

コロナウイルスの mRNA ワクチン

ほとんどの真核細胞と真核細胞に感染するウイルスの mRNA は<mark>【モノシストロン</mark>

https://l-hospitalier.github.io

2021.5



Marylin Kozak, PhD

性 mRNA】で mRNA の塩基配列と蛋白のアミノ酸配列コードが 1 対 1 に対応。 これ は mRNA の読み取り方(起点と終点、読み取り枠 open reading frame)が一意(unique) に定まる。 一方原核生物の細菌やファージ (細菌に感染するウイルス) では 【ポリ <mark>シストロン性 mRNA】</mark>で、開始点と終止点を複数持つ。 **1** つの mRNA が複数のア ミノ酸配列コード領域を持つ場合は一連の代謝系酵素系が多く、代謝系の活性に極 端な律速段階を作らないことにつながる。 読み取り領域がオーバーラップして1

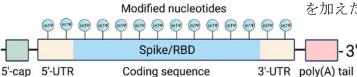
つの塩基配列から読み取り開始点と終止点(open reading frame)を変えることで 機能的に複数のアミノ酸配列に対応している場合もある。原核生物では開始コドン

(AUG) のさらに数塩基上流にシャイン・ダルガノ (SD) 7 塩基配列 (AGGAGGU) を持ちここにリボゾームが結合する(#164参照)。 真核生物では SD 配列の代わりに AUG の開始コドンを含む**コザック**共通配列*1 (Kozak's consensus sequence:

5'-RNNAUGG-3') から翻訳を開始する(Kozak 共通配列はリボゾーム結合部位ではな く翻訳の開始点。 原核生物ではスプライシングしないので SD 配列が結合点であると 同時に開始点)。なお tRNA は古市の発見した 5'CAP 構造*2 と真核開始因子 (eukaryotic initiation factor)に結合して AUG の開始コドンを検索し始める。 【mRNA ワクチン】 ワクチンは病原体のエピトープを抽出、病原性をなくする処理をして生体に抗体を作ら せる。 一般には蛋白が使われるが、病原体の mRNA を膜につつんで失活しないように して宿主体内に入れ、宿主のリボゾームを使って病原体蛋白を産生させる方法。 ファ イザー・ビオンテック(Pfizer・BioNtech)とモデルナは mRNA ワクチンでシノバック (中国) やスプートニク V (ロシア) は遺伝子組み換えで作成した蛋白にアジュバント

Katalin Kariko, PhD

#287



を加えた従来型。 古市氏によるとコロナ用 mRNA

> ワクチンは左図の構造で5'CAPに蛋白に翻 訳されない 5'-UTR。 Spike/RDB はウイル ス表面のスパイク蛋白のアミノ酸配列で、

その中にコロナの ACE2 レセプターと結合する領域 (receptor binding domain) がある。 mRNA は外から投与しても自然免疫系により PAMPS として排除されるので mRNA ワ クチンは成立しないと考えられていた。 ハンガリーのカリコー・カタリン (Katalin Kariko) は渡米後、ウリジンを 1-メチル・シュードウリジン ψ で置換した modifiedmRNA は実験動物の自然免疫で排除されず、細胞内に入りウリジンとして読まれてア デニンと水素結合、有効に蛋白合成するのを発見(2008)*3、コロナ mRNA ワクチン が成立(彼女は現在 BioNtech の副 CEO)。 この mRNA を脂肪微粒子 (LNP: lipid nano

particle) で包む。 宿主細胞内に入ると mRNA はスパイク蛋白を合 成、細胞表面に配置されるので抗原提示細胞となる。 これがリンパ 節でナイーブ T 細胞を活性化する(#283 参照)。(十分理解できて いません。 ホットなテーマなので自分で良く確認のこと)

<ワクチンRNA作成レシピ>

IOX転写反応液 (DNase - RNaseフリー中性緩衝液)、Mg、塩少々ATP、GTP、CTP 各5 mM (終濃度) ΨTP (あるいはNImΨTP) 5 mM キャッププライマーm7GpppGpAmpG (TriLink社製CleanCap^R) 4 mM 直鎖状にしたプラスミド DNA template 25~50 μg Murine RNase inhibitor 25 Units Yeast inorganic pyrophosphatase 0.04 Unit T7 RNA ポリメラーゼ 1,280 Units

これらに蒸留水を加えて、全量1 mlとし、数時間加温してキャップ mRNAの酵素反応合成を進める。

*^{*1}Marylin Kozak ^{*2}mRNA の 5'に結合する CAP 構造(7 メチルグアニル酸)はミトコンドリアや葉緑体の mRNA には ない。 CAP はエキソヌクレアーゼによる RNA 分解を阻止する。 1975 年に東大の古市と三浦が発見。3 阪大、審良静 男、ペンシルバニア大 Wessmann との共同研究。