

KRL																
q		2					3							4		
n.ID		20.1	20.2	20.3	20.4	20.5	30.1	30.2	30.3	40.1	40.2	40.3	50.1	50.1	50.2	50.3
PRr	HV	0.000	0.000	0.000	0.000	0.027	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	IGD	0.000	0.000	0.038	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
PRpr	HV	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	IGD	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
PRpo	HV	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	IGD	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
PRoc	HV	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	IGD	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
PRpc	HV	0.000	0.006	0.002	0.000	0.049	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	IGD	0.000	0.000	0.974	0.001	0.004	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
PRac	HV	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	IGD	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
PRic	HV	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—
	IGD	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—

Kruskal-Wallis one-tailed p-values regarding pairwise comparisons between MOPR/D and each other path- relinking variant.

P-values less than 0.05 indicate the best results for the MOPR/D, higher than 0.95 indicate the best results for the algorithm that names the column of the table. The result is not conclusive for p-values between 0.05 and 0.95.

The H0 symbol means that the first Kruskal-Wallis phase found no significant difference.

KUNI													
q		2			3						4		
n.ID		20.1	20.2	20.3	30.1	30.2	30.3	40.1	40.2	40.3	50.1	50.2	50.3
PRr	HV	0.000	H0	0.225	0.000	0.000	0.000	0.000	0.018	0.000	0.000	H0	0.000
	IGD	0.000	H0	1.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.004	0.000	0.000	H0	0.000
PRpr	HV	0.000	H0	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.039	0.000	0.000	H0	0.000
	IGD	0.000	H0	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.106	0.000	0.000	H0	0.000
PRpo	HV	0.000	H0	0.812	0.000	0.000	0.000	0.000	0.197	0.000	0.000	H0	0.001
	IGD	0.000	H0	1.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.197	0.000	0.000	H0	0.000
PRoc	HV	0.000	H0	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.078	0.000	0.000	H0	0.000
	IGD	0.000	H0	0.003	0.000	0.000	0.000	0.000	0.136	0.000	0.000	H0	0.000
PRpc	HV	0.001	H0	0.986	0.000	0.001	0.000	0.000	0.263	0.000	0.000	H0	0.000
	IGD	0.000	H0	1.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.278	0.000	0.000	H0	0.000
PRac	HV	0.000	H0	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.097	0.000	0.000	H0	0.000
	IGD	0.000	H0	0.144	0.000	0.000	0.000	0.000	0.154	0.000	0.000	H0	0.000
PRic	HV	0.000	H0	0.079	—	—	—	—	—	—	—	—	—
	IGD	0.000	H0	0.999	—	—	—	—	—	—	—	—	—

Kruskal-Wallis one-tailed p-values regarding pairwise comparisons between MOPR/D and each other path- relinking variant.

P-values less than 0.05 indicate the best results for the MOPR/D, higher than 0.95 indicate the best results for the algorithm that names the column of the table. The result is not conclusive for p-values between 0.05 and 0.95.

The H0 symbol means that the first Kruskal-Wallis phase found no significant difference.