ZMKP											
	q	2			3			4			
	h	250	500	750	250	500	750	250	500	750	
PRr	HV	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
	IGD	0.000	0.000	0.001	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
PRpr	HV	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
	IGD	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
PRpo	HV	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
	IGD	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
PRoc	HV	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
	IGD	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
PRpc	HV	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
	IGD	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
PRac	HV	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
	IGD	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
PRic	HV	0.000	0.000	0.000	_	_	_	_	_	_	
	IGD	0.000	0.000	0.000	_	_	_	_	_	_	

Kruskal-Wallis one-tailed p-values regarding pairwise comparisons between MOPR/D and each other path-relinking variant.

P-values less than 0.05 indicate the best results for the MOPR/D, higher than 0.95 indicate the best results for the algorithm that names the column of the table. The result is not conclusive for p-values between 0.05 and 0.95.

The H0 symbol means that the first Kruskal-Wallis phase found no significant difference

ММКР											
	q	-	2		3		4		5		
	h	100	250	100	250	100	250	100	250		
PRr	HV	0.235	0.000	0.000	0.000	0.331	0.000	0.894	0.000		
	IGD	0.338	0.001	0.000	0.010	0.660	0.000	0.115	0.015		
PRpr	HV	0.002	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000		
	IGD	0.005	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000		
PRpo	HV	0.008	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.608	0.000		
	IGD	0.009	0.000	0.000	0.017	0.000	0.000	0.581	0.006		
PRoc	HV	0.008	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000		
	IGD	0.009	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.013	0.000		
PRpc	HV	0.110	0.000	0.000	0.011	0.240	0.000	0.951	0.000		
	IGD	0.084	0.001	0.000	0.136	0.542	0.000	0.812	0.051		
PRac	HV	0.012	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000		
	IGD	0.010	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000		
PRic	HV	0.000	0.000	_	_	_	_	_	_		
	IGD	0.003	0.000	_	_	_	_	_	_		

Kruskal-Wallis one-tailed p-values regarding pairwise comparisons between MOPR/D and each other path-relinking variant.

P-values less than 0.05 indicate the best results for the MOPR/D, higher than 0.95 indicate the best results for the algorithm that names the column of the table. The result is not conclusive for p-values between 0.05 and 0.95.

The H0 symbol means that the first Kruskal-Wallis phase found no significant difference