

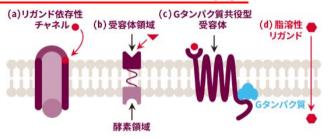
細胞間のシグナル伝達(2)

G 蛋白共役受容体と受容体型チロシンキナーゼ、JAK-STAT 経路

https://l-hospitalier.github.io

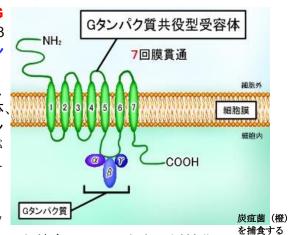
2020.2

右図は(a) 膜結合型イオン開口型(b) 酵素連 (a)リガンド依存性 結型(c) G蛋白質共役型(d) 脂溶性リガンド の核内、の各受容体。 水溶性の分子(蛋白、ペプチド、アミン類のホルモン) は細胞膜受容体に作用し、疎水性のシグナル分子(副腎皮質ホルモン、甲状腺ホルモン、脂溶性ビタミン) は細胞膜を通過し核内受容体と結合して転写因子



として DNA の転写を制御する。これは蛋白の合成を制御するので効果発現に時間がかかる。 後述の JAK-STAT 経路を持つ受容体型チロシンキナーゼも最終的に核内で転写 因子に作用。(c)の【G蛋白質共役型受容体: G protein- coupled receptor: GPCR】は M ロッドベルと A グッドマン・ギルマン*1 が GTP 結合蛋白 (グアノシン 3 リン酸結

合蛋白)の構造と機能を解明。 細胞膜 7 回貫通型 (G蛋白共役) 受容体の構造は右図で細胞内の G蛋白の 3 量体とリンクして働く。 1986 年に網膜のロドプシンと心筋の β アドレナリン受容体が同一構造を持つことがきっかけで GPCR が発見された。 臭覚受容体、ムスカリン性アセチルコリン受容体、ドパミン受容体、GABA 受容体やオピオイド、アデノシン、ヒスタミン受容体も GPCR。ヒトゲノムには約 800 の GPCR がコーディングされている。 GPCR の構造は、細胞外に N 末端と 3 か所のループ、細胞膜に 7 本の α ヘリックス貫通部、細胞内に 3 か所のループと C 末端を持ち、5、6 番の貫通部の細胞内ループには α (GTP/



顆粒球(苗)

GDP が結合)とβ、γのG蛋白の3量体が結合、GTPと結合しているときは活性化、GDP 結合で不活性に切り替わる。(b)の【酵素関連受容体】は細胞外に受容体、細胞内に酵素(チロシンキナーゼ/セリン・トリオニンキナーゼ 他)を持つ。 蛋白の翻訳後修飾には①限定分解②糖鎖付加③リン酸化④アセチル化⑤メチル化⑥ユビキチン化などがある。蛋白アミノ酸残基のリン酸化は99%がセリン/トレオニン残基で起きる。チロシンのリン酸化は0.1%だが生理的に重要。チロシンキナーゼを活性化する受容体は2種、①は細胞膜1回貫通型の受容体型チロシンキナーゼ(RTK: Receptor Tyrosin Kinase)と、②の JAK <u>キナーゼ</u>(Janus/Just another kinase)が結合する JAK-STAT 経路(signal transducer and activator of transcription)。 サイトカイン伝達経路は大部分が②の JAK-STAT 経路。 重要なシグナル蛋白 STAT は7種あり核内に入り転写因子^{*2}として働く。 ①の RTK は多数あるが有名なのはインスリン受容体。 リガンドのインスリン/IGF-I,II (インスリン様成長因子)が受容体(細 インスリン

胞外のα鎖)に結合すると2つのRTKの細胞内のβ鎖は リン酸化されて接近し、お互いに細胞内部位(β鎖) をリン酸化しあい、細胞内カスケードを以下のよう に活性化する。RTKの活性化はインスリン受容体 基質(IRS1)をリン酸化して活性化、IRS1はPI3 カイネース(Phospho-inositide 3-kinase)と結合、 PKB(Protein Kinase B = Akt*3)をリン酸化して活性化、脂肪組織と横紋筋のGLUT4(グルコース輸送 体4)を細胞膜上に移動してグルコースの細胞内へ

の取り込みを開始する。

鎖は ガルコース IR GLUT4 PKB/Akt PKB/Akt GLUT4

¹ 薬理書「グッドマン&ギルマン」の著者 A ギルマンは共著者 L グッドマンに敬意を表し、子息をグッドマンと命名。この A グッドマン・ギルマンと M ロッドベルが GTP 結合蛋白 (G 蛋白) の構造と機能の研究で 1994 年ノーベル賞。
² 脂溶性でないサイトカインが JAK-STAT を活性化して信号を素早く核内の送り込むことに注意。 ³PKB の別名 Akt は元々形質転換能を持つレトロウイルス ATK8 の癌遺伝子として同定されたセリン/トレオニンカイネースの遺伝子。

#227