

## 蛋白質の1次構造、2次構造、3次構造、4次構造

分子シャペロンとシャペロニン

https://l-hospitalier.github.io

【熱ショック蛋白=分子シャペロン】全ての生物に共通の蛋白で細胞を急激に平常よ り 5~10℃高温にすると合成が誘導される。 熱以外にも放射線、化学物質、重金属、異 常な折りたたみ蛋白などでも誘導され、ストレス蛋白と呼ばれる。 分子量が 90,70,60, 40 kDa (キロ・ダルトン) のものが知られ Heat Shock Protein のアクロニムで HSP90 などと称する。 低分子のものは HSP10 があり、これは大腸菌の GroES、ヒトの HSP1 (シャペロニン 10) と相同 $^{*1}$ 。 これらの HSP は立体構造が完成していない蛋白に結合 し、**分子間の会合(結合、凝集)を防ぎ**、正常の折りたたみが完成するのを援助するの で、若い女性が社交界にデビューするときの介添え婦人に例えて**シャペロン**と呼ぶ。こ れは本来蛋白質の中心部にあって外部に接触しない疎水性側鎖が他の疎水性側鎖と会 合し凝集する(水に浮かべたサラダ油が水から分離凝集するのと同じ)のを防ぐ事。こ の種の凝集体は細胞毒性を持つ可能性があるが、シャペロンはこうした凝集体をばらば らにする機能をもつ。 HSP は平時の細胞にもあるが、HSP を蓄積している細胞は高温 に強い。 HSP のもう一つの機能は変性した蛋白の認識と分解で、やはり熱ショック蛋 白のユビキチン・プロテアソーム系の蛋白分解が重要。 【分子シャペロン molecular chaperone HSP はストレス蛋白だが通常の細胞に必須の機構で、分子シャペロンは 蛋白の短い領域に結合しほどけた蛋白や一部が巻き戻った蛋白を安定化、凝集と分解を 防ぐ。 シャペロニンは円筒状の巨大分子集合体で内部に構成中の蛋白を収容 して正常なフォールディングを助ける。<mark>【シャペロニン\*<sup>2</sup> chaperonin】</mark>は HSP60 あるいは(細菌では) GroEL とよばれ、パートナーの GroES (シャ

シャペロニン GroE は 21 分子の 蛋白からかり 14 分子の GroEL (赤、緑) と7分 子の GroES (青) が会合して「籠」 が形成される。 右は GroE を上か ら見た図



#226

鎌状赤血球

sickle cell

高次構造を形成(折りたたみ)中の蛋白を空洞内に収容し中間体の凝集を防 ぎ正しい高次構造の蛋白を形成。<mark>【蛋白質の高次構造】</mark>蛋白は DNA $\rightarrow$ mRNA $\rightarrow$ リボゾームで合成されアミノ酸の 1 次配列(1 次構造)がほぼ高次構造(立体配置)を決定する。 蛋白の1構 造の変異による疾病の例は(日本にはない)鎌状赤血球症(sickle cell anemia) で正常ではグルタミン酸が存在する箇所のアミノ 酸が非極性のバリンに変異しただけでヘモグロビン分子の高次 構造が大きく変化し、正常では円盤状の赤血球を鎌状の細胞に変 化させ、(酸素運搬能低下より)細い血管を閉塞し疼痛や循環不

ペロン 10) とコンビになり 7 量体からなるリングが 2 つ重なったもの。 右 図のような構造で真核細胞ではミトコンドリアに存在、ATPase 活性を持ち

**∖**R R' c = 0水素結合

H-N

c = 0

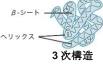
α-ヘリックス **2**次構造

β-シート

全を起こし生命を危険にさらす。 蛋白がその機能を果たすのは高次構造による 触媒(酵素)作用が多い。 **2 次構造**はポリペプチド鎖の隣同士のアミノ酸間 の水素結合が最多になるような分子の形と考えられ、2種類のコンフォメーシ ペーヘリックス・ ョンが提唱された。①は図左側の $\alpha$ ヘリックスと呼ばれる円筒状の螺旋構造で、 側鎖が外側に並ぶ構造。②は右側の**βシート**と呼ばれるもので伸びきった形で安定す る(右図)。 他にアミノ酸 4 残基ごとに折り返しのある  $\beta$   $\beta$  -  $\lambda$  構造もある(稀に アミノ酸3残基ごとの**γターン**も)。 **3次構造**は右図のようにαヘリックスとβシ

ートの混在からなるポリペプチド鎖**全体**の折りたたみの結果の蛋白。 水素結合で安

定化している**2次構造**と違い極性側鎖間の疎水性相互作用とアミノ基、カルボキシル基 間の水素結合の両方の力で安定化される。 この相互作用は弱いので蛋白質の3次 構造は常に揺らいでいる。 こうした構造上の不安定性に起因する多様性が蛋白の 多様な機能や制御を可能にしていると思われる。 **4次構造**は複数のポリペプチド 鎖が非共有結合で会合、特定の空間配置をとるもの。 各ポリペプチドをサブユニ ットと言い、会合体を**オリゴマー**と呼ぶ。 ヘモグロビンは中心にヘムを持つαユ ニットとβユニット各2組のヘム4分子を持つ4量体。



4次構造



ヘモグロビン

\*1 相同(homology)とは進化の過程で比較した2つの生物のアイテム(器官や酵素など)が共通の先祖型生物に由来 したと認めることができる場合、それらを相同という。 機能的には必ずしも類似性を認めない。 哺乳類の前肢と鳥 類の羽など。 進化的起源が同一とみられないのに機能や構造が似ているもの(鳥の羽とムササビの飛膜)は<mark>相似</mark> (analogy) という。 \*2 Ellis 1988