



リソソーム系オートファジーとユビキチン・プロテアソーム系

若年性パーキンソン病との関連

https://l-hospitalier.github.io

2020.2

リソソーム

蛋白は DNA→mRNA→リボゾームで合成され、アミノ酸の 1次 配列がほぼ高次構造(立体配置)を決定する。 オン病のパーキンソン病など高次構造の異常が蛋白 機能に重要であることが判明し、折り畳みに失敗した 蛋白や、ほどけてしまった蛋白はどう処理されるの か? 蛋白の寿命は数分(細胞分裂時のサイクリン) から一生(目の角膜)まであり寿命は分解で制御され ている。 動物細胞内には<mark>【リソソーム】</mark>という区域 があり、細胞表面異物や内部の不要になった細胞成分(壊

オートファゴソーム オートリソソーム ユビキチン・ ユビキチン プロテアソーム系 プロテアソーム

隔離膜

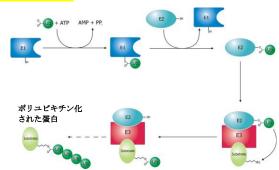
オートファジ

(自食作用)

れたミトコンドリアなど)を(エンド/ファゴサイトーシスで)取り込んだ**オートファ ゴゾーム**が形成される。 これが分解酵素(ヌクレアーゼ(核酸)、プロテアーゼ(蛋 白)、ホスファターゼ(リン脂質))を持つ**リソソーム**と融合して**オートリソソーム**に なり非選択的に蛋白を分解処理する。この過程はオートファジーと呼ばれ(無差別な) 細胞内器官の材料の再生処理過程とおもわれる。【ユビキチン修飾】蛋白の折り畳みが うまくいかなかった失敗作の蛋白の処理はオートファジ

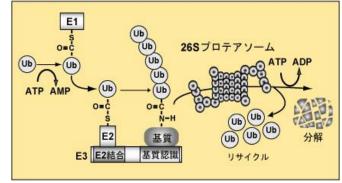
から哺乳類まで良く保存されたユビキチン*1(ubiqutin、 ubiq-はいたるところという意) という 76 アミノ酸の熱シ ョック蛋白(HSP, 分子シャペロン) が分解すべき蛋白を 選別、結合して標識。 ユビキチンの結合は ATP 依存性の 3 種の酵素 (E1~E3) による。 ユビキチン活性化酵素 (E1) は**ユビキチン**とチオエステル結合を形成しユビキチンと

ーとは異なる選択的な排除が行われる。 種によらず酵母

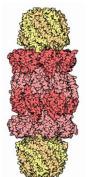


ユビキチン結合酵素(E2)の結合が可能となる。 さらに ユビキチンの C 末端と基質タンパク質上のリジン残基との間にイソペプチド結合を形 成、後者の結合はユビキチンリガーゼ(E3)=Parkin を必要としE3 リガーゼは単量体サ ブユニット酵素にも多量体サブユニット酵素にもなることができる。 E3 リガーゼには

多くの種類があり各 E3 リガーゼはある種の 基質タンパク質のサブセットのみを修飾する 特異性を有して更なる特異性を発揮。モノユ ビキチン化は、エンドサイトーシスと DNA 損傷に影響し、細胞内タンパク質の局在およ び輸送も変える。複数回ユビキチン化された ポリユビキチン鎖は結合した標的タンパク質 をプロテアソームで分解する。 ユビキチンは 脱ユビキチン化酵素(DUB; Deubiquitinating **Enzyme**)で切り離されて再利用。 **【ユビキ**



<mark>チン−プロテアソーム系】プロテアソーム(Proteasome</mark>)は 26S の円筒形で 19S の蓋 をもつシャペロニンに似た蛋白分解装置で、処理する蛋白質に付加されたユビキチン鎖 を認識し ATP 依存的に迅速に不可逆分解する。 真核細胞では細胞周期調節蛋白が適切 な期間存在することで細胞分裂を制御しユビキチン・プロテアソーム系の異常は癌など の発生にかかわると予想される。 また小胞内で適切に折りたたまれなかった蛋白も分 解する。 この系は不要蛋白質の分解、抗原提示、細胞周期調節など重要な役割を果た し、破綻して膜電位を喪失したミトコンドリア上の PINK1 (PTEN*2-induced kinase 1) がユビキチン連結酵素 Parkin(E3) を活性化、プロテアソームでミトコンドリアを分 解する。 これに失敗するのが**家族性パーキンソン病**発症の原因と考えられる**。



プロテアソー ムの分子模型

*¹ユビキチンによる蛋白分解で A チカノーバ、A ローズ, A ハーシュがノーベル化学賞 (2004)。ユビキノンも同様の 命名で CoQ10 のこと。 AHA は 2005 年心不全に推奨できないと。 *2 PTEN:phosphate and tensin homolog deleted on chromosome ten。PTEN ホスファターゼ異常はヒトの癌でみられる。*³Tanaka K et al: Clin Neurol 2010;50:2010.