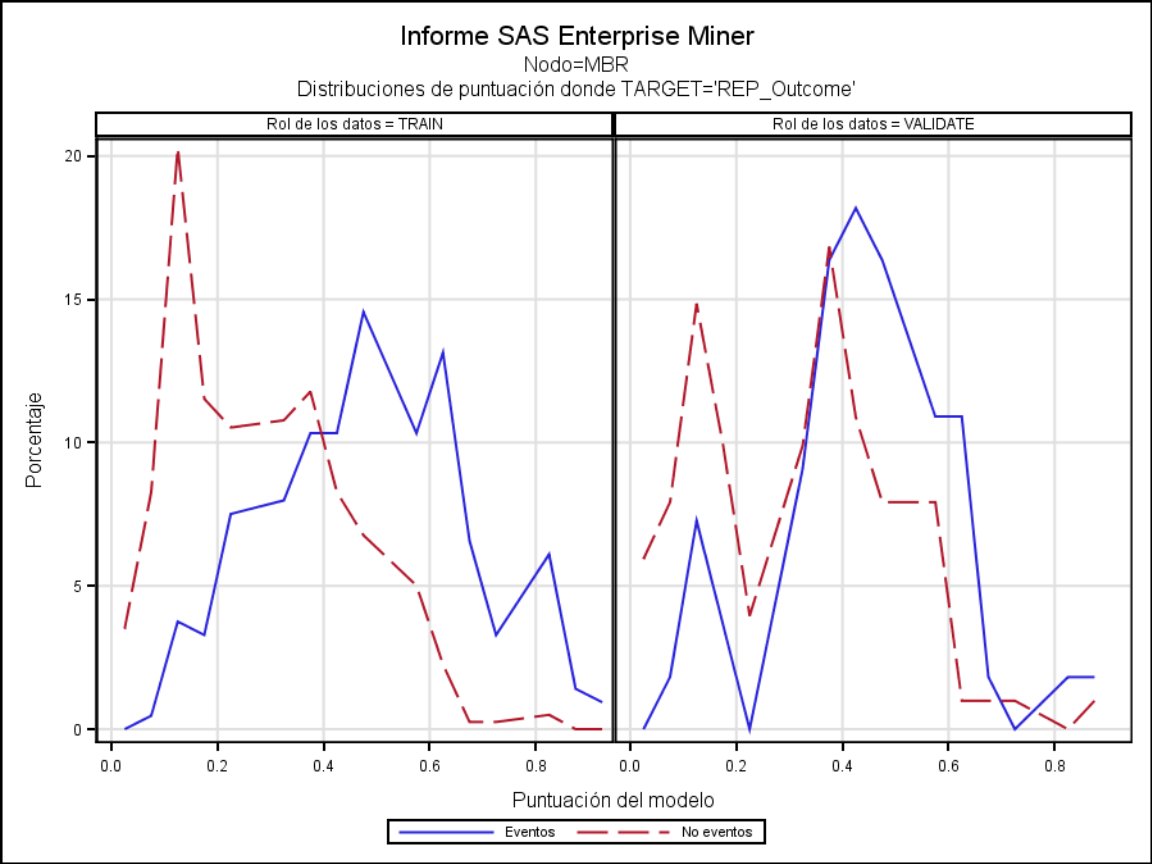
Informe SAS Enterprise Miner

Nodo=MBR

Puntuaciones de evaluación del modelo donde TARGET='REP_Outcome'







Variable target=REP_Outcome Rol de los datos=TRAIN

Rango de la probabilidad posterior	Número de eventos	Porcentaje de eventos	Porcentaje de no eventos	Porcentaje acumulado de eventos	Porcentaje acumulado de no eventos
0.90-0.95	2	0.9390	0.0000	0.939	0.000
0.85-0.90	3	1.4085	0.0000	2.347	0.000
0.80-0.85	13	6.1033	0.5013	8.451	0.501
0.70-0.75	7	3.2864	0.2506	11.737	0.752
0.65-0.70	14	6.5728	0.2506	18.310	1.003
0.60-0.65	28	13.1455	2.2556	31.455	3.258
0.55-0.60	22	10.3286	5.0125	41.784	8.271
0.45-0.50	31	14.5540	6.7669	56.338	15.038
0.40-0.45	22	10.3286	8.2707	66.667	23.308
0.35-0.40	22	10.3286	11.7794	76.995	35.088
0.30-0.35	17	7.9812	10.7769	84.977	45.865
0.20-0.25	16	7.5117	10.5263	92.488	56.391
0.15-0.20	7	3.2864	11.5288	95.775	67.920
0.10-0.15	8	3.7559	20.3008	99.531	88.221
0.05-0.10	1	0.4695	8.2707	100.000	96.491
0.00-0.05	0	0.0000	3.5088	100.000	100.000

Variable target=REP_Outcome Rol de los datos=VALIDATE

Rango de la probabilidad posterior	Número de eventos	Porcentaje de eventos	Porcentaje de no eventos	Porcentaje acumulado de eventos	Porcentaje acumulado de no eventos
0.85-0.90	1	1.8182	0.9901	1.818	0.990
0.80-0.85	1	1.8182	0.0000	3.636	0.990
0.70-0.75	0	0.0000	0.9901	3.636	1.980
0.65-0.70	1	1.8182	0.9901	5.455	2.970
0.60-0.65	6	10.9091	0.9901	16.364	3.960
0.55-0.60	6	10.9091	7.9208	27.273	11.881
0.45-0.50	9	16.3636	7.9208	43.636	19.802
0.40-0.45	10	18.1818	10.8911	61.818	30.693
0.35-0.40	9	16.3636	16.8317	78.182	47.525
0.30-0.35	5	9.0909	9.9010	87.273	57.426
0.20-0.25	0	0.0000	3.9604	87.273	61.386
0.15-0.20	2	3.6364	9.9010	90.909	71.287
0.10-0.15	4	7.2727	14.8515	98.182	86.139
0.05-0.10	1	1.8182	7.9208	100.000	94.059
0.00-0.05	0	0.0000	5.9406	100.000	100.000

Informe SAS Enterprise Miner

Nodo=Árbol de decisión (2)
Sumarización

Id de nodo = Tree2
Etiqueta de nodo = Árbol de decisión (2)
Ruta meta = FIMPORT => Stat => Repl => Impt => Stat2 => Repl2 => Part => Trans => Tree2
Notas =

Nodo=Árbol de decisión (2)
Propiedades

Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado
Component	DecisionTree		Kass	Y		Pred	N	
AVG	Y		KassApply	BEFORE		Predict	Y	
AssessMeasure	PROFIT/LOSS		LeafSize	5		ProfitLoss	NONE	
AssessPercentage	0.25		Leafid	Y		RASE	N	
CV	N		Maxbranch	2		SampleMethod	RANDOM	
CVNIter	10		Maxdepth	6		SampleSeed	12345	
CVRepeat	1		MinCatSize	5		SampleSize	10000	
CVSeed	12345		MissingValue	USEINSEARCH		ShowNodeId	Y	
ClassColorBy	PERCENTCORRECT		NSubtree	1		ShowValid	Y	
Count	Y		NodeRole	SEGMENT		SigLevel	0.2	
CreateSample	DEFAULT		NodeSample	20000		SplitPrecision	4	
Criterion	DEFAULT		NominalCriterion	PROBCHISQ		Splitsize	.	
Depth	Y		Nrules	5		Subtree	ASSESSMENT	
Dummy	N		Nsurrs	0		Target	ALL	
Exhaustive	5000		NumInputs	1		ToolType	MODEL	
Freeze	N		NumSingleImp	5		TrainMode	BATCH	
ImportModel	N		ObsImportance	N		UseDecision	N	
ImportedTreeData			OrdinalCriterion	ENTROPY		UseMultipleTarget	N	
Inputs	N		PercentCorrect	N		UsePriors	N	
IntColorBy	AVG		Performance	DISK		UseVarOnce	N	
IntervalCriterion	PROBF		Precision	4		VarSelection	Y	

Nodo=Árbol de decisión (2)
Resumen de variables

Rol	Nivel	Número de ocurrencias	Nombre
TARGET	BINARY	1	REP_Outcome
INPUT	BINARY	8	M_Insulin M_REP_Age M_REP_BMI M_REP_BloodPressure M_REP_DiabetesPedigreeFunction M_REP_Glucose M_REP_Pregnancies M_REP_SkinThickness
INPUT	INTERVAL	7	LG10_REP_IMP_REP_Age LG10_REP_IMP_REP_BMI LG10_REP_IMP_REP_BloodPressure LG10_REP_IMP_REP_DiabetesPedigre LG10_REP_IMP_REP_Glucose LG10_REP_IMP_REP_Pregnancies LG10_REP_IMP_REP_SkinThickness
INPUT	NOMINAL	1	REP_IMP_Insulin
ID	INTERVAL	1	_dataobs_

