

## 細菌性赤痢、腸管出血性大腸菌

(Enterohemorrhagic Escherichia coli: EHEX)

https://l-hospitalier.github.io

2018.10

T. エシェリッヒ

【細菌性赤痢 dysentery, Shigellosis】Shigella 属の4種(S. dysenteriae, S. flexneri, S. boydii, S. sonnei) 感染症。 人から人へ感染、1897 年志賀潔が発見。 症候群(HUS)を起こす。 幼児の重症型は疫痢と呼ばれるが詳細なメカニズム不明。 2006 年以前は2 類感染症で強制隔離、現在は3 類全例即、診断は菌の分離同定。

赤痢菌は1型ベロ毒素\*1 (VT1) を産 生。 赤痢菌と大腸菌は DNA 配列が 85%以上一致、遺伝子で分離不可能な 近縁種だが歴史的理由で分離。【腸管 出血性大腸菌 EHEC 食中毒が発生す ると病原菌が同定され、表面抗原の血清 型が記録される。 内毒素の抗体(〇血 清型)が存在する大腸菌は注目された ことがあるが **O157** の **25%**はベロ毒素 を産生しない。 ベロ毒素 (VT) 陽性、 抗 VT 抗体陽性は 3 類全例即。 大腸菌

はグラム陰性(右図)通性嫌気性菌、外

膜の最外側にリポ多糖体(LPS、細胞膜内の橙色の リピドAと結合)があり、LPS Lipopolysaccharide が内毒素 endotoxin でこれの血清型が O 抗原。従っ てEHECの外毒素 VTの病原性とO抗原分類はほぼ 鞭毛の血清型が H 抗原、この 2 つで血清 学的に分類される。 EHEC による HUS は外毒素 VT によって発生、VT の量や質は(プロ)ファージ やプラスミドの遺伝情報による。<mark>【EHEC の遺伝子解</mark>

リポ多糖体(LPS) グラム陰性菌がもつ内毒素(エンドトキシン)で 菌体の破壊によって遊離しする。 マクロファージを刺激し、種々のサイトカインが。 産生されショックを引き起こすことがある。 ペプチドグリカン(PG) グラム陰性菌のPGは1-2層で その厚さは1-8nm程度である。・ 陰性菌には、その外側に、 細胞外膜がある。 細菌 ペニシリン結合蛋白(PBP) グラム陰性菌のPBPは、疎水性の細胞外膜の内側にある そのため、親水性の物質や抗菌薬は外膜のポーリンと呼ばれる 孔を通過する必要性がある。細菌の耐性化の

ボーリンの変化がある。 人の細胞にはなく、細菌にある細胞壁を 構成している。最大で20気圧にも及ぶ 菌体内の圧力に抵抗して破裂を防ぐ 強固な構造体である。 細菌 ペーシリン結合蛋白(PBP) グラム陽性菌

<mark>析】</mark>EHEC 感染症は O 抗原を持つ**大腸菌の皮を被った染色体**上のファージ/プラスミ ドの遺伝子による攻撃を受けていることになる。 2001 年に O157 の全ゲノムが解読さ れ、2010年に 1993年大流行の O157 堺株では病原遺伝子として ①志賀毒素産生系 ② **Ⅲ型分泌装置(Type 3 Secretion System T3SS**)をゲノム上にプロファージとして持 ち、他に ③エンテロ・ヘモリジンをコードするビルレンス・プラスミドを持つことが 判明。 EHEC は大腸上皮細胞に **T3SS** により各種エフェクターを注入、**VT1** と **VT2** の Stx (志賀毒素)とヘモリジン(溶血毒)により多彩な臨床症状を生ずる。 宮崎大の小 \*\*\*\*\*\* 椋<sup>\*3</sup>は2011年にO157. O26. O111. O103の遺伝子を解析しnon O157のゲノムはO157👐 と類似はあるものの、それぞれ別の進化をして来たと結論。 0157 のプロファージは ファージ粒子形成遺伝子を欠く欠損ファージとみなされていたが、実際は18のうち9 か所のプロファージは溶菌サイクルの中でファージ粒子を形成、うち4つのファージは 他の大腸菌に感染しこれを溶菌させた。 この結果から EHEC 感染は病原性大腸菌の増 殖だけでなく、病原性ファージ(virulent phage)も独立に増殖する可能性がある。<mark>【感</mark> <mark>染の制御】EHEC 0157</mark> の感染能力は極めて高く約 50 個の菌で感染が成立する。 には病原性ファージが感染能力を持つことも考慮に入れる必要があるかも。この場合、 EHEC の侵入無しに(接触だけで)ファージ(ウイルス)の形でホストに侵入しホスト

最上段写真は大腸菌を発見したテオドール・エシェリッヒ、学生の時名前を知らなかったため細菌学再試験。\*11983 年 O'Brien らがベロ毒素(<mark>VT</mark>)と赤痢菌の志賀毒素(<mark>Stx</mark>)の免疫学的共通性を報告、志賀毒素様毒素(<mark>S</mark>higa-like toxin, SLT)と命名。 Scotland ら VT 産生遺伝子はファージが伝達。1985 年 Scotland ら志賀毒素抗体で中和されない VT を報告、中和されるものを VT1、されないものを VT2 (毒性が強い) と命名。\*2 小椋義俊、日本細菌学誌 66:175-186, 2011

を知ることが重要。病原体の知識なしの対策強要は単なるファッショ(ン)。

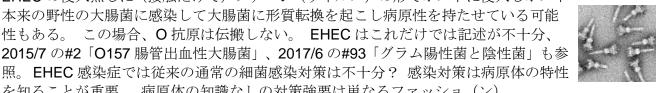
本来の野性の大腸菌に感染して大腸菌に形質転換を起こし病原性を持たせている可能

2015/7 の#2「O157 腸管出血性大腸菌」、2017/6 の#93「グラム陽性菌と陰性菌」も参

この場合、O抗原は伝搬しない。 EHEC はこれだけでは記述が不十分、



細菌 の鞭毛を回転 させる分子モ -ターと同じ 構造をもち相 同性が高いの で鞭毛が変化 したものと考 えられる注入 下はそ の電題像



#159