引物设计结果说明

CHROM、POS：引物所在染色体以及位置；

REF、ALT：参考基因组和变异类型；

QUAL：变异可信度，越高越好；

10~13列：各个样本的基因型，0代表REF类型，1代表ALT类型，0/0和1/1代表纯合基因型，0/1代表杂合（注意excel表中的1月1日是代表1/1，是由于excel自动转换成日期格式造成）；

REF\_lean、ALT\_len：REF和ALT的长度；

DIFF：REF\_lean-ALT\_len的绝对值，代表不同材料扩增片段的长度差异，也就是垂直胶不同带型的差异，应根据具体实验设备和自己的习惯选择合适的大小；

PrimerL1~3、PrimerR1~3：每个indel的左右引物，共三对；

Hit1-3：e-PCR结果，代表根据参考基因组预测的潜在结合位点个数，1代表特异性引物；

TmL1~3、TmR1-3：左右引物TM值；

GCL1~3、GCR1~3：左右引物GC含量；

Length1~3：每对引物扩增的片段长度，应根据自己习惯选择合适长度；