Nodo=Árbol de decisión (2)
Estadísticos de ajuste del modelo

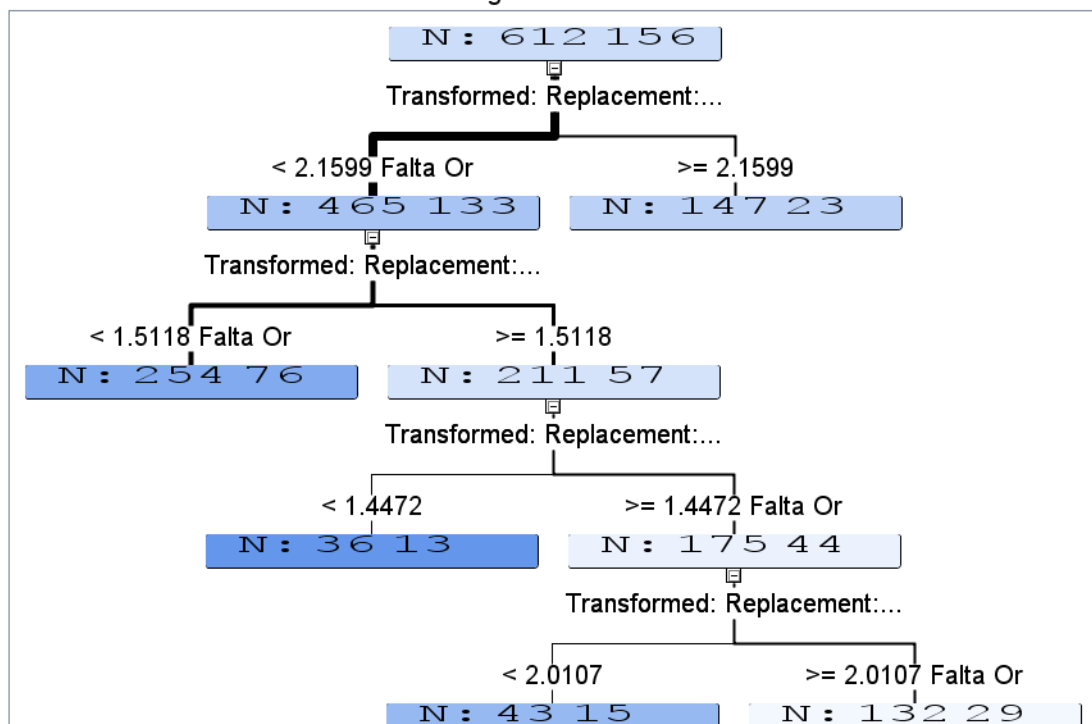
Target=REP_Outcome Etiqueta target=Replacement: Outcome

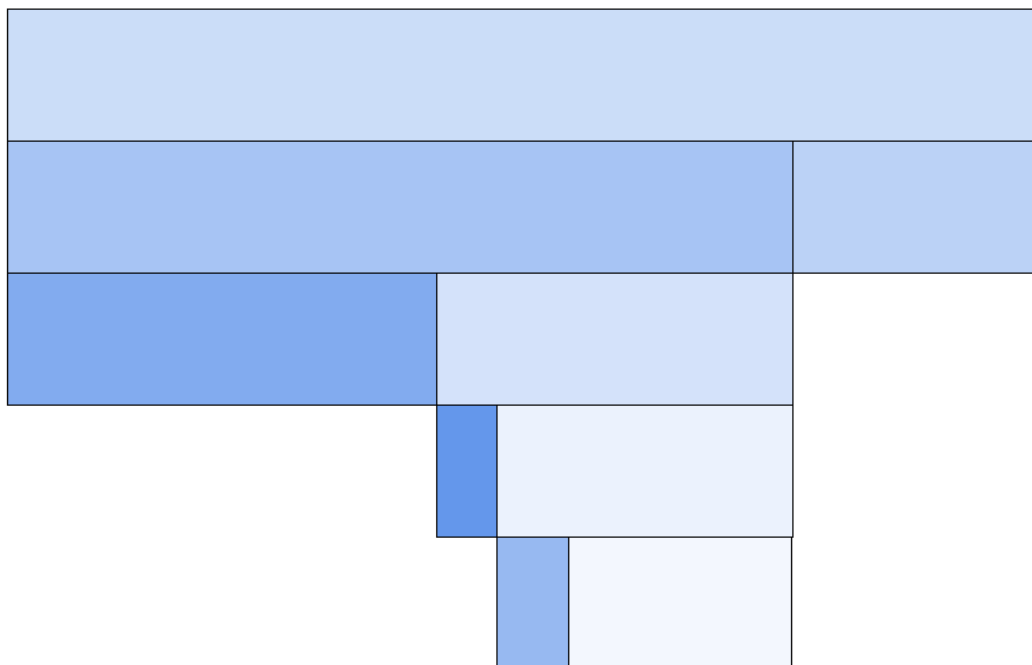
Etiqueta de estadístico	Entrenamiento	Validación	Prueba
Sum of Frequencies	612.00	156.000	.
Misclassification Rate	0.24	0.224	.
Maximum Absolute Error	0.97	0.878	.
Sum of Squared Errors	196.82	53.287	.
Average Squared Error	0.16	0.171	.
Root Average Squared Error	0.40	0.413	.
Divisor for ASE	1224.00	312.000	.
Total Degrees of Freedom	612.00	.	.

Informe SAS Enterprise Miner

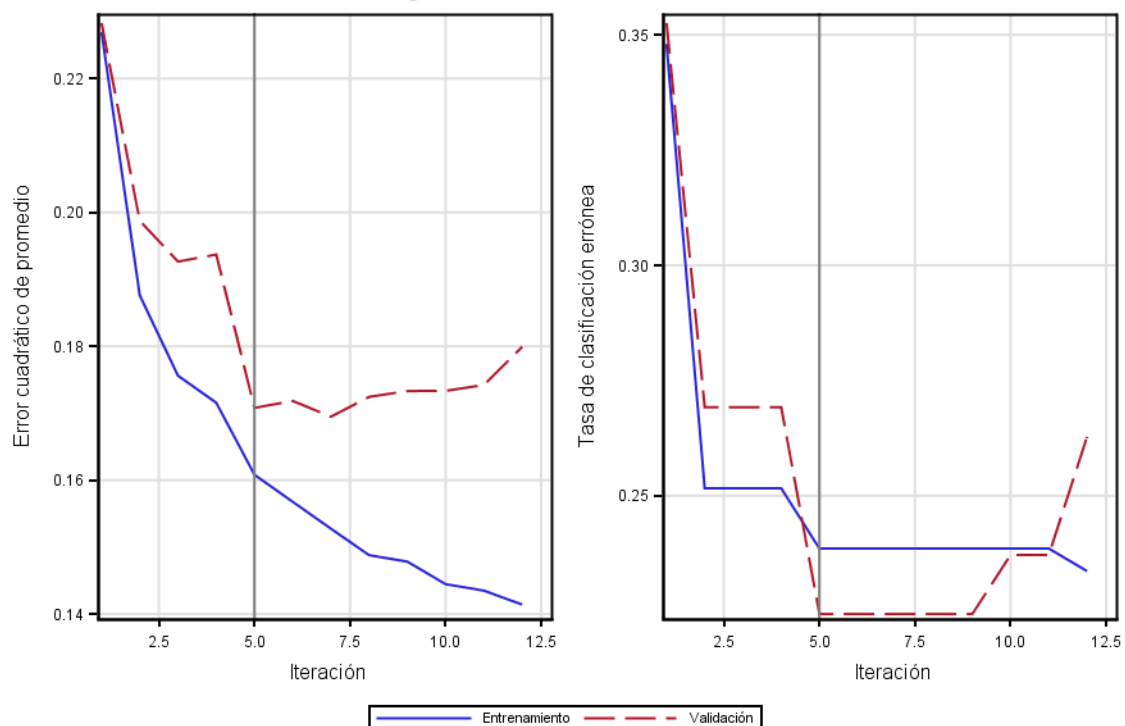
Nodo=Árbol de decisión (2)

