ME720 - Modelos Lineares Generalizados

Parte 14 - Modelos para Dados de Contagem - Binomial Negativa

Profa. Larissa Avila Matos

MLGs Binomiais Negativos

Na distribuição de Poisson temos que a variância é igual à média.

Na prática, as observações de contagem geralmente exibem variabilidade superior à predita pela Poisson.

Esse fenômeno é chamado de sobredispersão (overdispersion).

Sobredispersão para um MLGs de Poisson

Um motivo comum para sobredispersão é a heterogeneidade: em níveis fixos das variáveis explicativas, a média varia de acordo com os valores de variáveis não observadas.

Outra limitação grave dos MLGs de Poisson é que, como a variação de Y deve ser igual à média, em uma média fixa, a variação não pode diminuir à medida que variáveis explicativas adicionais entram no modelo.

A sobredispersão não é um problema em modelos lineares que assumem Y normalmente distribuído, pois essa distribuição possui um parâmetro de variação separado para descrever a variabilidade.

Para distribuições de Poisson e binomial, no entanto, a variação é uma função da média. Sobredispersão é comum na modelagem de contagens.

Suponha que o modelo para a média tenha a correta função de ligação e o correto preditor linear, mas a distribuição verdadeira da resposta tenha mais variabilidade do que a Poisson.

Então os estimadores de ML dos parâmetros do modelo, assumindo uma resposta de Poisson, ainda são consistentes, convergindo em probabilidade para os valores dos parâmetros, mas os erros padrão são muito pequenos.

Extensões do MLG de Poisson que possuem um parâmetro extra são melhores para sobredispersão (veremos mais adiante).

Binomial Negativa

Um modelo de mistura é uma maneira flexível de explicar a sobredispersão.

Em uma configuração fixa das variáveis explicativas realmente observadas, dada a média λ , suponha que a distribuição de Y seja Poisson(λ), mas λ em si varia por causa de covariáveis não medidas.

Seja
$$\mu = \mathbb{E}(\lambda)$$
.

Então incondicionalmente,

$$\mathbb{E}(Y) = \mathbb{E}[\mathbb{E}(Y|\lambda)] = \mathbb{E}(\lambda) = \mu,$$

$$\operatorname{Var}(Y) = \mathbb{E}[\operatorname{Var}(Y|\lambda)] + \operatorname{Var}[\mathbb{E}(Y|\lambda)] = \mathbb{E}(\lambda) + \operatorname{Var}(\lambda) = \mu + \operatorname{Var}(\lambda) > \mu.$$

Este é um exemplo importante de um modelo de mistura para dados de contagem.

Suponha que

- **1** dado λ , Y tem distribuição Poisson(λ), e
- $\mathbf{2}$ λ tem distribuição Gama.

Temos que,

$$f(\mathbf{y}|\lambda) = \frac{e^{\lambda} \lambda^{\mathbf{y}}}{\mathbf{y}!}.$$

Além disso, lembre-se de que a distribuição Gama possui $\mathbb{E}(\lambda)=\mu$ e $\mathrm{Var}(\lambda)=\frac{\mu^2}{k}$ para um parâmetro de forma k>0, portanto o desvio padrão é proporcional à média, e

$$f(\lambda; \mu, k) = \frac{\left(\frac{k}{\mu}\right)^k}{\Gamma(k)} e^{-\frac{k\lambda}{\mu}} \lambda^{k-1}, \quad \lambda \ge 0.$$

Marginalmente, essa mistura produz a distribuição binomial negativa para Y.

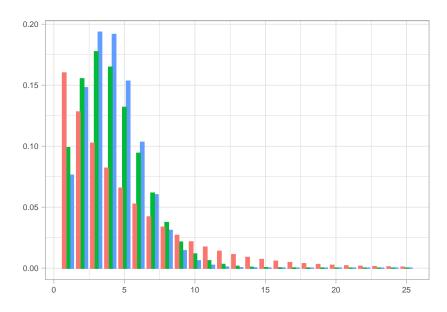
Sua função de probabilidade é dada por

$$f(y; \mu, k) = \frac{\Gamma(y+k)}{\Gamma(k)\Gamma(y+1)} \left(\frac{\mu}{\mu+k}\right)^{y} \left(\frac{k}{\mu+k}\right)^{k}, \quad y = 0, 1, 2, \dots$$

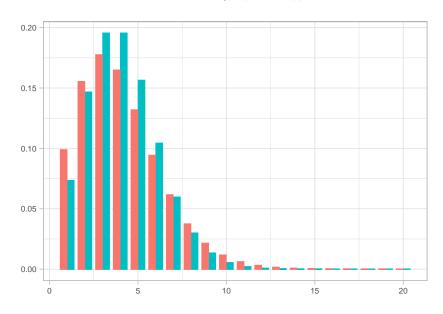
Quando k é fixo, esta distribuição é membro da família exponencial com parâmetro de escala apropriada para variáveis discretas, com parâmetro natural $\log\left(\frac{\mu}{\mu+k}\right)$,

$$\mathbb{E}(Y) = \mu \quad \text{e} \quad \text{Var}(Y) = \frac{\mu(\mu + k)}{k} = \frac{\mu^2}{k} + \mu.$$

