

Konnektivität im Gehirn

Lutz Althüser, Tobias Frohoff-Hülsmann, Victor Kärcher, Lukas Splitthoff, Timo Wiedemann

Unterstützt durch: Christian Himpe



Überblick

DCM für ein fMRI-Modell - Rückblick

Elektroenzephalographie (EEG)-Modell

Literatur

```
import numpy as np
                                                                              import matplotlib.pyplot as plt
                                                                             from programs import RK4 as RK4
                                                                             from programs import Euler as RK1
                                                                             from programs import hemodynamicModel as HM
                                                                             from programs import bilinearModel as BM
                                                                            # Parameter Beispiel 1
                                                                            T = 100.
                                                                            t0 = 0.
                                                                                                        # Endzeit
                                                                            dt = 0.1
                                                                           t = np.arange(t0,T+dt,dt)
                                                                                                        # Anfangszeit
                                                                                                        # Zeitachrittlaenge
                                                                          A = np.array([[-1.,0.,0.],
                                                                                                       # Zeitarray
                                                                                        [0.3,-1,0.2],
Nichtlineare Erweiterung des fMRI-Modells \frac{z_{eros(\{3,3\})}}{a_{ray}(\{0,1\},0,0,1]}
                                                                                        [0.6,0.,-1.]]) # Kopplung
                                                                                                      # Induzierte Kopplung
                                                                         B = np.array([B1, B2])
                                                                                        [0.1, 0, 0 ]])
                                                                                                     # Zusammenfassen der ind. Kopplung in ei
                                                                       c = np.array([[1, 0],
                                                                                      10, 011)
                                                                                                    # äußerer Einfluss auf Hirnaktivität
                                                                       # Mußerer Stimulus
                                                                       u = np.zeros((len(B), len(t)))
                                                                      u[0,101:-99:200] = 10.
                                                                                                   # Stimulus u1
                                                                      u[1,451:550] = 2.
                                                                      u[1,251:350] = 5.
                                                                      u[1, 691:910] = 2.
                                                                                                   # Stimulus u2
                                                                                                   # Stimulus u2
                                                                     # Anfangsbedingunden
                                                                                                  # Stimulus u2
                                                                     x 0 = np.ones(15)
                                                                     \times 0[0:6] = 0.
                                                                    # Zusammenfassen der Parameter für das "hemodynamicModel"
```



Dynamic Causal Modelling für fMRI

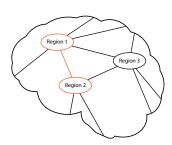
- ▶ 7iel·
 - Modellierung von Interaktionen in einem neuronalen Netzwerk
- ► Ansatz

Modellierung neuronaler Zustandsentwicklung mithilfe einer Taylorreihen-Näherung

- → Netzwerk-Modell
- Vergleichbarkeit mit Experiment: Hämodynamisches Modell:

BOLD-Kontrast ≈ Sauerstoffgehalt der roten Blutkörperchen

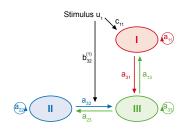
→ Observablen-Modell



Interaktion zwischen verschiedenen Hirnregionen



Bilineares Netzwerk-Modell



- ► A: feste Verknüpfung der Hirnregionen
- ▶ B: Einfluss des Inputs auf Konnektivität
- ► C: Einfluss des Inputs auf neuronale Aktivität der Hirnregionen

$$\dot{z}(t) = f(z(t), u(t))$$

$$\approx f(0, 0) + \frac{\partial f}{\partial z}z + \frac{\partial f}{\partial u}u + \frac{\partial^2 f}{\partial z \partial u}zu$$

$$\dot{z}(t) = A \cdot z + \sum_{i} u_{i} B^{j} \cdot z + C \cdot u$$

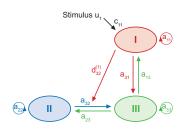
$$A = \begin{pmatrix} a_{11} & 0 & a_{13} \\ 0 & a_{22} & a_{23} \\ a_{31} & a_{32} & a_{33} \end{pmatrix} \quad B^{(1)} = \begin{pmatrix} 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 \\ 0 & b_{32}^{(1)} & 0 \end{pmatrix}$$

$$C = \begin{pmatrix} c_1 \\ 0 \\ 0 \end{pmatrix}$$

→ Neuronale Aktivität ↔ Konnektivität



Nichtlineare Erweiterung



Mathematische Beschreibung

- ► A: feste Verknüpfung der Hirnregionen
- ▶ B: Einfluss des Inputs auf Konnektivität
- ► C: Einfluss des Inputs auf neuronale Aktivität der Hirnregionen
- D: Einfluss der Regionen auf Konnenktivität

$$\dot{z}(t) = f(z(t), u(t))
\approx f(0, 0) + \frac{\partial f}{\partial z}z + \frac{\partial f}{\partial u}u + \frac{\partial^2 f}{\partial z \partial u}zu + \frac{\partial^2 f}{\partial z^2}\frac{z^2}{2}$$