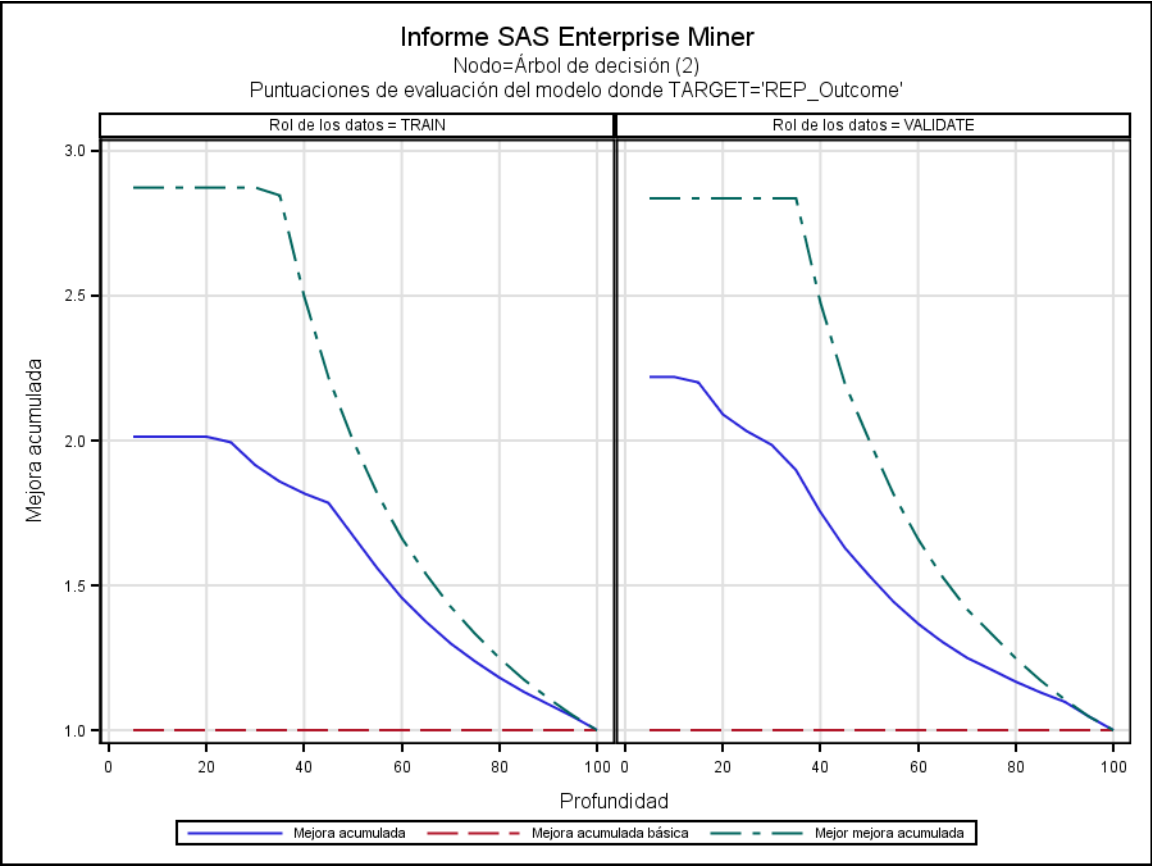
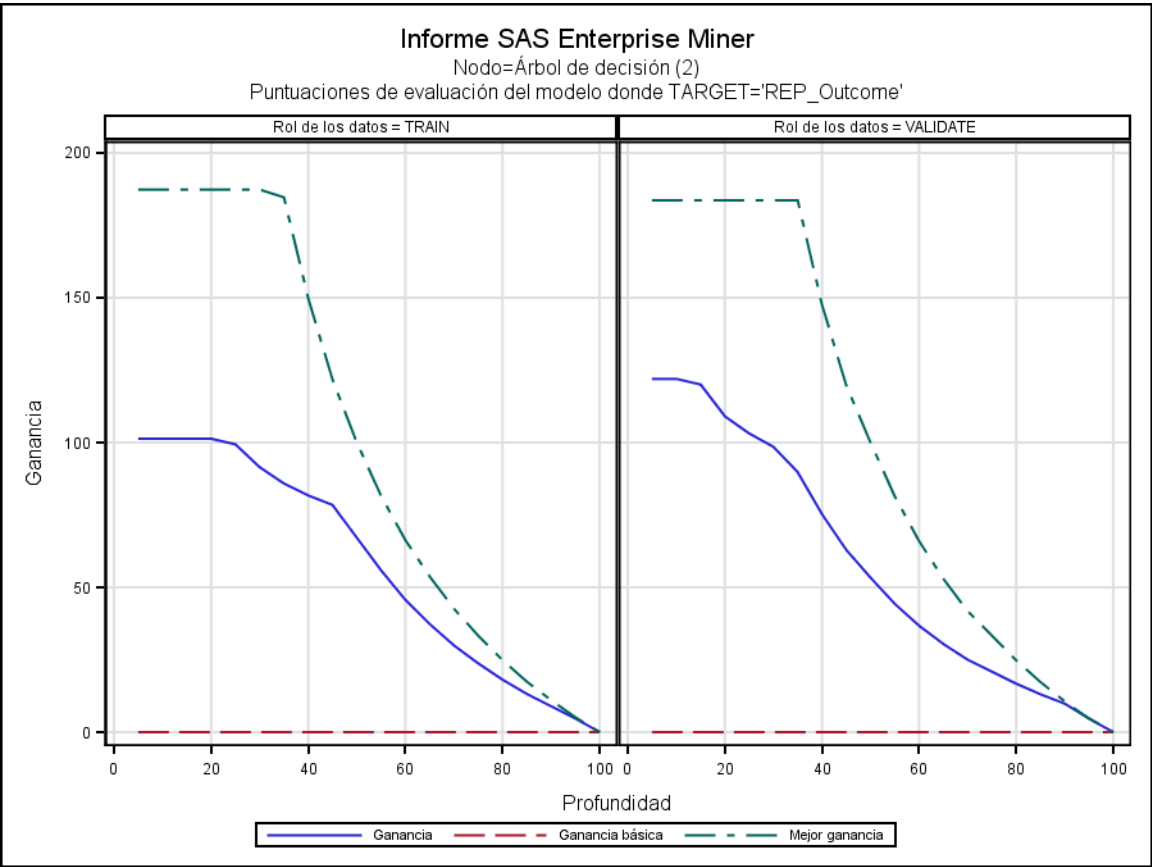
Diagrama de árbol