BN BinNeg(4,1) BinNeg(4,10) BinNeg(4,100)



Distr BinNeg(4,10) Poisson(4)



Podemos, similarmente, supor que

- $\mathbf{2}$ λ tem distribuição Gama;

onde
$$\mathbb{E}(\lambda) = \mu$$
 e $\text{Var}(\lambda) = \mu^2 \gamma$, ou seja, $\gamma = \frac{1}{k}$.

Então, temos que

$$\mathbb{E}(Y) = \mu$$
 e $\operatorname{Var}(Y) = \mu + \gamma \mu^2$.

O índice $\gamma>0$ é um tipo de parâmetro de dispersão. Quanto maior o valor de γ , maior a sobredispersão em relação a Poisson.

Como $\gamma \to 0, \, \text{Var}(Y) \to \mu$ e a distribuição binomial negativa converge para o Poisson.

A distribuição binomial negativa tem uma extensão muito maior que a Poisson.

Por exemplo, a moda da Poisson é a parte inteira da média e é igual a 0 somente quando $\mu < 1$.

A binomial negativa também é unimodal, mas a moda é 0 quando $\gamma \geq 1$ e, caso contrário, é a parte inteira de $\mu(1-\gamma)$. A moda pode ser 0 para qualquer μ .

Para essa parametrização temos que

$$f(y; \mu, \gamma) = \frac{\Gamma(y + \frac{1}{\gamma})}{\Gamma(\frac{1}{\gamma})\Gamma(y + 1)} \left(\frac{\mu}{\mu + \frac{1}{\gamma}}\right)^{y} \left(\frac{\frac{1}{\gamma}}{\mu + \frac{1}{\gamma}}\right)^{\frac{1}{\gamma}}, \quad y = 0, 1, 2, \dots$$
$$= \frac{\Gamma(y + \frac{1}{\gamma})}{\Gamma(\frac{1}{\gamma})\Gamma(y + 1)} \left(\frac{\mu\gamma}{1 + \mu\gamma}\right)^{y} (1 + \mu\gamma)^{-\frac{1}{\gamma}}.$$

Então,

$$f(\mathbf{y}; \mu, \gamma) = \exp\left[\log\left(\frac{\Gamma(\mathbf{y} + \frac{1}{\gamma})}{\Gamma(\frac{1}{\gamma})\Gamma(\mathbf{y} + 1)}\right) + \mathbf{y}\log\left(\frac{\mu\gamma}{1 + \mu\gamma}\right) - \frac{1}{\gamma}\log\left(1 + \mu\gamma\right)\right].$$

Modelos de regressão com resposta binomial negativa

Vamos supor então que Y_1, \ldots, Y_n são variáveis aleatórias independentes tais que $Y_i \sim \text{BN}(\gamma^{-1}, \mu_i)$.

A função de probabilidades de Y_i fica dada por

$$f(\mathbf{y}_i; \mu_i, \gamma) = \exp\left[\log\left(\frac{\Gamma(\mathbf{y}_i + \frac{1}{\gamma})}{\Gamma(\frac{1}{\gamma})\Gamma(\mathbf{y}_i + 1)}\right) + \mathbf{y}_i \log\left(\frac{\mu_i \gamma}{1 + \mu_i \gamma}\right) - \frac{1}{\gamma}\log\left(1 + \mu_i \gamma\right)\right],$$

onde
$$\mathbb{E}(Y_i) = \mu_i \text{ e Var}(Y_i) = \mu_i + \gamma \mu_i^2$$
.

Similarmente aos MLGs assumimos a parte sistemática dada por $g(\mu_i) = \eta_i = \mathbf{x}_i' \boldsymbol{\beta}$, em que $\mathbf{x}_i = (x_{i1}, \dots, x_{ip})'$ contém valores das variáveis explicativas, $\boldsymbol{\beta} = (\beta_1, \dots, \beta_p)'$ é um vetor de parâmetros desconhecidos e $g(\cdot)$ é a função de ligação.

Como nos modelos de Poisson as ligações mais utilizados são:

- logarítmica: $g(\mu_i) = \log(\mu_i)$,
- raiz quadrada: $g(\mu_i) = \sqrt{\mu_i}$, e
- identidade: $g(\mu_i) = \mu_i$.

MLGs binomiais negativos geralmente usam a função de ligação log, como nos modelos lineares de Poisson, em vez da função de ligação canônica (por motivos de interpretação).

OBS.:

Por simplicidade, deixamos que o parâmetro de dispersão γ seja a mesma constante para todas as n observações, mas iremos tratar como desconhecido, bem como a variação nos modelos normais.

