Statistics II



로지스틱 회귀분석

- 로지스틱 회귀(Logistic Regression)의 목적은 일반적인 회귀 분석의 목표와 동일하게 종속 변수와 독립 변수간의 관계를 구체적인 함수로 나타내어 향후 예측 모델에 사용하는 것
- 로지스틱 회귀는 선형 회귀분석과는 다르게 종속 변수가 범주형 데이터를 대상으로 하며, 데이터의 결과가 특정 분류로 나뉘기 때문에 일종의 분류(classification) 기법
- 로지스틱 회귀분석은 **확률을 다루는 분석법이**다. 예로 나이가 증가함에 따라 당뇨 확률이 어떻게 변하는 가? 허리 둘레와 당뇨 확률의 관계는 어떤가?... 등등... yes/no의 비율을 다루는 분석법
- 로지스틱 회귀분석의 용도
 - ✓ 로지스틱 회귀분석은 분류 모델링에 사용되는 기법으로 새로운 데이터에 대해 "분류를 예측"하거나" 예측 변수 프로파일링"을 할 수 있습니다.
 - ✓ 고객을 재구매 고객과 처음 구매한 고객으로 분류(분류)
 - ✓ 남자 최고 경영진과 여자 최고 경영진을 구별하는 요인 찾기(프로파일링)

로지스틱 회귀분석

- R 프로그램에서 로지스틱 회귀분석에 사용되는 함수는 glm() 함수입니다.
 - ✓ glm() 함수는 일반화 선형 모형(Generalized Linear Model)을 추정하는 함수로,
 - ✓ 로지스틱 회귀분석은 glm() 함수를 사용하여 수행
 - ✓ 일반화 선형 모형에서는 다양한 분포의 종속 변수에 적용하기 때문에, 종속 변수가 어떤 분포를 따르고 있는지 옵션을 주는 것이다.
 - ✓ 종속변수가 이항의 값을 갖는 경우, family = binomial()로 설정한다.
- glm() 함수를 사용하여 로지스틱 회귀분석을 수행하려면 다음과 같은 인수를 지정해야 합니다.
 - ✓ formula 인수: 종속 변수와 설명 변수의 관계를 나타내는 회귀식을 지정
 - ✔ family 인수: 종속 변수의 분포를 지정한다. 로지스틱 회귀분석의 경우 family = binomial()을 지정
 - ✓ data 인수: 분석에 사용할 데이터 세트를 지정

ex) Model ← glm (formular = y ~ x1+x2+x3, data=ex, family=binomial())

로지스틱 회귀분석

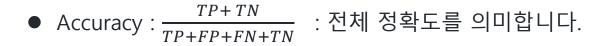
- 회귀분석 모델의 성능 평가는 R²를 통해 성능을 평가하지만, 로지스틱 회귀분석은 확률을 다루는 분석이기 때문에 분류 모델이 실제로 얼마나 맞추었는가? 를 평가하는 것
- 확률 관점에서 모델의 성능을 평가 하기 위해서는 얻어진 로지스틱 회귀 모델에 의한 확률을 추정하고 그 결과를 평가 해야한다.
- 로지스틱 회귀분석의 결과 해석은 다음과 같은 단계로 진행한다.
 - ✓ 각 설명변수의 표준오차를 사용하여 계수의 유의성을 평가한다. 표준오차가 작은 경우 해당 계수 는 유의하다고 할 수 있다.
 - ✓ 각 설명변수의 계수를 해석한다. 설명변수의 계수가 갖는 영향력은 승산 값(odds)으로 평가한다.
- 로지스틱 회귀분석 모델의 적합도와 성능을 평가하는 방법과 사용하는 값은 다음과 같다.
 - ✓ Deviance(이탈도) 값이 작을수록 모형이 더 적합하다고 할 수 있습니다.
 - ✓ AIC(Akaike Information Criterion) 값은 작은 모형이 더 간결하다고 할 수 있다.
 - ✓ 정확도(Accuracy), 민감도(Sensitivity), 특이도(Specificity)에 의해 평가

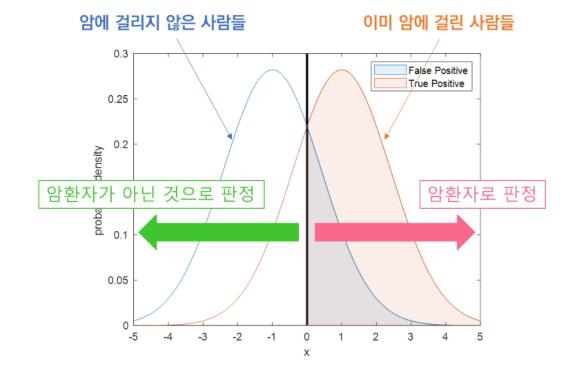
모델의 성능평가

	실제 값(Positive) 실제 값	t(Negative)
모형 예측값(Positive)	True Positve(TP) False	Positive(FP)
모형 예측값(Negative)	alse Negative(FN) True N	legative(TN)

Sensitivity

Specificity





• Sensitivity(민감도) : $\frac{TP}{TP+FN}$: 실제 Positive 중에서 모형이 Positive를 맞추었는가? 에 대한 지표

• Specificity(특이도) : $\frac{TN}{FP+TN}$: 실제 Negative 중에서 모형이 Negative를 맞추었는가? 에 대한 지표

- 'mtcars' 데이터셋으로 로지스틱 회귀분석 실시하기
 - ✓ 예제로 사용하는 데이터셋 mtcars 는 1973~74년도에 생산된 32종류의 자동차에 대해 11개 변수를 측정 한 데이터
- 로지스틱 회귀모형은 종속변수가 범주형이기 때문에 vs를 이용해 엔진종류를 예측하기 위한 분석을 한다.