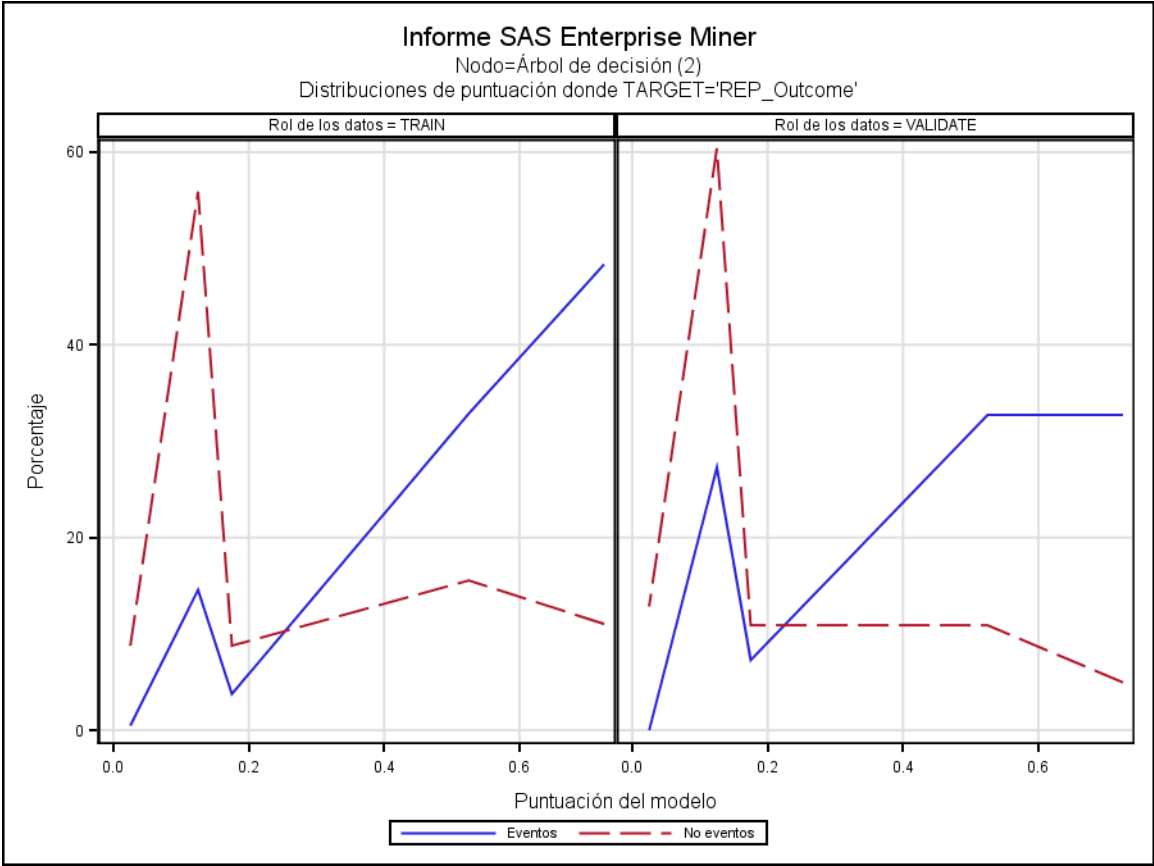
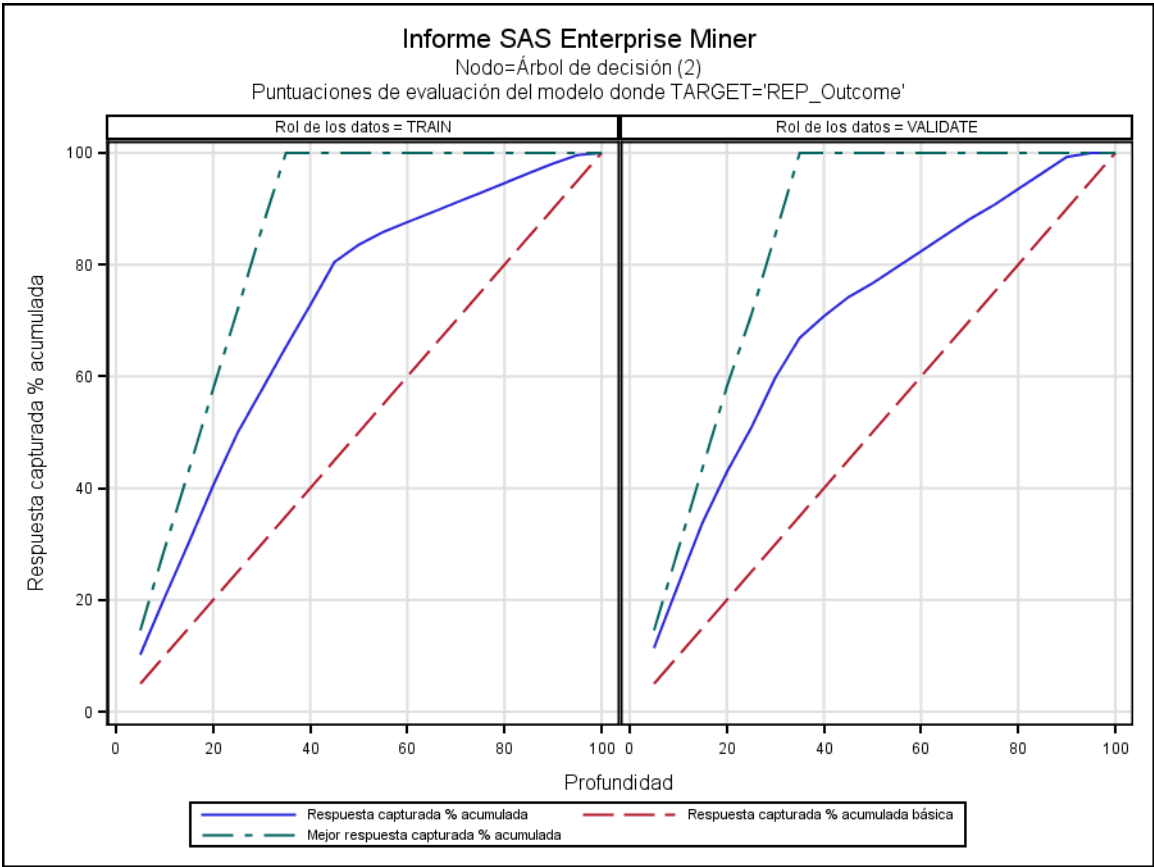


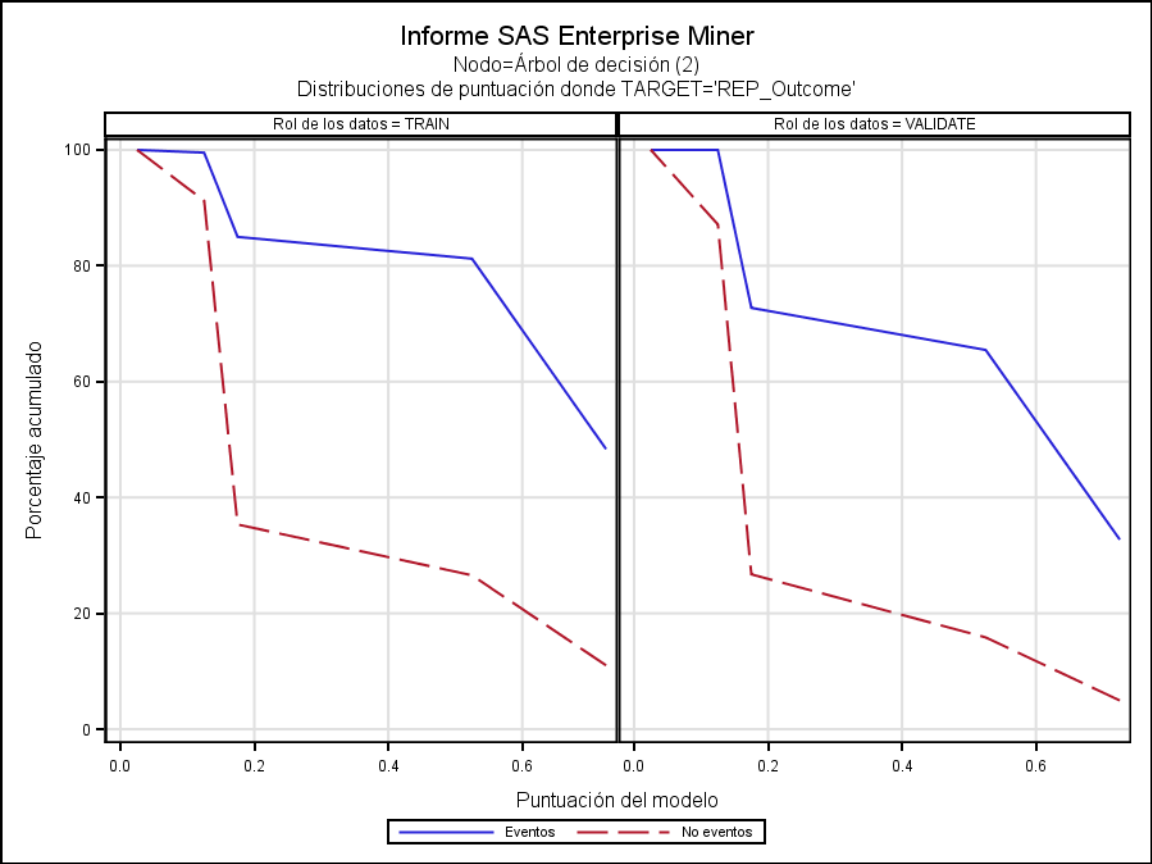


Informe SAS Enterprise Miner
Nodo=Árbol de decisión (2)
Diagrama de iteración del modelo









Nodo=Árbol de decisión (2)
Distribuciones de puntuación

Variable target=REP_Outcome Rol de los datos=TRAIN

Rango de la probabilidad posterior	Número de eventos	Porcentaje de eventos	Porcentaje de no eventos	Porcentaje acumulado de eventos	Porcentaje acumulado de no eventos
0.70-0.75	103	48.3568	11.0276	48.357	11.028
0.50-0.55	70	32.8638	15.5388	81.221	26.566
0.15-0.20	8	3.7559	8.7719	84.977	35.338
0.10-0.15	31	14.5540	55.8897	99.531	91.228
0.00-0.05	1	0.4695	8.7719	100.000	100.000

