Samples: 10911
Bases: 301
Average spacing: 37

- - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - TTTTCGTTCA TAT TA G - C- -AC-A CAA TA ATT TGTACCGCAAAGTCTCACAAATTTC- -

- - - - - - - G - - TGTGTGGTAAG AG CAAG ACAATG AATGAATGA- - - AATGAATG AGTG ACTG AATG AGTG AATG CAT CACT CACT CACATG CT

CACTG AATCAATCAAT CAATCAATCAATCAATAACAAAG TTTTTTTTTTCCTTTCTA- - -CTA- -CCT- -TTC- -TA- -CTAATAATTCTA- - -AACT

TAAA- ACATTAC-TTATTACAA- -A