Definindo $\theta = (\beta', \gamma)'$ o log da função de verossimilhança fica dado por

$$\ell(\boldsymbol{\theta}; \mathbf{y}) = \sum_{i=1}^n \left[\log \left(\frac{\Gamma(\mathbf{y}_i + \frac{1}{\gamma})}{\Gamma(\frac{1}{\gamma})\Gamma(\mathbf{y}_i + 1)} \right) \right] + \sum_{i=1}^n \left[\mathbf{y}_i \log \left(\frac{\mu_i \gamma}{1 + \mu_i \gamma} \right) - \frac{1}{\gamma} \log \left(1 + \mu_i \gamma \right) \right].$$

Reescrevendo,

$$\ell(\boldsymbol{\theta}; \mathbf{y}) = \sum_{i=1}^{n} \left[\log \left(\Gamma \left(\mathbf{y}_{i} + \frac{1}{\gamma} \right) \right) - \log \left(\Gamma \left(\frac{1}{\gamma} \right) \right) - \log \left(\Gamma(\mathbf{y}_{i} + 1) \right) \right] + \sum_{i=1}^{n} \left[\mathbf{y}_{i} \log \left(\frac{\mu_{i} \gamma}{1 + \mu_{i} \gamma} \right) - \frac{1}{\gamma} \log \left(1 + \mu_{i} \gamma \right) \right].$$

Lembrando que μ_i é uma função de β através de $\eta_i = g(\mu_i) = \sum_j \beta_j x_{ij}$, com a função de ligação g.

As equações de log-verossimilhança para β , $\frac{\partial \ell(\theta; \mathbf{y})}{\partial \beta} = 0$, são

$$\sum_{i=1}^{n} \frac{(\mathbf{y}_{i} - \mu_{i})x_{ij}}{\operatorname{Var}(\mathbf{y}_{i})} \left(\frac{\partial \mu_{i}}{\partial \eta_{i}}\right) = \sum_{i=1}^{n} \frac{(\mathbf{y}_{i} - \mu_{i})x_{ij}}{\mu_{i} + \gamma \mu_{i}^{2}} \left(\frac{\partial \mu_{i}}{\partial \eta_{i}}\right)$$
$$= \sum_{i=1}^{n} w_{i} d_{i}^{-1}(\mathbf{y}_{i} - \mu_{i})x_{ij} = 0, \quad j = 1, 2, \dots, p,$$

em que $w_i = \frac{(\partial \mu_i/\partial \eta_i)^2}{\mu_i + \gamma \mu_i^2}$ e $d_i = \frac{\partial \mu_i}{\partial \eta_i}$.

Logo, podemos espressar as equaçõs na forma matricial

$$X'WD^{-1}(y-\mu),$$

onde X é a matriz de planejamento do modelo com linhas x_i' , i = 1, ..., n, $W = \text{diag}(w_1, ..., w_n)$, $D = \text{diag}(d_1, ..., d_n)$, $\mathbf{y} = (\mathbf{y}_1, ..., \mathbf{y}_n)'$ e $\mu = (\mu_1, ..., \mu_n)'$.

De forma similar a equação de log-veros similhança para $\gamma, \ \frac{\partial \ell(\theta; \mathbf{y})}{\partial \gamma} = 0,$ fica dada por

$$\sum_{i=1}^{n} \left[\psi \left(\mathbf{y}_{i} + \frac{1}{\gamma} \right) - \psi \left(\frac{1}{\gamma} \right) - \frac{\left(\mathbf{y}_{i} + \frac{1}{\gamma} \right)}{\left(\mu_{i} + \frac{1}{\gamma} \right)} + \frac{1}{\gamma^{2}} \log \left(\frac{\mu_{i} + \frac{1}{\gamma}}{\gamma} \right) + 1 \right] = 0,$$

em que $\psi(\cdot)$ é a função digama.

Para obtermos a matriz de informação precisamos calcular as segundas derivadas parciais, $\frac{\partial \ell(\theta; \mathbf{y})}{\partial \theta \partial \theta'}$.

Primeiro calculamos,

$$\frac{\partial \ell(\boldsymbol{\theta}; \mathbf{y})}{\partial \beta_j \partial \gamma} = -\sum_{i=1}^n \frac{(\mathbf{y}_i - \mu_i) x_{ij}}{(1 + \gamma \mu_i)^2} \left(\frac{\partial \mu_i}{\partial \eta_i} \right),$$

cujos valores esperados ficam dados por

$$\mathbb{E}\left(\frac{\partial \ell(\boldsymbol{\theta}; \mathbf{y})}{\partial \beta_j \partial \gamma}\right) = 0, \quad \text{para cada j},$$

uma vez que $\mathbb{E}(Y_i) = \mu_i$.

Então, β e γ são parâmetros ortogonais.