Variable target=REP_Outcome Rol de los datos=VALIDATE

Rango de la probabilidad posterior	Número de eventos	Porcentaje de eventos	Porcentaje de no eventos	Porcentaje acumulado de eventos	Porcentaje acumulado de no eventos
0.70-0.75	18	32.7273	4.9505	32.727	4.950
0.50-0.55	18	32.7273	10.8911	65.455	15.842
0.15-0.20	4	7.2727	10.8911	72.727	26.733
0.10-0.15	15	27.2727	60.3960	100.000	87.129
0.00-0.05	0	0.0000	12.8713	100.000	100.000

Informe SAS Enterprise Miner

Nodo=Regresión Sumarización

Id de nodo = Reg
Etiqueta de nodo = Regresión
Ruta meta = FIMPORT => Stat => Repl => Impt => Stat2 => Repl2 => Part => Trans => Reg
Notas =

Nodo=Regresión Propiedades

Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado
Component	Regression		Force	0		PolynomialDegree	2	
AbsConvValue	-1.34078E154	-7.237006E75	GConvTimes	1		PrintDesignMatrix	N	
AbsFTime	1		GConvValue	1E-6		Rule	NONE	
AbsFValue	0		Hierarchy	CLASS		SASSPDS	N	
AbsGTime	1		InputCoding	DEVIATION		SelectionCriterion	DEFAULT	
AbsGValue	0.00001		Interactions			SelectionDefault	Y	
AbsXTime	1		LinkFunction	LOGIT		Sequential	N	
AbsXValue	1E-8		MainEffect	Y		Simple	N	
CIParm	N		MaxCPUTime	1 HOUR		SIEntry	0.05	
ConvDefaults	Y		MaxFunctionCalls	.		SISlay	0.05	
CorB	N		MaxIterations	.		Start	0	
CovB	N		MaxStep	.		StepOutput	N	
Covout	N		MinResourceUse	N		Stop	0	
Details	N		ModelDefaults	Y		SuppressIntercept	N	
Error	LOGISTIC		ModelSelection	STEPWISE	NONE	SuppressOutput	N	
ExcludedVariable	REJECT		OptimizationTechnique	DEFAULT		Terms	N	
FConvTimes	1		Performance	N		TwoFactor	N	
FConvValue	0		Polynomial	N				

Nodo=Regresión Resumen de variables

Rol	Nivel	Número de ocurrencias	Nombre
TARGET	BINARY	1	REP_Outcome
INPUT	BINARY	8	M_Insulin M_REP_Age M_REP_BMI M_REP_BloodPressure M_REP_DiabetesPedigreeFunction M_REP_Glucose M_REP_Pregnancies M_REP_SkinThickness
INPUT	INTERVAL	7	LG10_REP_IMP_REP_Age LG10_REP_IMP_REP_BMI LG10_REP_IMP_REP_BloodPressure LG10_REP_IMP_REP_DiabetesPedigre LG10_REP_IMP_REP_Glucose LG10_REP_IMP_REP_Pregnancies LG10_REP_IMP_REP_SkinThickness
INPUT	NOMINAL	1	REP_IMP_Insulin

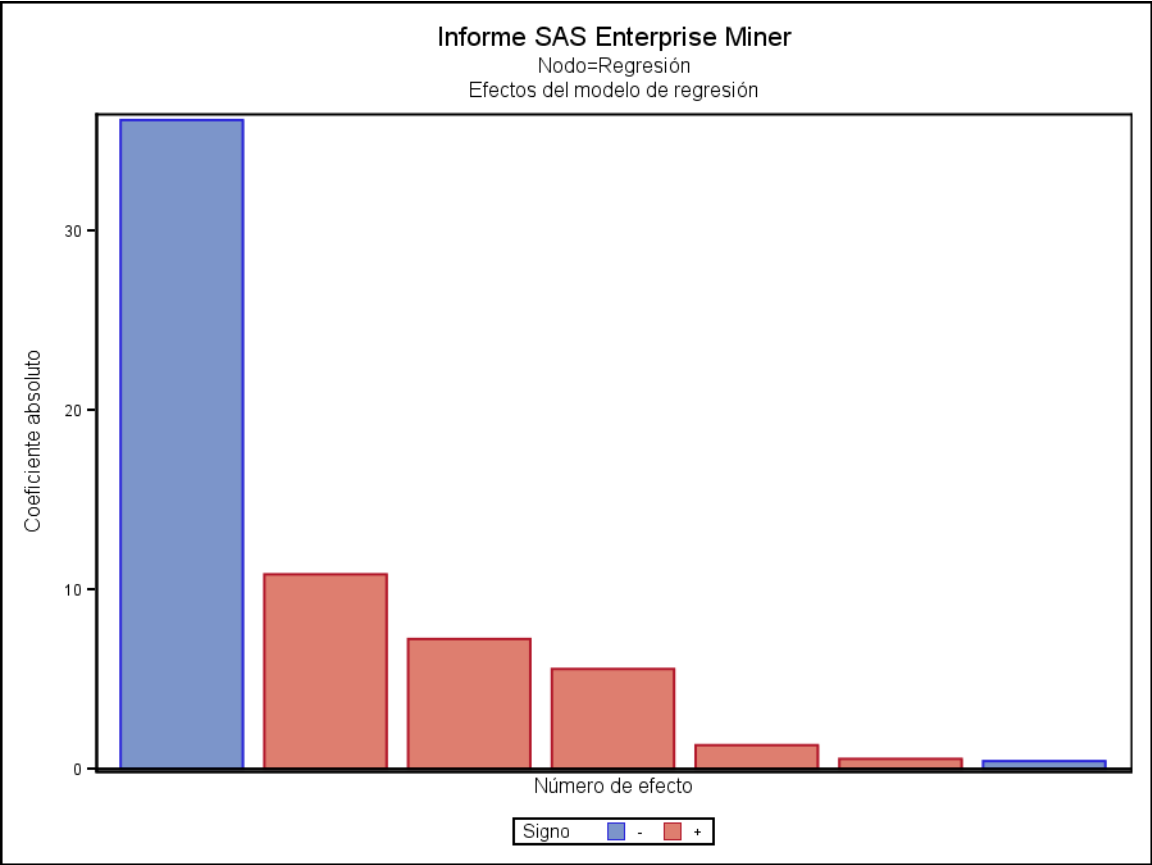
Nodo=Regresión Estadísticos de ajuste del modelo

