

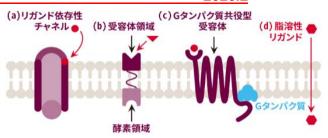
## 細胞間のシグナル伝達(2)

G 蛋白共役受容体と受容体型チロシンキナーゼ、JAK-STAT 経路

https://l-hospitalier.github.io

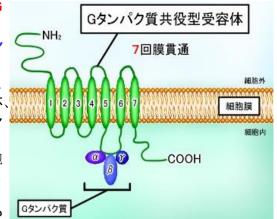
2020.2

右図は(a)膜結合イオン開口型(b)酵素連結(a)リガンド依存性型(c)G蛋白質共役型(d)脂溶性リガンドに対する核内、の各受容体。水溶性の分子(蛋白、ペプチド、アミン類のホルモン)は細胞膜受容体に作用し、疎水性のシグナル分子(副腎皮質ホルモン、甲状腺ホルモン、脂溶性ビタミン)は細胞膜を通過し核内受容体と結合して転写因

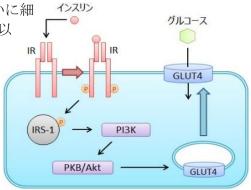


子として DNA の転写を制御する。これは蛋白合成を制御するので効果発現に時間がかかる。 後述の JAK-STAT 経路を持つ受容体型チロシンキナーゼも最終的に核内で転写 因子に作用。(c)の【G 蛋白質共役型受容体: G protein-coupled receptor: GPCR】は M ロッドベルと A グッドマン・ギルマン\*1 が GTP 結合蛋白 (グアノシン 3 リン酸結

合蛋白)の構造と機能を解明。 細胞膜 7 回貫通型 (G蛋白共役) 受容体の構造は右図で細胞内の G蛋白 3量体とリンクして作動。 1986年に網膜のロドプシンと心筋の βアドレナリン受容体が同一構造を持つことがきっかけで GPCR が発見された。 臭覚受容体、ムスカリン性アセチルコリン受容体、ドパミン受容体、GABA 受容体やオピオイド、アデノシン、ヒスタミン受容体も GPCR。 ヒトゲノムには約800の GPCRがコーディングされている。 GPCR の構造は、細胞外に N 末端と 3 か所のループ、細胞膜に 7 本の α ヘリックス貫通部、細胞内に 3 か所のループと C 末端を持ち、5、6番の貫通部の細胞内ループに GTP/ GDP



つの RTK の細胞内の  $\beta$  鎖はリン酸化されて接近し、お互いに細胞内部位( $\beta$  鎖)をリン酸化しあい、細胞内カスケードを以下のように活性化する。 RTK の活性化はインスリン受容体基質(IRS1)をリン酸化して活性化、IRS1 は PI3 カイネース (Phospho- inositide 3-kinase) と結合、PKB (Protein Kinase  $B = Akt^{*3}$ )をリン酸化して活性化、脂肪組織と横紋筋の GLUT4(グルコース輸送体 4)を細胞膜上に移動してグルコースの細胞内への取り込みを開始する。 モノクローナル抗体の JAK-STAT 阻害剤(オルミエント/ゼルヤンツ/スマイラフ)が関節リューマチ薬として市販。



<sup>\*1</sup> 薬理書「グッドマン&ギルマン」の著者 A ギルマンは共著者 L グッドマンに敬意を表し、子息をグッドマンと命名。この A グッドマン・ギルマンと M ロッドベルが GTP 結合蛋白 (G 蛋白) の構造と機能の研究で 1994 年ノーベル賞。
\*2 脂溶性でないサイトカインが JAK-STAT を活性化して信号を素早く核内の送り込むことに注意。\*3PKB の別名 Aktは元々形質転換能を持つレトロウイルス ATK8 の癌遺伝子として同定されたセリン/トレオニンカイネースの遺伝子。

#226