Assim, a m
triz de informação de Fisher para $\pmb{\theta}=(\pmb{\beta},\gamma)$ assume a forma bloco diagonal,

$$oldsymbol{I}_{oldsymbol{ heta}oldsymbol{ heta}} = \left[egin{array}{cc} oldsymbol{I}_{etaeta} & oldsymbol{0} \ oldsymbol{0} & oldsymbol{I}_{\gamma\gamma} \end{array}
ight].$$

Portanto, $\widehat{\beta}$ e $\widehat{\gamma}$ são assintoticamente independentes, e para amostras grandes o erro padrão de $\widehat{\beta}_i$ é o mesmo independente se γ é conhecido ou não.

Então a matriz de covariância de $\widehat{\boldsymbol{\beta}}$ é

$$\operatorname{Var}(\widehat{\boldsymbol{\beta}}) = \left(\boldsymbol{X} \widehat{\boldsymbol{W}} \boldsymbol{X} \right)^{-1},$$

onde $W = \operatorname{diag}(w_1, \dots, w_n)$, com $w_i = \frac{(\partial \mu_i / \partial \eta_i)^2}{\operatorname{Var}(Y_i)}$.

As estimativas de máxima verossimilhaça para β e γ podem ser obtidas através de um algoritmo de mínimos quadrados reponderados, aplicando o método escore de Fisher, a partir das equações de log-verossimilhança para β e do método de Newton-Raphson para obter $\widehat{\gamma}$ desenvolvido a partir das equações de log-verossimilhança para γ , os quais são descritos abaixo,

$$\boldsymbol{\beta}^{(t+1)} = \left(\boldsymbol{X}'\boldsymbol{W}^{(t)}\boldsymbol{X}\right)^{-1}\boldsymbol{X}'\boldsymbol{W}^{(t)}\mathbf{y}^{*(t)}$$

$$\gamma^{(t+1)} = \gamma^{(t)} - (\ddot{\ell}_{\gamma\gamma}^{(t)})^{-1} \boldsymbol{u}_{\gamma}^{(t)},$$

para t = 0, 1, 2, ..., em que

$$\mathbf{y}^* = X\beta + D^{-1}(\mathbf{y} - \boldsymbol{\mu});$$

e $u_{\gamma} = \frac{\partial \ell(\beta, \gamma; \mathbf{y})}{\partial \gamma}$ e $\ddot{\ell}_{\gamma\gamma} = \frac{\partial \ell(\beta, \gamma; \mathbf{y})}{\partial \gamma \partial \gamma}$ (para mais detalles ver Paula, G.A. (2013)).

Desvio MLGs binomiais negativos

O desvio para MLGs binomiais negativos é

$$D(\mathbf{y}; \widehat{\boldsymbol{\mu}}) = 2\sum_{i=1}^n \left[\mathbf{y}_i \log \left(\frac{\mathbf{y}_i}{\widehat{\mu}_i} \right) - \left(\mathbf{y}_i + \frac{1}{\widehat{\gamma}} \right) \log \left(\frac{1 + \widehat{\gamma} \mathbf{y}_i}{1 + \widehat{\gamma} \widehat{\mu}_i} \right) \right].$$

O desvio para MLGs binomiais negativos é próximo ao desvio para MLGs de Poisson quando $\widehat{\gamma}$ é perto de 0.

Quantidades w_i e d_i para algumas funções de ligações.

Ligação	w_i	d_i
$\log(\mu_i) = \eta_i$	$\frac{\mu_i}{(1+\mu_i\gamma)}$	μ_i
$\mu_i = \eta_i$	$(\mu_i + \mu_i^2 \gamma)^{-1}$	1
$\sqrt{\mu_i} = \eta_i$	$\frac{4}{(1+\mu_i\gamma)}$	$2\sqrt{\mu_i}$

Exercício: conferir essas quantidades.

Comparando MLGs: Poisson e Binomial Negativa

Como podemos comparar MLGs de Poisson e binomiais negativos que possuem as mesmas variáveis explicativas, para determinar se o modelo binomial negativo tem um melhor ajuste que o Poisson?

Uma comparação informal pode ser baseada nos valores do AIC.

Para um teste formal de significância, podemos testar $H_0: \gamma = 0$, pois a Poisson é um caso limite da binomial negativo quando $\gamma \downarrow 0$.

Como γ é positivo, $\gamma=0$ na fronteira do espaço do parâmetro. Assim, a estatística da razão de verossimilhança não possui distribuição assintótica qui-quadrado sob H_0 . Em vez disso, é uma mistura de uma distribuição de ponto único em 0 (que ocorre quando $\widehat{\gamma}=0$) e uma qui-quadrado com g.l.=1.