Target=REP_Outcome Etiqueta target=Replacement: Outcome

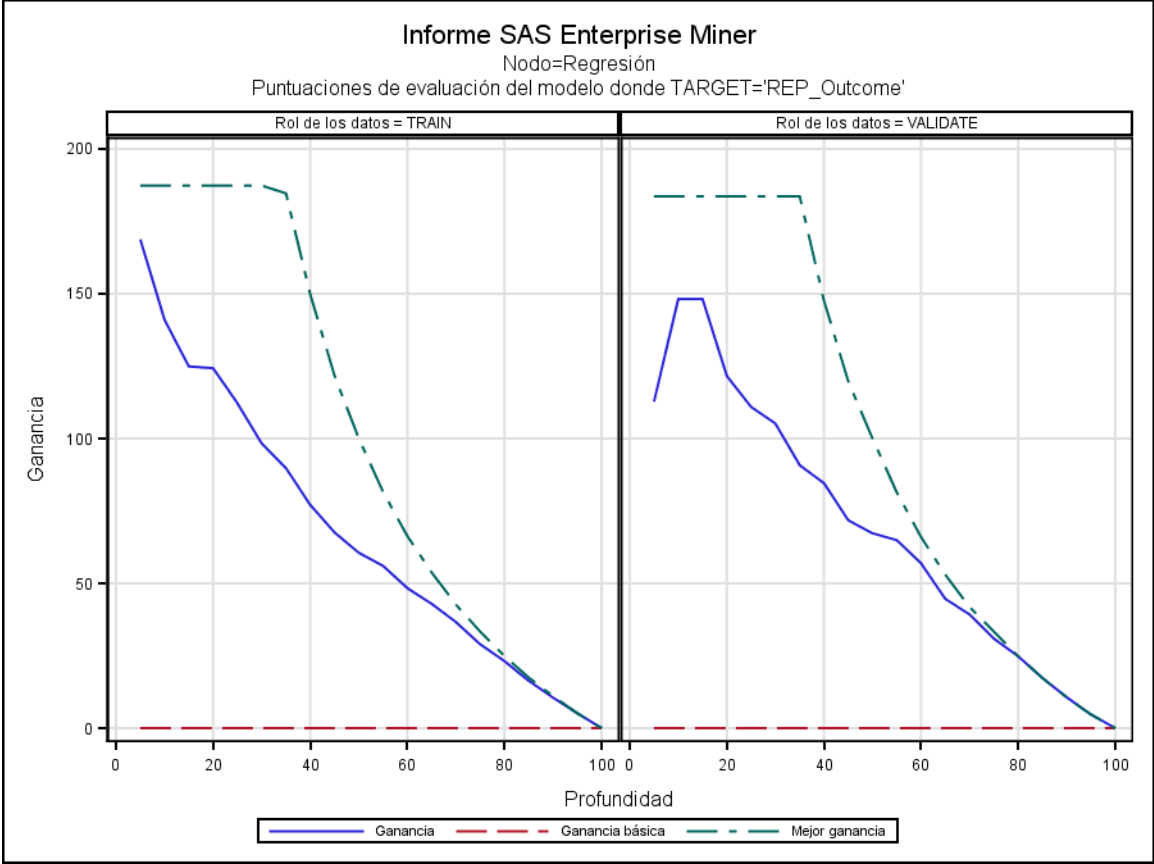
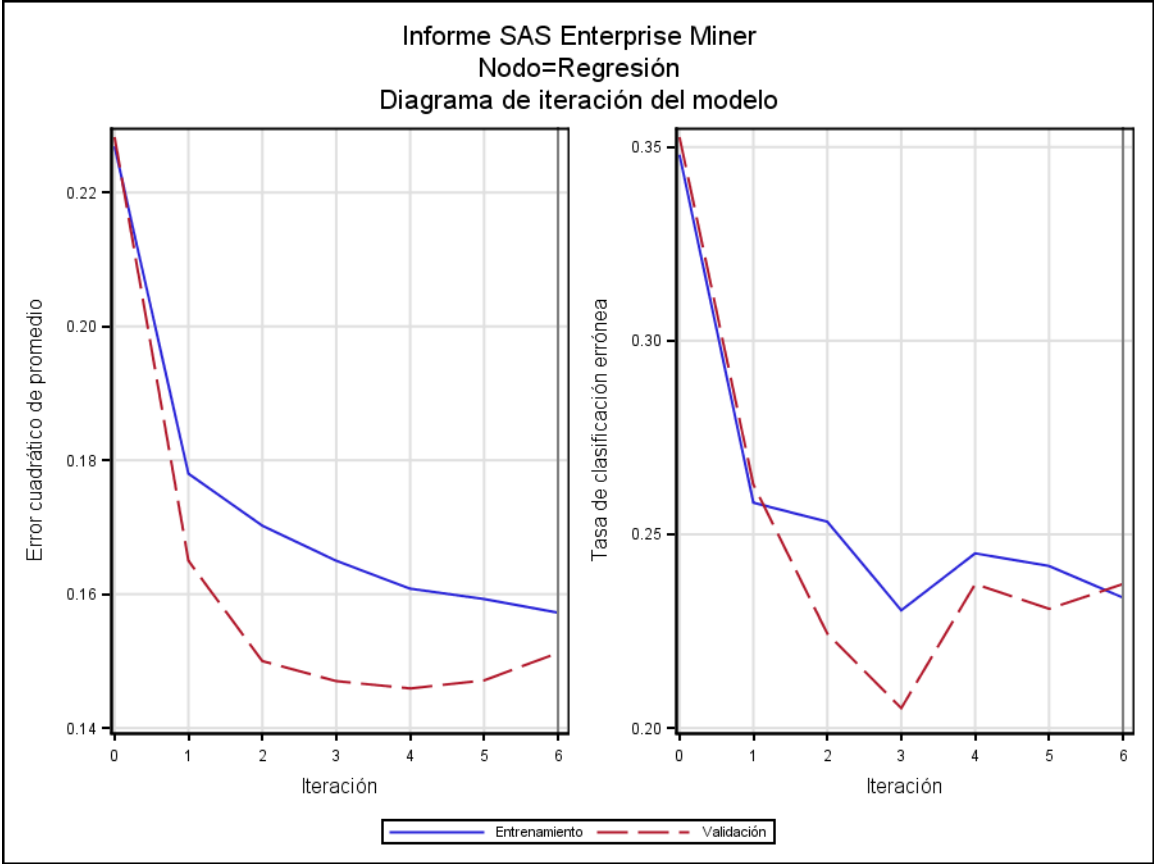
Etiqueta de estadístico	Entrenamiento	Validación	Prueba
Akaike's Information Criterion	593.18	.	.
Average Squared Error	0.16	0.151	.
Average Error Function	0.47	0.462	.
Degrees of Freedom for Error	605.00	.	.

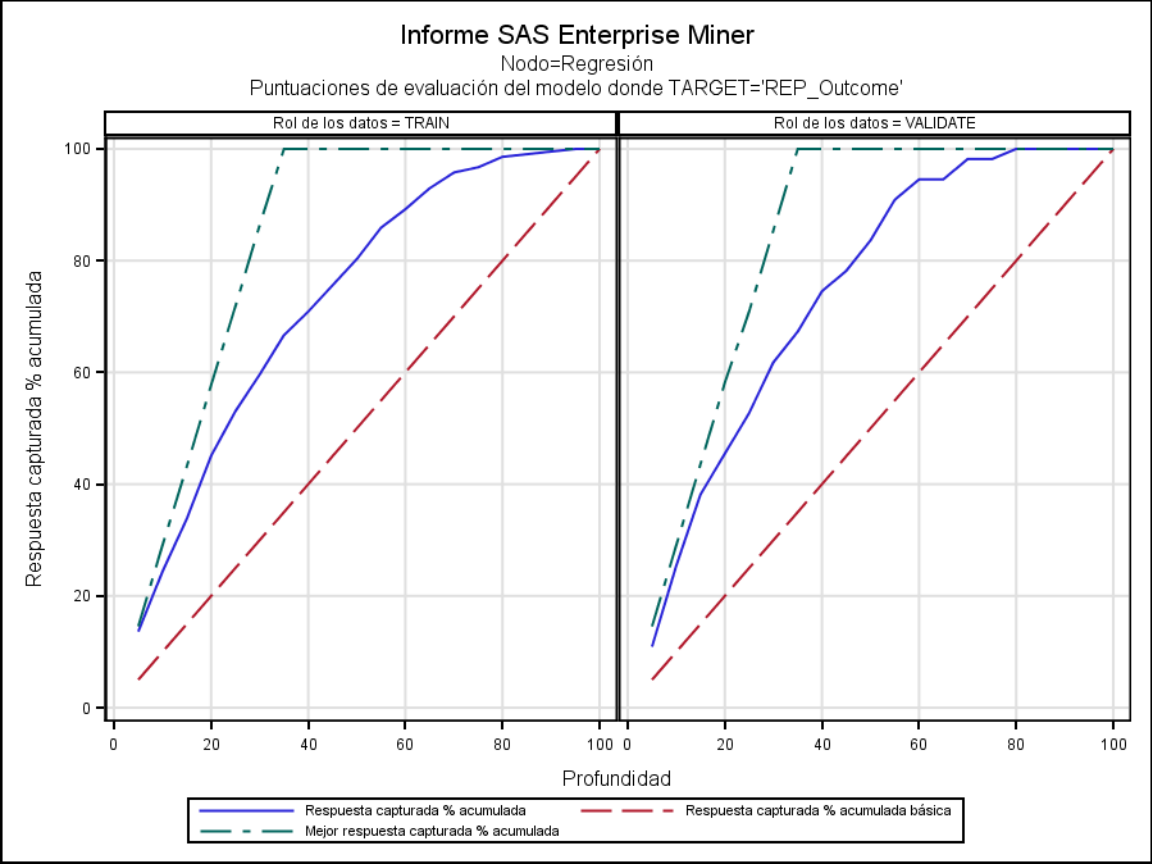
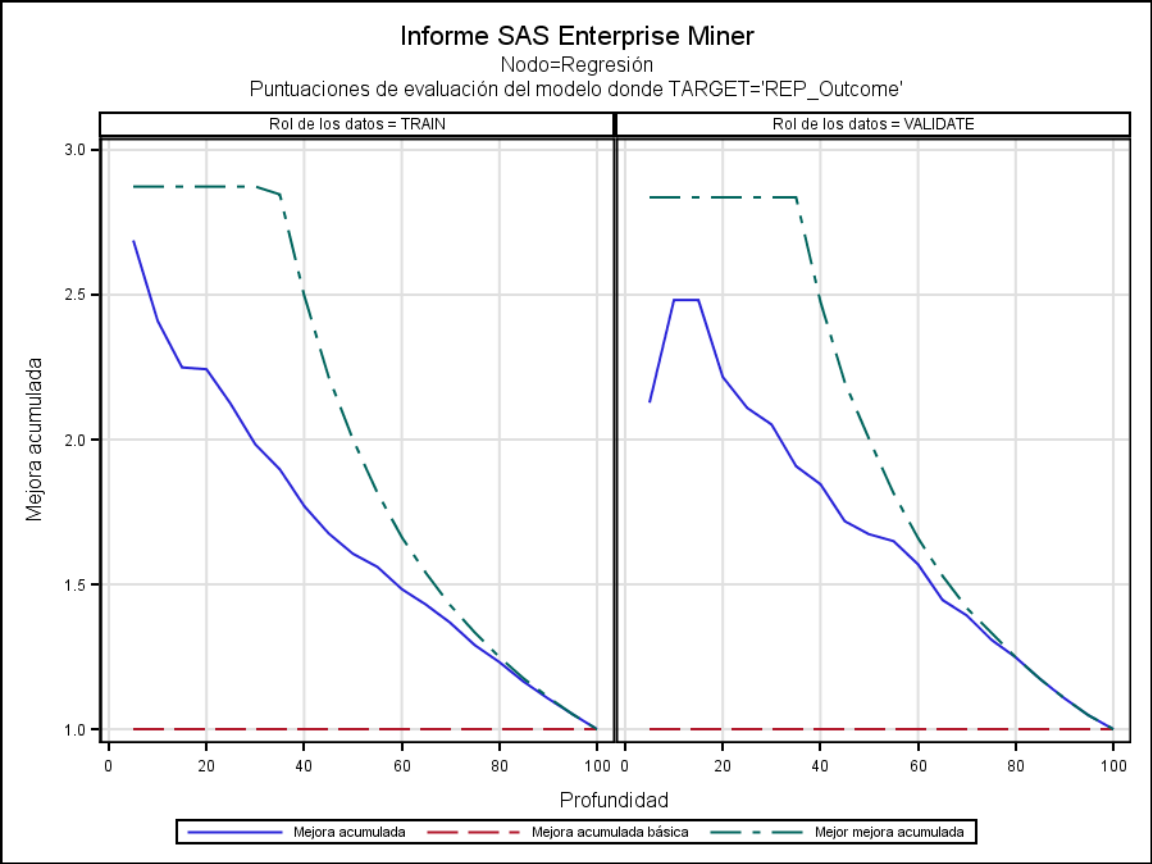
Target=REP_Outcome Etiqueta target=Replacement: Outcome

