

correlated						
	PRr	PRpr	PRoc	PRac	PRpc	PRpo
50.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
50.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
50.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
50.4	1.000	0.635	0.053	0.000	0.000	0.000
50.5	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000
100.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
100.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
100.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
100.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
100.5	0.010	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
200.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
200.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
200.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
200.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
200.5	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
300.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
300.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
300.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
300.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
300.5	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
400.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
400.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
400.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
400.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
400.5	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
500.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
500.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
500.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
500.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
500.5	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
600.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
600.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
600.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
600.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
600.5	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
700.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
700.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
700.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
700.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
700.5	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
800.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
800.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
800.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
800.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
800.5	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
900.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
900.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
900.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
900.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
900.5	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
1000.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
1000.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
1000.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
1000.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
1000.5	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000

Kruskal-Wallis one-tailed p-values regarding pairwise comparisons between the processing times required by MOPR/D and each other path-relinking variant.

P-values less than 0.05 indicate that the MOPR/D produced significantly better processing times (green cells).

Higher than 0.95 indicate that the algorithm that names the column of the table required better processing times than MOPR/D (red cells) .

The result is not conclusive for p-values between 0.05 and 0.95. The H0 symbol means that the first Kruskal-Wallis phase found no significant difference.

anticorrelated

	PRr	PRpr	PRoc	PRac	PRpc	PRpo
50.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
50.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
50.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
50.4	0.000	0.829	0.000	0.000	0.000	0.000
50.5	0.999	1.000	1.000	1.000	0.000	1.000
100.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
100.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
100.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
100.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
100.5	0.000	0.002	0.000	0.000	0.000	0.000
200.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
200.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
200.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
200.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
200.5	0.000	0.466	0.990	0.001	0.000	0.890
300.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
300.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
300.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
300.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
300.5	0.009	0.029	0.001	0.000	0.000	0.125
400.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
400.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
400.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
400.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
400.5	0.990	0.937	1.000	0.395	0.000	1.000
500.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
500.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
500.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
500.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
500.5	0.997	1.000	1.000	0.998	0.000	1.000
600.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
600.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
600.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
600.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
600.5	0.969	1.000	0.998	0.984	0.000	1.000
700.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
700.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
700.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
700.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
700.5	1.000	1.000	0.996	0.978	0.000	1.000
800.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
800.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
800.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
800.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
800.5	1.000	1.000	1.000	0.989	0.000	1.000
900.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
900.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
900.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
900.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
900.5	0.000	0.989	0.000	0.000	0.000	0.000
1000.1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
1000.2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
1000.3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
1000.4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
1000.5	0.739	0.000	0.746	0.000	0.000	0.968

Kruskal-Wallis one-tailed p-values regarding pairwise comparisons between the processing times required by MOPR/D and each other path-relinking variant.

P-values less than 0.05 indicate that the MOPR/D produced significantly better processing times (green cells).

Higher than 0.95 indicate that the algorithm that names the column of the table required better processing times than MOPR/D (red cells) .

The result is not conclusive for p-values between 0.05 and 0.95. The H0 symbol means that the first Kruskal-Wallis phase found no significant difference.