## インフルエンザ(1)

A型の感染経路・

https://l-hospitalier.github.io

2019.9

↑ A 型インフ ルエンザ・ウイ ルス by CDC

ĊООН

Neu5Ac

【インフルエンザウイルス】はエンベロープを持つウイルス遺伝情報は一本鎖 ssRNA (single strand RNA) マイナス鎖ウイルス(リボゾームが解読する mRNA と同じ形式 がプラス RNA ウイルス、ポリメラーゼ連鎖反応(PCR)はこれと相補的塩基配列を持 つ鎖を複製し、この相補塩基配列と合致するのがマイナス RNA ウイルス)で A、B、C の3型ある。 一般にはA、B型が大流行をするので問題となり、C型は新生児以外は 重要視されない。 【A型】遺伝子のRNA はエンベロープ内の NP 蛋白に巻き付いてお りインフルでは NP 蛋白が**カプソメア**で、**ヌクレオカプシド**(#208 参照) が RNA と 8 分節を形成する。 NP 蛋白の末端には RNA ポリメラーゼがあり、遺伝子 RNA の複製 を行う。それぞれのヌクレオカプシドの端は RNA ポリメラーゼがあり宿主のリボゾー ムを使って RNA を複製して増殖する。 【感染第1段階 - 取り込み】最外側には分離 した宿主細胞の細胞膜由来の脂質2重層からなるエンベロープがある。 エンベロープ は構造蛋白 M1、水素イオンチャネルの M2 蛋白とヘマグルチニン(赤血球凝集素 OH HA)、ノイラミニダーゼ(NA)のスパイク(突起)を持ち、血液凝集能を持 つ HA が宿主細胞のレセプターであるシアル酸と結合する\*1。 シアル酸は炭素 HO 9分子からなりアミノ基(-NH)とカルボキシル基(-COOH)をもつノイラ ミン酸の修飾体の総称で5位のアミノ基がアセチル化されたNアセチルノイ ラミン酸(右図 Neu5Ac)がシアル酸の最もメジャーな存在。 多様な生物に

存在し体内の器官をコーティングする粘液質の主成分。 負に帯電し病原菌に対

**する囮**として作用し、赤血球表面にも多く存在、負に帯電して相互結合を防ぐ。

スクレオカプシド(8分節)

RNA ポリメラーゼ (PA, PB1,PB2)

ヘマグルチニン (HA) ノイラミニダーゼ (NA)

ンフル・ウイルスのヘマグルチニン(HA)が宿主細胞表面のシアル酸に結合し、宿主 細胞の働きで受動的にウイルスが細胞内に取り込まれるの が感染の第一段階。 囮の粘液のシアル酸と結合したウイ ルスはノイニラミダーゼ NA の作用で HA -シアル酸結合 を切断して脱出、再度細胞表面のシアル酸と結合する。

NA は増殖したウイルスが細胞から脱出するときもシア

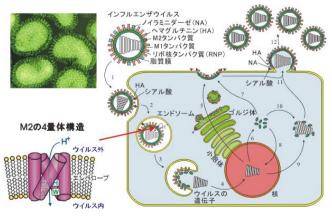
ル酸との結合を切り離す重要な役割を果た

し、NAの働きを阻害するオセミタビ ル(タミフル)、ザナビル(リ レンザ)が抗インフル薬として カプソマー ウイルス核酸 (ssRNA) 実用化。【感染第2段階 - 脱殼】

ウイルスは自身のエンベロープ

や細胞に取り込まれた時の宿主細

胞膜(初期エンドゾーム)に取り囲まれ、RNA はヌクレオカプシ ドに保護されているので宿主細胞のリボゾームにアクセスできない。



エンベローブ

M2 蛋白

ウイルス表面にはエンベロープを貫通する筒 状の M2 蛋白があり、水素イオンを通過させる \*2。 エンドゾームの内部は時間経過で次第に 弱酸性に変化\*3。 M2 は pH 変化で H\*チャネル を開き、内部を酸性化して殼を破壊。 HA (HA<sub>0</sub>) は宿主細胞の蛋白分解酵素により HA1と HA2 に分離 (**HA の開裂**) して脱殻を促進。インフ ルがヒトでは呼吸器、トリでは消化器に感染す るのは蛋白分解酵素の分布による。 黄色ブ菌 はこの種の蛋白分解酵素を産生するのでイン フルと黄色ブ菌の重複感染は重症化\*4。

゙¹シアル酸に隣接するガラクトースとの結合がヒトでは α2-6 結合、トリでは α2-3 結合がレセプターの特異性の原因。 <sup>2</sup>アマンタジンは M2 蛋白のイオン・チャネル作用を阻害してウイルスの脱殻を阻害する抗インフル薬。<sup>3</sup>本来エンドサ イトーシスは細胞表面の異物を細胞内に捕捉し破壊するための機構で、プロトンポンプの作用でエンドゾーム内部は次 第に酸性化する. <sup>\*4</sup>H5, H7 亜型の鳥インフルなどは蛋白分解酵素の種類によらず脱殻するのが強毒化の原因とされる。