Modelo Binomial Negativo com Variação Proporcional à Média

Uma parametrização alternativa para a binomial negativa é escrever a densidade Gama com $k\mu$ como parâmetro de forma,

$$f(\lambda;\mu,k) = \frac{\left(\frac{k}{\mu}\right)^k}{\Gamma(k)} e^{-\frac{k\lambda}{\mu}} \lambda^{k-1}, \quad \lambda \geq 0,$$

então $\mathbb{E}(\lambda) = \mu$ e $\operatorname{Var}(\lambda) = \frac{\mu}{k}$.

Para esta parametrização, a mistura produz uma distribuição binomial negativa com

$$\mathbb{E}(Y) = \mu$$
 e $\operatorname{Var}(Y) = \frac{\mu(1+k)}{k}$.

Agora, a variância é linear em vez de quadrática em μ . Corresponde a uma inflação na variância da Poisson, convergindo para a variância da Poisson quando $k \to \infty$.

As duas parametrizações da binomial negativa às vezes são denotadas por NB1 (linear) e NB2 (quadrático).

Somente o modelo NB2 se enquadra na estrutura tradicional do MLG, sendo expressável como uma distribuição da família exponencial com parâmetro de escala, e é muito mais usada.

Diferentemente do modelo NB2, para o modelo NB1, β e k não são parâmetros ortogonais, e $\widehat{\beta}$ não é um estimador consistente quando o modelo da média é válido, mas a distribuição verdadeira não é binomial negativa (Cameron e Trivedi 2013).

Lee e Nelder (1996) apresentaram o ajuste de MV do modelo para os modelos NB1.

Exemplo: Estudantes australianos

Venables e Ripley(1999) apresentam os resultados de um estudo sociológico desenvolvido na Austrália com 146 estudantes de 8a série e ensino médio com o objetivo de comparar a ausência na escola segundo os seguintes fatores:

- ano que o estudante está cursando (1: 8a série, 2: 1o ano do ensino médio, 3: 2o ano do ensino médio, 4: 3o ano do ensino médio);
- etnia (0: aborígine, 1: não aborígine);
- desempenho escolar (0: insuficiente, 1: suficiente); e
- sexo (0: masculino, 1: feminino).

Dados:

```
library(MASS)
dados<-quine
head(dados)</pre>
```

```
Eth Sex Age Lrn Days
1 A M F0 SL 2
2 A M F0 SL 11
3 A M F0 SL 14
4 A M F0 AL 5
5 A M F0 AL 5
6 A M F0 AL 13
```

str(dados)

```
'data.frame': 146 obs. of 5 variables:
$ Eth: Factor w/ 2 levels "A", "N": 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
$ Sex: Factor w/ 2 levels "F", "M": 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 ...
$ Age: Factor w/ 4 levels "F0", "F1", "F2", ...: 1 1 1 1 1 1 1 1 2 2 ...
$ Lrn: Factor w/ 2 levels "AL", "SL": 2 2 2 1 1 1 1 1 2 2 ...
$ Days: int 2 11 14 5 5 13 20 22 6 6 ...
```

Denotamos por Y_{ijklm} o número de faltas num determinado período referente ao m-ésimo aluno, cursando o i-ésimo ano, de etnia j, com desempenho escolar k e pertencente ao l-ésimo sexo, em que $i=1,2,3,4,\,j,k,\,l=1,2$ e $m=1,\ldots,144$.

Vamos supor que $Y_{ijklm} \sim \text{BN}(\gamma^{-1}, \mu_{ijkl})$, em que

$$\log(\mu_{ijkl}) = \alpha + \beta_i + \gamma_j + \delta_k + \theta_l,$$

com
$$\beta_1 = 0$$
, $\gamma_1 = 0$, $\delta_1 = 0$ e $\theta_1 = 0$.

Assim, temos um modelo casela de referência em que β_2 , β_3 e β_4 denotam os incrementos do primeiro, segundo e terceiro ano do ensino médio, respectivamente, em relação à 8a série, γ_2 é a diferença entre os efeitos do grupo não aborígine com relação ao grupo aborígine, δ_2 denota a diferença entre os efeitos dos grupos com desempenho suficiente e insuficiente e θ_2 é a diferença entre os efeitos do sexo feminino e masculino.

```
fit.bn = glm.nb( Days ~ Eth + Sex + Age + Lrn, data = dados)
summary(fit.bn)
 Call:
 glm.nb(formula = Days ~ Eth + Sex + Age + Lrn, data = dados,
    init.theta = 1.274892646, link = log)
 Deviance Residuals:
    Min
              10 Median
                              30
                                      Max
 -2.7918 -0.8892 -0.2778 0.3797 2.1949
 Coefficients:
            Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
 (Intercept) 2.89458 0.22842 12.672 < 2e-16 ***
          -0.56937 0.15333 -3.713 0.000205 ***
 EthN
 SerM
           0.08232 0.15992 0.515 0.606710
 AgeF1 -0.44843 0.23975 -1.870 0.061425 .
 AgeF2 0.08808 0.23619 0.373 0.709211
AgeF3 0.35690 0.24832 1.437 0.150651
 LrnSL 0.29211 0.18647 1.566 0.117236
 Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
 (Dispersion parameter for Negative Binomial(1.2749) family taken to be 1)
    Null deviance: 195.29 on 145 degrees of freedom
 Residual deviance: 167.95 on 139 degrees of freedom
 ATC: 1109 2
 Number of Fisher Scoring iterations: 1
              Theta: 1.275
          Std Err · 0 161
```

2 x log-likelihood: -1093.151

O desvio do modelo ajustado foi de 167,95 (139 graus de liberdade).