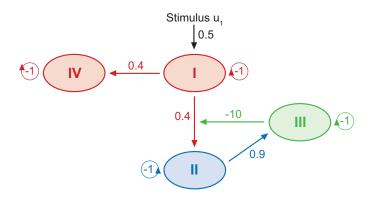
$$\dot{z}(t) = A \cdot z + \sum_{j} u_{j} B^{j} \cdot z + C \cdot u + \frac{1}{2} \sum_{i} z_{i} D^{i} \cdot z$$

$$A = \begin{pmatrix} a_{11} & 0 & a_{13} \\ 0 & a_{22} & a_{23} \\ a_{31} & a_{32} & a_{33} \end{pmatrix} \quad B^{(1)} = \begin{pmatrix} 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 \end{pmatrix}$$

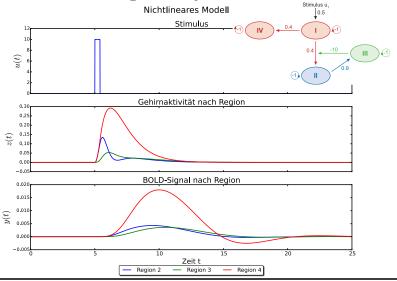
$$C = \begin{pmatrix} c_1 \\ 0 \\ 0 \end{pmatrix} \qquad \qquad D^{(1)} = \begin{pmatrix} 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 \\ 0 & d_{32}^{(1)} & 0 \end{pmatrix}$$



Idee: Autoregulation einer Region

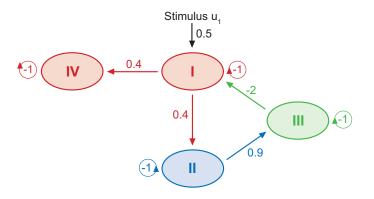






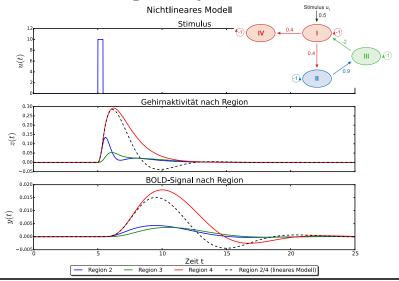


Frage: Selbiges Resultat ohne nichtlineare Erweiterung möglich?



<u>Problem</u>: Einfluss auf weitere Region







EEG-Modell

EEG = Elektroenzephalographie



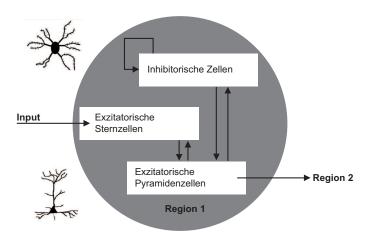


Konzeptioneller Vergleich von fMRI- zu EEG-Modell

| fMRI-Modell | EEG-Modell |
|-------------------------------------|---------------------------------|
| Biologische Beschreibung | |
| Verknüpfung einzelner Neuronen | Verknüpfung von Gehirnbereichen |
| | und Subregionen untereinander |
| Zielgrößen | |
| Gehirnaktivität = abstrakte Größe | direktes Modell für |
| ightarrow biologisches Modell nötig | Potentiale und Impulsraten |
| Mathematische Beschreibung | |
| Taylorentwicklung | Eingangs- und |
| | Ausgangsoperatoren |



