

PCR、TMA と結核菌の遺伝子診断

https://l-hospitalier.github.io

2016.8

結核菌の検出は①喀痰の培養(ミジット法: MGIT)②培養結核菌の特異的蛋白 PB64 の検出(キャピリア TB)など結核菌発育に依存した方法(表現形)を使う限り最短 7日が必要。 塗抹検鏡は迅速だが、標本作成時の 2 次感染問題や非結核性抗酸菌の判別ができず感度も低い。 シータス社のマリスが PCR*を発明後プライマーやプローブのデザインで結核菌の検出と同定を同時に行うことができる。 ③血中リンパ球の結核菌に対する γ インターフェロン産生を検出するクオンティフェロン、T-SPOT などは感染の診断に有力。 DNA ポリメラーゼは 5'→3'の方向への鎖の延長 (図の左列の上から下へ) しかできない。

Thymine
Adenine

5' end

NH 2

S' end

Guanine

5' end

鎖の延長

#型となるDNA 5' フライマーRNA 5' リーディング鎖 5' 3' マーディング鎖 5' ラギング鎖 移動方向 お動方向 3' 5' ラギング鎖

ではなく鎖そのものの合成開始にはプライマーが必要。DNA 二重鎖(三重や四重もある)の複製時は5'→3'(リーディング鎖)は二重鎖を開きながらコピーできるが、反対側(ラギング鎖:左図下方)は開いた DNA 鎖を逆方向に短く複製しては開き、を繰り返し DNA リガーゼによって一本の DNA に合成する。この価・フラグメント**の合成開始にも RNA

プライマーゼという酵素が作る 20 塩基ほどの RNA(プライマー)が必要。 この RNA は完成後除去される。 結核菌の遺伝子診断には DNA-DNA Hybridization 法(DDH マイコバクテリア 岐阜大、極東)が理解容易。各種結核菌、抗酸菌の一本鎖 DNA 標本を用意しておき被検菌の 1 本鎖 DNA と 2 本鎖形成の有無を検査、非定型抗酸菌種決定に威力を発揮する(但し小川培地で 8 週、数 mg の培養菌を得た後)。数時間の<mark>核酸増幅法</mark>:①RT-PCR(DNA のリアルタイム PCR、TaqMan 等)②TMA***(Transcription Mediated Amplification、MTD2 法:Mycobacterium Tuberculosis Direct:ダイレクト TB)など結核菌の 16s rRNA の増幅同定法*** ③結核菌特異蛋白 Pab(Protein antigen b)をコードする DNA をリガーゼ連鎖反応(Ligase Chain Reaction)で検出。④LAMP 法。

リボゾームの小サブユニットの RNA(rRNA、約 1600bp)は微生物の系統分類に有効で古細菌もこれで分類。結核菌も固有の 16s rRNA 塩基配列を持つ(真核生物は 18s rRNA)。 本来の遺伝子 DNA の解析ではないが、早期結核診断の有用性は PCR と変わらない***。 全生物が持つ塩基配列が 3 か所にあり、ユニバーサルプライマーとして使用可能。 血液、heparin による PCR 阻害注意。 培養の併用も必要だが、核酸増幅法で TB の診断は結核病棟に転院。 培養は転院後で OK。

*PCR (Polymerase Chain Reaction) の特許はロッシュに売却、ロッシュ・ダイアグノスティックの商品名はアンプリコア (現在 PCR 特許は期限切れ)。 **岡崎フラグメント (岡崎玲治 1967、名大)。 ***感度 100%, 特異度 99.6%

#55