

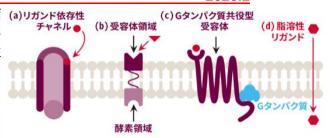
細胞間のシグナル伝達(2)

G 蛋白共役受容体と受容体型チロシンキナーゼ、JAK-STAT 経路

https://l-hospitalier.github.io

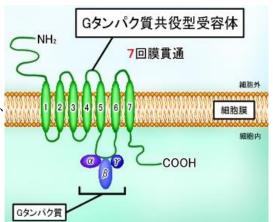
2020.2

右図は(a) 膜結合イオン開口型(b) 酵素連結(a)リガンド依存性型低分子 G 蛋白(c) G 蛋白質共役型(d) 脂溶性リガンドに対する核内、の各受容体。 水溶性の分子(蛋白、ペプチド、アミン類のホルモン)は細胞膜受容体と結合し、疎水性のシグナル分子(副腎皮質ホルモン、甲状腺ホルモン、脂溶性ビタミン)は細胞膜を通過し核内受容体と結



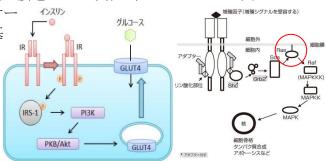
合して**転写因子**として DNA の転写を制御する。これは蛋白合成を制御するので効果発現に時間がかかる。 後述の JAK-STAT 経路を持つ受容体型チロシンキナーゼも最終的には核内転写因子に作用。(c) の【G 蛋白質共役型受容体:G protein-coupled receptor: GPCR】は M ロッドベルと A グッドマン・ギルマン** が GTP 結合蛋白 (グアノシン 3

リン酸結合蛋白)の構造と機能を解明。 右図は細胞膜7回貫通型G蛋白共役受容体の構造で細胞内のG蛋白3量体と連動して作動。1986年網膜ロドプシンと心筋のβアドレナリン受容体が同一構造を持つことがきっかけでGPCRが発見された。 臭覚受容体、ムスカリン性アセチルコリン受容体、ドパミン受容体、GABA 受容体やオピオイド、アデノシン、ヒスタミン受容体もGPCR。 ヒトゲノムには約800のGPCRがコーディングされている。 GPCRの構造は細胞外にN末端と3か所のループ、細胞膜中に7本のαヘリックス貫通部、細胞内に3か所のループとC末端(COOH)を持ち5、6番の貫通部の細胞内ループに



GTP/GDP が結合する α と β 、 γ の G 蛋白 3 量体が結合、GTP と結合しているときは活性、GDP で不活性に切り替わる。(b)の 【酵素連結型低分子 G 蛋白受容体】 は細胞外に受容体、細胞内に酵素(チロシンキナーゼ/セリン・トリオニンキナーゼ他)を持つ。 蛋白の翻訳後修飾には①限定分解②糖鎖付加③リン酸化④アセチル化⑤メチル化⑥ユビキチン化がある。 蛋白アミノ酸残基のリン酸化は 99%がセリン/トレオニン残基で起きる。 チロシンのリン酸化は 0.1%だが生理的に重要。 チロシンキナーゼを活性化する受容体は 2 種、①細胞膜 1 回貫通型の 受容体型チロシンキナーゼ(RTK: Receptor Tyrosin Kinase)と ②JAK キナーゼ(Janus/Just another kinase)が結合している JAK-STAT 経路(signal transducer and activator of transcription)。 サイトカイン伝達経路は大部分が②の JAK-STAT 経路。 重要なシグナル蛋白 STAT は 7 種あり核内に入り転写因子 として働く。 モノクローナル抗体の JAK-STAT 阻害剤(オルミエント etc.)が関節リューマチ薬として市販。 ①の RTK は多数あるが有名なのはインスリン受容体。 リガンドのインスリン/IGF-I,II(インスリン様成長因子)が受容体(細胞外 α 鎖)に結合すると 2 つの細胞内 β 鎖は接近して G 蛋白(JAK-STAT では図

赤丸の Ras 蛋白)をリン酸化して細胞内カスケードを活性化。 β 鎖活性化はインスリン受容体基質 (IRS1) をリン酸化して活性化、IRS1 は Pl3カイネース(Phospho-inositide 3-kinase)と結合、PKB(Protein Kinase B = Akt*3)をリン酸化して活性化、脂肪組織と横紋筋の GLUT4(グルコース輸送体 4)を細胞膜上に移動してグルコースの細胞内への取り込みを開始する。



¹ 薬理書「グッドマン&ギルマン」の著者 A ギルマンは共著者 L グッドマンに敬意を表し、子息をグッドマンと命名。この A グッドマン・ギルマンと M ロッドベルが GTP 結合蛋白 (G 蛋白) の構造と機能の研究で 1994 年ノーベル賞。
2 脂溶性でないサイトカインが JAK-STAT を活性化して信号を素早く核内の送り込むことに注意。3 PKB の別名 Akt は元々形質転換能を持つレトロウイルス ATK8 の癌遺伝子として同定されたセリン/トレオニンカイネースの遺伝子。

#226