Das EEG-Modell

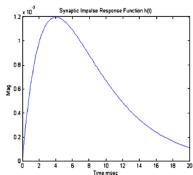




Mathematische Realisierung - Neuroneneingang

Physikalische Größen sind Membranpotentiale und Impulsraten





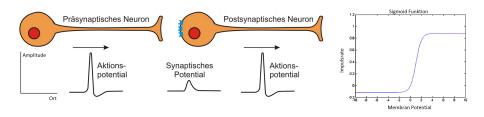
Präsynaptische Impulsrate \rightarrow Postsynaptisches Membranpotential

$$u_{ein}(t)$$

$$u_{ein}(t) \rightarrow v(t) = h(t) * u_{ein}(t)$$

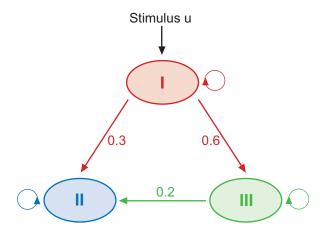


Mathematische Realisierung - Neuronenausgang

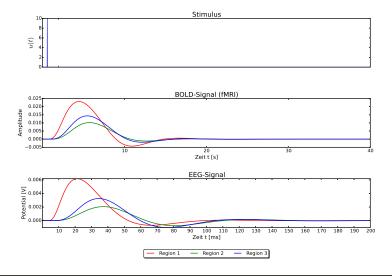


Synaptisches Membranpotential
$$ightarrow$$
 Impulsrate $v(t)
ightarrow u_{aus}(t) = S(v(t))$

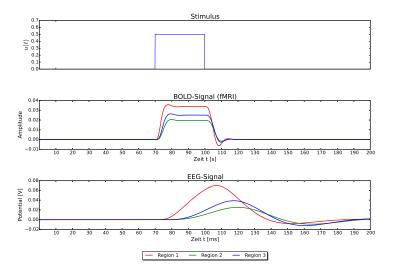




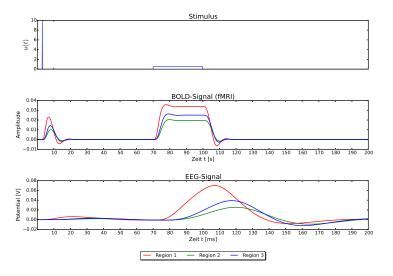














Zusammenfassung

DCM für fMRI:

- ► Netzwerkmodell ≠ Observablenmodell
- ► linearer Term: Gehirn mit statischer Konnektivität
- bilinearer + nichtlinearer Term:
 Gehirn mit dynamischer Konnektivität
- Auflösung der Gehirnaktivität auf langer Zeitskala



Zusammenfassung

DCM für fMRI:

- ► Netzwerkmodell ≠ Observablenmodell
- ► linearer Term: Gehirn mit statischer Konnektivität
- bilinearer + nichtlinearer Term:
 Gehirn mit dynamischer Konnektivität
- Auflösung der Gehirnaktivität auf langer Zeitskala

DCM für EEG:

- Netzwerkmodell = Observablenmodell
- ► Gehirn mit Substrukturen: intrinsische Dynamik
- ► Auflösung der Gehirnaktivität auf kurzer Zeitskala ⇒ Spektralanalyse



Literatur

- Dynamic causal modelling
 K.J. Friston, L. Harrison and W. Penny / NeuroImage 4 (2003)
 web.mit.edu/swg/ImagingPubs/connectivity/Dcm_Friston.pdf
- ► Synaptischer Spalt
 In: Gedankenschatz: Bewusstsein- und Persönlichkeitsentfaltung
 http://gedankenschatz.de/quantenphysik-im-kopf/ (Abgerufen: 6. Juli 2016,
 12:28 UTC)
- ► Sternneuronen

```
http://gdpsychtech.blogspot.de/2014/06/
medium-spiny-neurons-msn.html (Abgerufen: 6. Juli 2016, 12:28 UTC)
```



Literatur

► Pyramidenzellen

http://www.ruf.rice.edu/~lngbrain/Sidhya/ (Abgerufen: 6. Juli 2016, 12:28 UTC)

 Aktionspotential und Neurotransmission
 In: Institut for complex Systems, Forschungszentrum Jülich http:

//www.fz-juelich.de/ics/ics-4/DE/Forschungsthemen/02Biogene

(Abgerufen: 6. Juli 2016, 12:28 UTC)

► EEG and ERP Laboratory Experiment Demonstration
http://jerlab.psych.sc.edu/infantdevelopmentlab/pwreegdemobaby/
pwrbabydemo1.htm (Abgerufen: 6. Juli 2016, 12:28 UTC)