

引物设计结果说明

CHROM、POS: 引物所在染色体以及位置;

REF、ALT: 参考基因组和变异类型;

QUAL: 变异可信度, 越高越好;

10~13 列: 各个样本的基因型, 0 代表 REF 类型, 1 代表 ALT 类型, 0/0 和 1/1 代表纯合基因型, 0/1 代表杂合 (注意 excel 表中的 1 月 1 日是代表 1/1, 是由于 excel 自动转换成日期格式造成);

REF_len、ALT_len: REF 和 ALT 的长度;

DIFF: REF_len-ALT_len 的绝对值, 代表不同材料扩增片段的长度差异, 也就是垂直胶不同带型的差异, 应根据具体实验设备和自己的习惯选择合适的大小;

PrimerL1~3、PrimerR1~3: 每个 indel 的左右引物, 共三对;

Hit1-3: e-PCR 结果, 代表根据参考基因组预测的潜在结合位点个数, 1 代表特异性引物;

TmL1~3、TmR1-3: 左右引物 TM 值;

GCL1~3、GCR1~3: 左右引物 GC 含量;

Length1~3: 每对引物扩增的片段长度, 应根据自己习惯选择合适长度;