

Konnektivität im Gehirn Lutz Althüser, Tobias Frohoff-Hülsmann, Victor Kärcher, Lukas Splitthoff, Timo Wiedemann

NiMoNa 2016 08. Juni, 2016



Überblick

Motivation und Ziel
Die Modelle
Lineares Modell
Bilineraes Modell
Hämodynamisches Modell

Numerische Methoden Euler-Verfahren

Runge-Kutta-Verfahren (4. Ordnung)

Theoretische Experimente

linear

bilinear

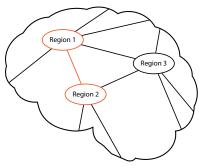
hemodynamisch

Literatur

```
from programs import RK4 as RK4
         from programs import Euler as RK1
         from programs import hemodynamicModel as HM
         from programs import bilinearModel as BM
          Parameter Beispiel 1
       T = 100.
       t0 = 0.
       dt = 0.1
       t = np.arange(t0,T+dt,dt)
                                    # Anfangszeit
                                    # Zeitschrittlaenge
      A = np.array([[-1.,0.,0.],
                                    # Zeitarray
                    [0.3,-1,0.2],
                    [0.6,0.,-1.]]) # Kopplung
     B1 = np.zeros((3,3))
    B2 = np.array([[0 , 0, 0 ], [0 , 0, 0.8],
                                   # Induzierte Kopplung
                    [0.1, 0, 0 ]])
         np.array([B1, B2])
                                 # Zusammenfassen der ind. Kopplung in ei
                                # äußerer Einfluss auf Hirnaktivität
                  (B), len(t)))
  u[1,451:550] = 2.
                               # Stimulus u1
 u[1,251:350] = 5.
 u[1, 691:910] = 2.
                               # Stimulus u2
                               # Stimulus u2
 # Anfangsbedingunden
                              # Stimulus u2
 x 0 = np.ones(15)
x 0[0:6] = 0.
# Zusammenfassen der Parameter für das "hemodynamicModel"
```



Einleitung in DCM - <u>Dynamic Causal Model</u>



Interaktion zwischen verschiedenen Hirnregionen

Konnektivität im Gehirn

Über die Mathematische Modellierung von Interaktionen zwischen mehreren Regionen des Gehirns.

Ziel

Das Aufstellen eines einfachen und realistischen neuronalen Modells aller interagierenden Gehirnregionen.



Einleitung in DCM - <u>Dynamic Causal Model</u>

[Hier ein nettes Bild]

Ziel

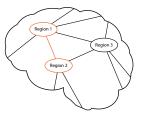
Das Aufstellen eines einfachen und realistischen neuronalen Modells aller interagierenden Gehirnregionen.

- ▶ Rückschlüsse auf die Verschaltung von Hirnregionen
- ► Einfluss der Veränderungen in der neuronalen Aktivität

Datengrundlage des DCM sind funktionelle Magnetresonanztomographien.



Lineares Modell



Vernetzung von Hirnregionen

u Inputs \rightarrow z Outputs pro Hirnregion

Inputs

- direkten Input: Veränderung des neuronalen Zustands
- latenten Input: Veränderung der Vernetzung

Outputs

- ▶ neuronale Aktivität in der Hirnregion
- ▶ ...

$$\dot{z} = A + C_{11}$$

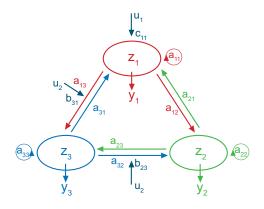
Matrix A: Konnektivitätsmatrix - Verschaltung der Hirnregionen

Matrix C: Einfluss der Inputs auf die neuronale Aktivität einer Hirnregion



Bilineares Modell

Gehirn als nicht-lineares, deterministisches, dynamisches System



$$\begin{split} \dot{z} &= (A + \sum_j u_j B^j) z + C u \\ A &= \begin{pmatrix} a_{11} & a_{12} & a_{13} \\ a_{21} & a_{22} & a_{23} \\ a_{31} & a_{32} & a_{33} \end{pmatrix} \\ B &= \begin{pmatrix} b_{11} & b_{12} & b_{13} \\ b_{21} & b_{22} & b_{23} \\ b_{31} & b_{32} & b_{33} \end{pmatrix} \\ C &= \begin{pmatrix} c_{11} & c_{12} \\ c_{21} & c_{22} \\ c_{31} & c_{32} \end{pmatrix} \end{split}$$



Vergleichbarkeit

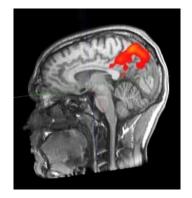
 $\label{eq:Bilineare Modell} \text{Bilineare Modell} \Rightarrow \text{Gehirnaktivit\"aten } z_i(t)$



Vergleichbarkeit

Bilineare Modell \Rightarrow Gehirnaktivitäten $z_i(t)$

Experiment (funktionelle MRT) \Rightarrow BOLD-Signal/Kontrast $y_i(t)$ \approx Sauerstoffgehalt der roten Blutkörperchen





Hämodynamisches Modell

4 biophysikalische Zustandsvariablen übermitteln $z_i(t) \rightarrow y_i(t)$:

 $s_i(t)$: Zusammenfassung mehrerer neurogener Signale

 $f_i^{in}(t)$: (sauerstoffreicher) Blutzufluss

 $v_i(t)$: Venenvolumen

 $q_i(t)$: Desoxyhämoglobinkonzentration

Biophysikalisch:

$$\begin{split} \dot{s}_{i} &= z_{i} - \kappa s_{i} - \gamma \big(f_{i}^{in} - 1\big) \\ \dot{f}_{i}^{in} &= s_{i} \\ \dot{v}_{i} &= \frac{1}{\tau} \big(f_{i}^{in} - f_{i}^{out}\big) = \frac{1}{\tau} \big(f_{i}^{in} - v_{i}^{1/\alpha}\big) \\ \dot{q}_{i} &= \frac{1}{\tau} \big(f_{i}^{in} E_{i} / \rho - v_{i}^{1/\alpha} q_{i} / v_{i}\big) \end{split}$$

BOLD-Signal (fMRT):

$$y_i = V_0(k_1(1 - q_i) + k_2(1 - q_i/v_i) + k_3(1 - v_i))$$

Euler-Verfahren

explizites Verfahren



Runge-Kutta-Verfahren (4. Ordnung)



Numerisches Experiment - linear



Numerisches Experiment - bilinear



Numerisches Experiment - hämodynamisch



Literatur

► Dynamic causal modelling
K.J. Friston et al. / NeuroImage 0 (2003)
web.mit.edu/swg/ImagingPubs/connectivity/Dcm_Friston.pdf



Designfeatures

Hervorhebungen

Wenn man Dinge hervorheben möchte nutzt man entweder Fettdruck, kursive Schrift oder das Schlüsselwort älert". Auch ïtemizeUmgebungen werden von der Stilvorlage überschrieben:



Designfeatures

Hervorhebungen

Wenn man Dinge hervorheben möchte nutzt man entweder Fettdruck, kursive Schrift oder das Schlüsselwort älert". Auch ïtemizeUmgebungen werden von der Stilvorlage überschrieben:

- ► So wird sichergestellt,
- ▶ dass alle Elemente der Präsentation
- ▶ dieselbe Farbe nutzen.

Achtung!

Hier kommt Rot ins Spiel!

Beispiel

Hier kommt Grün ins Spiel!