

インフルエンザ (1)

A型の感染メカニズム

https://l-hospitalier.github.io

2019.9

↑ A 型インフ

【インフルエンザウイルス】はエンベロープを持つウイルスで、遺伝情報を担うのはマ ルエンザウイル イナスの一本鎖 RNA(single strand RNA)。リボゾームが解読可能な塩基配列の mRNA ス (CDC) がプラス鎖、ポリメラーゼ連鎖反応(PCR)は元の遺伝子と相補的塩基配列を持つ鎖を 複製するが、この相補塩基配列を持つウイルスが**マイナスウイルス**。 二本鎖 RNA ウイ ルス (double strand RNA) は両方持つ。 インフルは A、B 型が大流行をするので問題。 【A 型インフル】では NP 蛋白(nucleoprotein)がカプソメア(カプソマー)で RNA はエンベロープ内の NP 蛋白に螺旋状に巻き付いており、**ヌクレオカプシド**(#208 参 照) は8分節を形成する。8分節のそれぞれのヌクレオカプシドの端にはRNAポリメ ラーゼがあり、自身の複製や宿主のリボゾームを使った mRNA 産生を行う。<mark>【感染第</mark> <mark>1 段階:取り込み】</mark>最外層には宿主細胞由来の細胞膜脂質 2 重層からなるエンベロープ がある。 エンベロープは構造蛋白 M1、水素イオンチャネル M2 蛋白と**ヘマグル OH** チニン(赤血球凝集素)HA、ノイラミニダーゼNAのスパイク(突起)を持 соон HO, ち、血球凝集能を持つ HA が宿主細胞のレセプターであるシアル酸と結合する 」。 シアル酸は炭素9分子からなりアミノ基(-NH)とカルボキシル基 (-COOH)をもつノイラミン酸の修飾体の総称で5位のアミノ基がアセチ ル化された N アセチルノイラミン酸 (右図 Neu5Ac) がシアル酸の最もメジ ャーな存在。多様な生物種に存在し体内の器官をコーティングする粘液質の主成 Neu5Ac

#209

ヘマグルチニン (HA) ノイラミニダーゼ (NA)

エンベローブ

M2蛋白

段階。 囮の粘液のシアル酸と結合したウイルスはノイラ ミニダーゼ NA の作用で HA -シアル酸結合を切断して脱 出、再度細胞表面のシアル酸と結合する。 NA は増殖し たウイルスが細胞から脱出するときもシアル酸との結 合を切り離す重要な役割を果たし NA の働きを阻害す るオセルタミビル(タミフル)、ザナミビル(リレン

ザ) が抗インフル薬として実用化。<mark>【感</mark> ヌクレオカプシド(8分節)

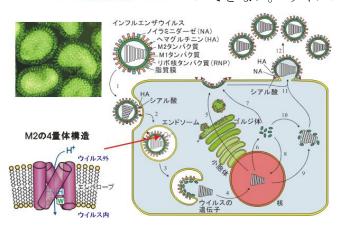
VARREGUSSAARES カブソマー ウイルス核酸 (ssRNA) RNA ポリメラーゼ (PA, PB1,PB2)

分。 赤血球表面にも多く存在、負に帯電していて相互結合を防ぐ。 病原菌に対する囮

としても作用。 インフル・ウイルスのヘマグルチニン HA が宿主細胞表面のシアル酸 に結合し、宿主細胞の働きで受動的にウイルスが細胞内に取り込まれるのが感染の第1

> **染第2段階:脱殼**プウイルス は自身のエンベロープや、細 胞に入り込んだ時の宿主細胞 膜(初期エンドゾーム)に取り 囲まれ、さらに RNA はヌクレオ

カプシドに保護されているので宿主細胞のリボゾームにアクセ ウイルス表面にはエンベロープを貫通する筒状の M2 スできない。



蛋白があり、水素イオンを通過させる*2。 エ ンドゾームの内部は時間経過で次第に弱酸 性に変化*3。 M2 は pH 変化で H*チャネルを 開き、内部を急激に酸性化して殻を破壊。HA (HA₀) は宿主細胞の**蛋白分解酵素**により HA₁と HA₂に分離(HA の開裂)して脱殻を 促進。 インフルがヒトでは呼吸器、トリで は消化器に感染するのは必要な蛋白分解酵 素の分布による。 黄色ブ菌はこの種の蛋白 分解酵素を産生するのでインフルと黄色ブ 菌の重複感染は重症化しやすい*4。

[&]quot;シアル酸に隣接するガラクトースとの結合がヒトでは α2-6 結合、トリでは α2-3 結合がレセプターの特異性の原因。 ^{*2}アマンタジンは M2 蛋白のイオンチャネル作用を阻害してウイルスの脱殻を阻害する抗インフル薬。 イトーシスは細胞表面の異物を細胞内に捕捉し破壊するための機構で、プロトンポンプの作用でエンドゾーム内部は次 第に酸性化する. ^{*4} H5, H7 亜型の鳥インフルなどは蛋白分解酵素の種類によらず脱殻するのが強毒化の原因とされる。