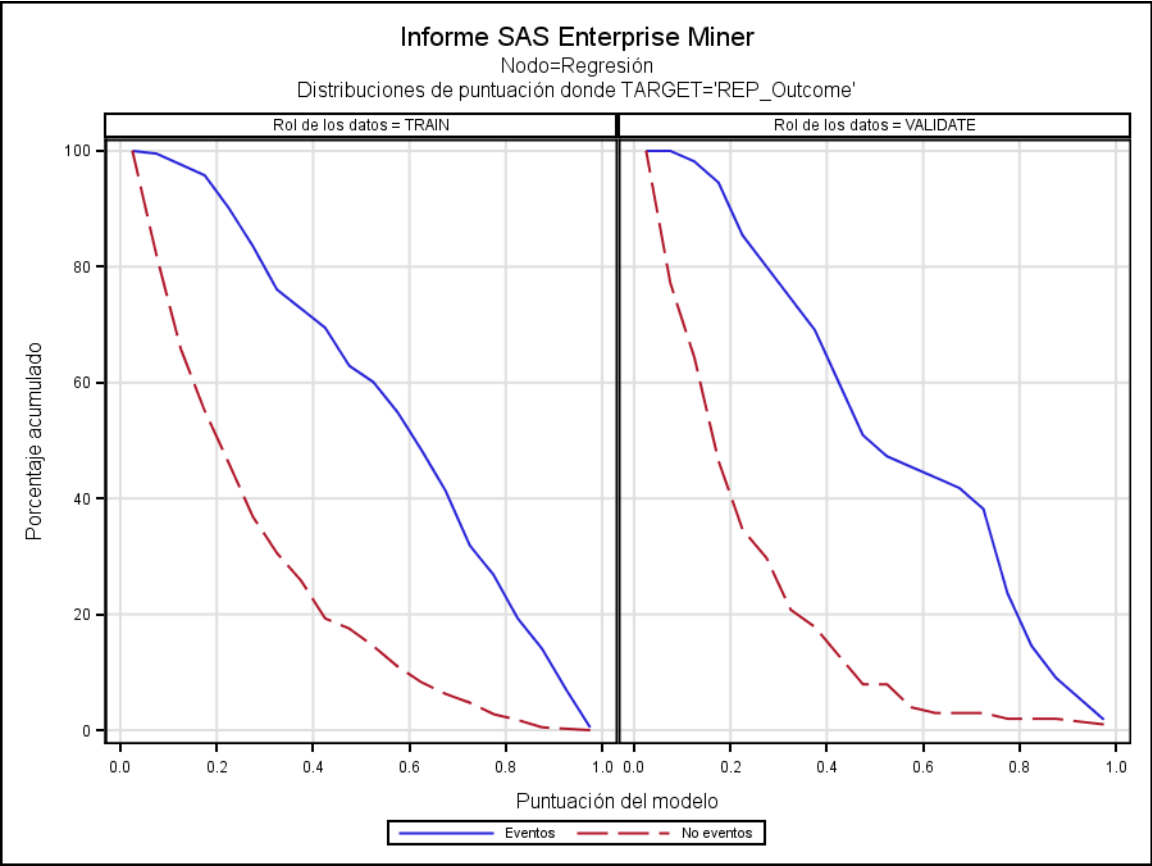
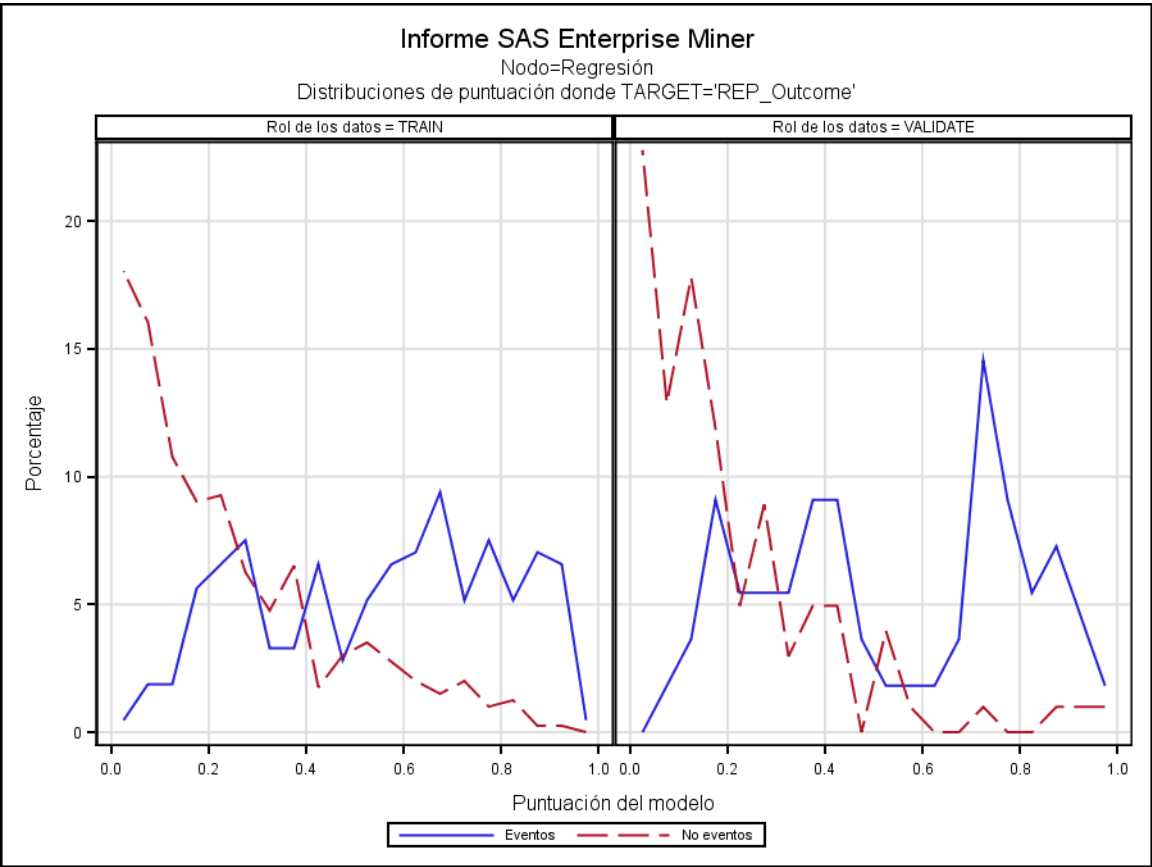
Etiqueta de estadístico	Entrenamiento	Validación	Prueba
Model Degrees of Freedom	7.00	.	.
Total Degrees of Freedom	612.00	.	.
Divisor for ASE	1224.00	312.000	.
Error Function	579.18	144.076	.
Final Prediction Error	0.16	.	.
Maximum Absolute Error	0.96	0.965	.
Mean Square Error	0.16	0.151	.
Sum of Frequencies	612.00	156.000	.
Number of Estimate Weights	7.00	.	.
Root Average Sum of Squares	0.40	0.389	.
Root Final Prediction Error	0.40	.	.
Root Mean Squared Error	0.40	0.389	.
Schwarz's Bayesian Criterion	624.10	.	.
Sum of Squared Errors	192.45	47.182	.
Sum of Case Weights Times Freq	1224.00	312.000	.
Misclassification Rate	0.23	0.237	.