Notamos que os fatores sexo e desempenho escolar não são significativos a 10%, sendo portanto retirados do modelo.

Então, para o novo modelo retiramos os fatores sexo e desempenho escolar e incluimos a interação ano e etnia.

O novo ajuste é apresentado a seguir.

```
fit.bn1 = glm.nb( Days ~ Eth + Age + Eth: Age, data = dados)
summary(fit.bn1)
Call:
glm.nb(formula = Days ~ Eth + Age + Eth: Age, data = dados, init.theta = 1.357377778,
    link = log)
Deviance Residuals:
             10 Median
    Min
                                     Max
-2.7367 -0.9489 -0.3137 0.4514 2.1473
Coefficients:
           Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
(Intercept) 2.6280 0.2495 10.535 < 2e-16 ***
            0.1311 0.3455 0.379 0.70436
EthN
AgeF1 0.1784 0.3195 0.558 0.57664
AgeF2 0.8267 0.3172 2.606 0.00916 **
AgeF3 0.3708 0.3337 1.111 0.26650
EthN:AgeF1 -0.9916 0.4394 -2.257 0.02403 *
EthN:AgeF2 -1.2392 0.4466 -2.775 0.00552 **
EthN:AgeF3 -0.1763 0.4636 -0.380 0.70380
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
(Dispersion parameter for Negative Binomial(1.3574) family taken to be 1)
    Null deviance: 205.56 on 145 degrees of freedom
Residual deviance: 167.84 on 138 degrees of freedom
ATC: 1102 6
Number of Fisher Scoring iterations: 1
             Theta: 1 357
          Std Err · 0 174
 2 x log-likelihood: -1084.638
```

```
1
13.84615 13.84615 13.84615 13.84615 13.84615 13.84615 13.84615 13.84615
       9
               10
16.55000 16.55000
X<-cbind(rep(1,length(dados$Days)), ifelse(dados$Eth=="N",1,0),</pre>
         ifelse(dados$Age=="F1",1,0),
         ifelse(dados$Age=="F2",1,0),ifelse(dados$Age=="F3",1,0),
         ifelse(dados$Eth=="N",1,0)*ifelse(dados$Age=="F1",1,0),
         ifelse(dados$Eth=="N",1,0)*ifelse(dados$Age=="F2",1,0),
         ifelse(dados$Eth=="N",1,0)*ifelse(dados$Age=="F3",1,0))
betas <- matrix (fit. bn1 $coefficients, 8, 1)
exp(X%*\%betas)[1:10,]
```

- [1] 13.84615 13.84615 13.84615 13.84615 13.84615 13.84615
- [8] 13.84615 16.55000 16.55000

fitted(fit.bn1)[1:10]

	Eth	Age	Days	fitted(fit.bn1)	exp(X %*% betas)		
15	A	F2	32	31.65000	31.65000		
16	Α	F2	53	31.65000	31.65000		
17	Α	F2	57	31.65000	31.65000		
18	Α	F2	14	31.65000	31.65000		
19	Α	F2	16	31.65000	31.65000		
20	A	F2	16	31.65000	31.65000		
21	Α	F2	17	31.65000	31.65000		
22	Α	F2	40	31.65000	31.65000		
23	Α	F2	43	31.65000	31.65000		
24	Α	F2	46	31.65000	31.65000		
25	Α	F3	8	20.06250	20.06250		
26	A	F3	23	20.06250	20.06250		
27	Α	F3	23	20.06250	20.06250		
28	Α	F3	28	20.06250	20.06250		
29	Α	F3	34	20.06250	20.06250		
30	Α	F3	36	20.06250	20.06250		
31	Α	F3	38	20.06250	20.06250		
32	Α	F0	3	13.84615	13.84615		
33	Α	F0	5	13.84615	13.84615		
34	A	F0	11	13.84615	13.84615		
35	A	F0	24	13.84615	13.84615		
36	Α	F0	45	13.84615	13.84615		
37	Α	F1	5	16.55000	16.55000		
38	Α	F1	6	16.55000	16.55000		
39	Α	F1	6	16.55000	16.55000		
40	Α	F1	9	16.55000	16.55000		

```
cbind(min(fitted(fit.bn1)),max(fitted(fit.bn1)))
    [,1] [,2]
[1,] 7 31.65
id1<-as.numeric(names(fitted(fit.bn1)[fitted(fit.bn1)==max(fitted(fit.bn1))])[1]);id1
[1] 14
dados[id1,]
  Eth Sex Age Lrn Days
14 A M F2 SL 6
id2<-as.numeric(names(fitted(fit.bn1)[fitted(fit.bn1)==min(fitted(fit.bn1))])[1]);id2
[1] 79
dados[id2.]
   Eth Sex Age Lrn Days
```

79 N M F1 SL 0

O desvio do novo modelo foi de 167,84 (138 graus de liberdade).