Número de efecto	Variable	Nivel	Coeficiente	T-valor	P valor	Número de efecto	Variable	Nivel	Coeficiente	T-valor	P valor
1	Intercept	1	-36.1802	-10.7854	4.034E-27	5	LG10_REP_IMP_REP_Pregnancies		1.31484	4.02319	0.000057
2	LG10_REP_IMP_REP_Glucose		10.8427	9.1918	3.8619E-20	6	M_Insulin	0	0.54925	2.27773	0.022742
3	LG10_REP_IMP_REP_BMI		7.2348	5.1588	.000000249	7	M_REP_Age	0	-0.42566	-2.19067	0.028476
4	LG10_REP_IMP_REP_DiabetesPedigre		5.5630	4.0844	.000044194







Variable target=REP_Outcome Rol de los datos=TRAIN

Rango de la probabilidad posterior	Número de eventos	Porcentaje de eventos	Porcentaje de no eventos	Porcentaje acumulado de eventos	Porcentaje acumulado de no eventos
0.95-1.00	1	0.46948	0.0000	0.469	0.000
0.90-0.95	14	6.57277	0.2506	7.042	0.251
0.85-0.90	15	7.04225	0.2506	14.085	0.501
0.80-0.85	11	5.16432	1.2531	19.249	1.754
0.75-0.80	16	7.51174	1.0025	26.761	2.757
0.70-0.75	11	5.16432	2.0050	31.925	4.762
0.65-0.70	20	9.38967	1.5038	41.315	6.266
0.60-0.65	15	7.04225	2.0050	48.357	8.271
0.55-0.60	14	6.57277	2.7569	54.930	11.028
0.50-0.55	11	5.16432	3.5088	60.094	14.536
0.45-0.50	6	2.81690	3.0075	62.911	17.544
0.40-0.45	14	6.57277	1.7544	69.484	19.298
0.35-0.40	7	3.28638	6.5163	72.770	25.815
0.30-0.35	7	3.28638	4.7619	76.056	30.576
0.25-0.30	16	7.51174	6.2657	83.568	36.842
0.20-0.25	14	6.57277	9.2732	90.141	46.115
0.15-0.20	12	5.63380	9.0226	95.775	55.138
0.10-0.15	4	1.87793	10.7769	97.653	65.915
0.05-0.10	4	1.87793	16.0401	99.531	81.955
0.00-0.05	1	0.46948	18.0451	100.000	100.000

Variable target=REP_Outcome Rol de los datos=VALIDATE

Rango de la probabilidad posterior	Número de eventos	Porcentaje de eventos	Porcentaje de no eventos	Porcentaje acumulado de eventos	Porcentaje acumulado de no eventos
0.95-1.00	1	1.8182	0.9901	1.818	0.990
0.85-0.90	4	7.2727	0.9901	9.091	1.980
0.80-0.85	3	5.4545	0.0000	14.545	1.980
0.75-0.80	5	9.0909	0.0000	23.636	1.980
0.70-0.75	8	14.5455	0.9901	38.182	2.970
0.65-0.70	2	3.6364	0.0000	41.818	2.970
0.60-0.65	1	1.8182	0.0000	43.636	2.970
0.55-0.60	1	1.8182	0.9901	45.455	3.960
0.50-0.55	1	1.8182	3.9604	47.273	7.921
0.45-0.50	2	3.6364	0.0000	50.909	7.921
0.40-0.45	5	9.0909	4.9505	60.000	12.871
0.35-0.40	5	9.0909	4.9505	69.091	17.822
0.30-0.35	3	5.4545	2.9703	74.545	20.792
0.25-0.30	3	5.4545	8.9109	80.000	29.703
0.20-0.25	3	5.4545	4.9505	85.455	34.653
0.15-0.20	5	9.0909	11.8812	94.545	46.535
0.10-0.15	2	3.6364	17.8218	98.182	64.356
0.05-0.10	1	1.8182	12.8713	100.000	77.228
0.00-0.05	0	0.0000	22.7723	100.000	100.000

Informe SAS Enterprise Miner

Nodo=Comparación de modelos
Sumarización

Id de nodo = MdlComp
Etiqueta de nodo = Comparación de modelos
Ruta meta = FIMPORT => Stat => Repl => Impt => Stat2 => Repl2 => Part => Trans => Tree2 => MdlCom
p
Notas =

Nodo=Comparación de modelos
Propiedades

Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado	Propiedad	Valor	Predeterminado
Component	ModelCompare		NormalizeReportingVariables	Y		ScoreDistBin	20	
AssessAllTargetLevels	N		NumberOfReportedLevels	1E-6		SelectionCriteria	DEFAULT	
DecileBin	20		NumberofBins	20		SelectionData	DEFAULT	
HPCriteria	DEFAULT		ProfitEpsilon	1E-6		SelectionDepth	10	
LiftEpsilon	1E-6		RecomputeAssess	N		SelectionTable	TRAIN	TABLE
ModelCriteria	Valid: Misclassification Rate		RocChart	Y		StatisticUsed	_VMISC_	
ModelDescription	Árbol de decisión (2)		RocEpsilon	0.01		TargetLabel	Replacement: Outcome	
ModelId	Tree2		RoiEpsilon	1E-6		TargetName	REP_Outcome	

Nodo=Comparación de modelos
Resumen de variables

Rol	Nivel	Número de ocurrencias	Nombre
TARGET	BINARY	1	REP_Outcome

Nodo=Comparación de modelos
Tabla de estadísticos de ajuste

Modelo seleccionado	Nodo predecesor	Nodo del modelo	Descripción del modelo	Variable target	Etiqueta target	Criterio de selección: Valid: Misclassification Rate	Train: Average Squared Error	Train: Misclassification Rate	Entrenar: Estadístico Kolmogorov-Smirnov
Y	Tree2	Tree2	Árbol de decisión (2)	REP_Outcome	Replacement: Outcome	0.22436	0.16080	0.23856	0.547
	Reg	Reg	Regresión	REP_Outcome	Replacement: Outcome	0.23718	0.15723	0.23366	0.502
	MBR	MBR	MBR	REP_Outcome	Replacement: Outcome	0.32692	0.17016	0.25000	0.434

Modelo seleccionado	Nodo predecesor	Nodo del modelo	Descripción del modelo	Variable target	Etiqueta target	Criterio de selección: Valid: Misclassification Rate	Valid: Average Squared Error	Valid: Misclassification Rate	Validar: Estadístico Kolmogorov-Smirnov
Y	Tree2	Tree2	Árbol de decisión (2)	REP_Outcome	Replacement: Outcome	0.22436	0.17079	0.22436	0.496
	Reg	Reg	Regresión	REP_Outcome	Replacement: Outcome	0.23718	0.15122	0.23718	0.547
	MBR	MBR	MBR	REP_Outcome	Replacement: Outcome	0.32692	0.20358	0.32692	0.311

Informe SAS Enterprise Miner
Nodo=Comparación de modelos
Diagrama de clasificación
TARGET='REP_Outcome' and _TYPE_='PREDICTION'