Podemos notar que o grupo não aborígine tem em geral um número médio menor de dias ausentes.

A maior média é observada para estudantes do grupo aborígine cursando o 20 do ensino médio e o menor valor médio é observado para estudantes do grupo não aborígine cursando o 10 do ensino médio.

O valor estimado de γ é $\widehat{\gamma} = \frac{1}{1,357} = 0,737$.

```
fit.poisson = glm( Days ~ Eth + Age + Eth:Age, family = poisson, data = dados)
summary(fit.poisson)
```

```
Call:
glm(formula = Days ~ Eth + Age + Eth: Age, family = poisson, data = dados)
Deviance Residuals:
          10 Median
  Min
                         30
                               Max
-6.947 -2.987 -0.797 1.651
                              9 554
Coefficients:
           Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
(Intercept) 2.62801 0.07454 35.258 < 2e-16 ***
EthN
          0.13110 0.10040 1.306 0.1916
AgeF1
         0.17838 0.09261 1.926 0.0541 .
AgeF2 0.82673 0.08447 9.787 < 2e-16 ***
AgeF3 0.37084 0.09312 3.983 6.82e-05 ***
EthN:AgeF1 -0.99157 0.13637 -7.271 3.56e-13 ***
EthN:AgeF2 -1.23923 0.12824 -9.664 < 2e-16 ***
EthN:AgeF3 -0.17627 0.12753 -1.382 0.1669
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
(Dispersion parameter for poisson family taken to be 1)
   Null deviance: 2073.5 on 145 degrees of freedom
Residual deviance: 1597.1 on 138 degrees of freedom
ATC: 2201 6
Number of Fisher Scoring iterations: 5
```

Verificamos neste exemplo, como fica o ajuste através de um modelo log-linear de Poisson.

O modelo log-linear de Poisson apresenta fortes indícios de sobredispersão, isso é justificado pelo valor do desvio de 1597, 11 (138 graus de liberdade).

O AIC para modelo log-linear de Poisson é de 2201,6, enquanto para a binomial negativa é de 1102,6.

	Dependent variable:		
	Days		
	Poisson	negative binomial	
	(1)	(2)	
EthN	0.131	0.131	
	(0.100)	(0.346)	
AgeF1	0.178*	0.178	
•	(0.093)	(0.320)	
AgeF2	0.827***	0.827***	
•	(0.084)	(0.317)	
AgeF3	0.371***	0.371	
•	(0.093)	(0.334)	
EthN:AgeF1	-0.992***	-0.992**	
	(0.136)	(0.439)	
EthN:AgeF2	-1.239***	-1.239***	
	(0.128)	(0.447)	
EthN:AgeF3	-0.176	-0.176	
	(0.128)	(0.464)	
Constant	2.628***	2.628***	
	(0.075)	(0.249)	
Observations	146	146	
Log Likelihood			
theta		1.357*** (0.174)	
Akaike Inf. Crit.		1,102.638	
Note:		p<0.05; ***p<0.01	

Métodos de quasi-verossimilhança

```
Call.
glm(formula = Days ~ Eth + Age + Eth: Age, family = quasi(link = "log",
   variance = "mu"), data = dados)
Deviance Residuals:
  Min
          10 Median
                         30
                               Max
-6.947 -2.987 -0.797 1.651 9.554
Coefficients:
          Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept) 2.6280 0.2594 10.130 < 2e-16 ***
EthN
           0.1311 0.3495 0.375 0.70814
          0.1784 0.3224 0.553 0.58091
AgeF1
AgeF2 0.8267 0.2940 2.812 0.00564 **
          0.3708 0.3241 1.144 0.25454
AgeF3
EthN:AgeF1 -0.9916 0.4747 -2.089 0.03854 *
EthN:AgeF2 -1.2392 0.4464 -2.776 0.00626 **
EthN:AgeF3 -0.1763 0.4439 -0.397 0.69191
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
(Dispersion parameter for quasi family taken to be 12.11562)
   Null deviance: 2073.5 on 145 degrees of freedom
Residual deviance: 1597.1 on 138 degrees of freedom
AIC: NA
Number of Fisher Scoring iterations: 5
```

```
X2 <- sum(residuals(fit.poisson, type="pearson")^2)</pre>
X2
[1] 1671.95
n<-length(dados$Days);n</pre>
Γ17 146
p<-length(fit.poisson$coefficients);p</pre>
[1] 8
phi < -X2/(n-p)
phi
[1] 12.11558
```

```
cbind(summary(fit.poisson)$coefficients[,1],
     summary(fit.quasi.poisson)$coefficients[,1])
                 [,1]
                            [.2]
(Intercept) 2.6280075 2.6280075
EthN
            0.1310979 0.1310979
AgeF1
        0.1783786 0.1783786
AgeF2
         0.8267307 0.8267307
AgeF3
       0.3708449 0.3708449
EthN:AgeF1 -0.9915738 -0.9915738
EthN:AgeF2 -1.2392340 -1.2392340
EthN: AgeF3 -0.1762662 -0.1762662
cbind(summary(fit.poisson)$coefficients[,2],
     summary(fit.poisson)$coefficients[,2]*sqrt(phi),
     summary(fit.quasi.poisson)$coefficients[,2])
                 [,1] [,2]
                                    [.3]
(Intercept) 0.07453559 0.2594393 0.2594397
EthN
           0.10040116 0.3494707 0.3494713
AgeF1
           0.09261048 0.3223534 0.3223539
AgeF2
           0.08447090 0.2940216 0.2940221
AgeF3
           0.09311723 0.3241172 0.3241178
EthN: AgeF1 0.13636731 0.4746597 0.4746605
EthN: AgeF2 0.12823734 0.4463613 0.4463620
EthN: AgeF3 0.12752700 0.4438888 0.4438896
```

```
fit.quasi.poisson2 = glm(Days ~ Eth + Age + Eth; Age, data = dados.
                              family = quasi(link="log".variance="mu^2"))
summary(fit.quasi.poisson2)
Call.
glm(formula = Days ~ Eth + Age + Eth: Age, family = quasi(link = "log",
    variance = "mu^2"), data = dados)
Deviance Residuals:
    Min
             10 Median
                                    Max
-2.0029 -0.8685 -0.2806 0.3970 1.8967
Coefficients:
           Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept) 2.6280
                     0.2469 10.645 < 2e-16 ***
EthN
           0.1311 0.3428 0.382 0.70277
AgeF1
          0.1784 0.3171 0.562 0.57469
AgeF2 0.8267 0.3171 2.607 0.01014 *
          0.3708 0.3324 1.116 0.26646
AgeF3
EthN:AgeF1 -0.9916 0.4332 -2.289 0.02359 *
EthN:AgeF2 -1.2392 0.4436 -2.794 0.00595 **
EthN:AgeF3 -0.1763 0.4622 -0.381 0.70355
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
(Dispersion parameter for quasi family taken to be 0.7923271)
    Null deviance: 151.13 on 145 degrees of freedom
Residual deviance: 120.75 on 138 degrees of freedom
ATC: NA
Number of Fisher Scoring iterations: 7
```

	Dependent variable:							
	Days							
	Poisson	negative						
	(1)	(2)	(3)	(4)				
EthN	0.131	0.131	0.131					
	(0.100)	(0.346)	(0.349)					
AgeF1	0.178*	0.178	0.178	0.178				
	(0.093)	(0.320)		(0.317)				
AgeF2	0.827***	0.827***	0.827***	0.827**				
	(0.084)		(0.294)					
AgeF3	0.371***	0.371	0.371	0.371				
	(0.093)	(0.334)		(0.332)				
EthN:AgeF1	-0.992***	-0.992**	-0.992**	-0.992**				
Ü	(0.136)	(0.439)	(0.475)	(0.433)				
EthN:AgeF2	-1.239***	-1.239***	-1.239***	-1.239***				
Ü	(0.128)	(0.447)	(0.446)	(0.444)				
EthN:AgeF3	-0.176	-0.176	-0.176	-0.176				
ū	(0.128)	(0.464)	(0.444)	(0.462)				
Constant	2.628***	2.628***	2.628***	2.628***				
	(0.075)	(0.249)	(0.259)	(0.247)				
Observations	146	146	146	146				
Log Likelihood theta		-543.319 1.357*** (0.174)						
Akaike Inf. Crit.	2,201.585	1,102.638						
Note:		*p<0.1;	**p<0.05;	***p<0.01				

44/45

Referência

- Paula, G.A. (2013). Modelos de Regressão com Apoio Computacional.
- Agresti, A. (2015). Foundations of Linear and Generalized Linear Models. Wiley series in probability and statistics.
- Faraway, J. J. (2006). Extending the Linear Model with R. Generalized Linear, Mixed Effects and Nonparametric Regression Models.

 Chapaman and Hall/CRC.
- Hlavac, Marek (2018). stargazer: Well-Formatted Regression and Summary Statistics Tables. R package version 5.2.2. https://CRAN.R-project.org/package=stargazer