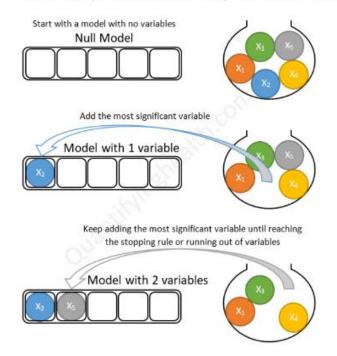
변수 이름	변수 설명	변수 유형
VS	엔진종류(0=V-shaped, 1=straight)	범주형
mpg	갤런당 마일(연비)	수치형
am	변속기 종류(0=automatic, 1=manual)	범주형
wt	차량 무게	수치형

- 로지스틱 회귀분석의 변수선택법 적용하기
 - ✓ 로지스틱 회귀분석도 일반회귀분석처럼 전진대입법 (forward), 후진제거법(backward), 단계적 방법(stepwise) 을 통해 유의한 변수만 선택하는 방법이 있다
 - ✔ R에서는 step() 함수를 이용한다.
 - ✓ direction 인자에 forward, backward, stepwise을 적용할 수 있다.
- 오른쪽에서처럼 direction = "backward" 를 실행하면
 - ✓ formula 인자에 설정한 설명변수들을 모두 넣어 학습 시키고,
 - ✓ 단계적으로 유의하지 않는 변수를 빼는 작업을 수행하 게 되며
 - ✓ 최종적으로 최적의 예측변수들만 남게된다.
 - ✓ 변수가 유의한 지를 판단하는 기준은 단계별로 이탈도 (deviance)를 이용하여 판단할 수 있으며
 - ✓ anova() 함수의test 인자를 "Chisq"로 설정하여 확인할 수 있습니다.

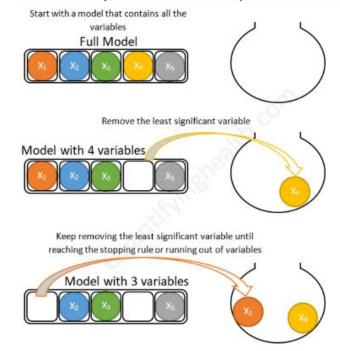
```
#mpg, am, wt 예측변수를 이용한 vs 변수 예측
> glm_vs2 <- glm(vs~mpg+am+wt, data=mtcars, family=binomial)
#변수선택법 적용
> step_vs <- step(glm_vs, direction = "backward")</pre>
Start: AIC=27.34
vs ~ mpg + am + wt
      Df Deviance AIC
      1 20.646 26.646
          19.342 27.342
     1 21.532 27.532
      1 25.298 31.298
Step: AIC=26.65
vs ~ mpg + am
      Df Deviance AIC
           20.646 26.646
<none>
      1 25.533 29.533
 mpg 1 42.953 46.953
```

변수선택 방법

Forward stepwise selection example with 5 variables:



Backward stepwise selection example with 5 variables:



● backward 방법은 AIC 값을 기준으로 변수를 제거 하는 방법입니다.

- backward 방법을 사용하여 변수 선택을 수행하는 방법은,
 - 1. 모든 독립변수를 포함하는 모형을 생성한다.
 - 2. AIC 값이 가장 높은 변수를 제거한다.
 - 3. 제거된 변수를 제외한 모형을 생성한다.
 - 4. 2번과 3번의 과정을 반복한다.

- 로지스틱 회귀분석의 이탈도(deviance)는 로그 우도값으로서,
 - ✓ 종속 변수의 성공 확률을 얼마나 잘 예측하는지 나타내는 값
 - ✓ null model과 현재 모델의 설명력의 차이를 나타내며
 - ✓ null model은 절편 만을 포함하는 모델로서, deviance 값이 작을 수록 현재 모델이 null model보다 더 좋은 설명력을 갖는다는 것을 의미한다.
- 우측에서 보듯이 종속변수 vs에 대한 설명변수 mpg, am의 Pr(>Chi)가 0.05이하임으로 통계적으로 유의하다고 할수 있다.
- wt은 0.05 보다 커서 유의하지 않는다고 판단할 수 있다.
 따라서, 앞에서 수행한 변수선택법에서 wt가 가장 먼저 제 거되어야 하는 변수임을 확인할 수 있다.

```
#이탈도 확인
> anova(glm_vs2, test="Chisq")
Analysis of Deviance Table
Model: binomial, link: logit
Response: vs
Terms added sequentially (first to last)
     Df Deviance Resid. Df Resid. Dev Pr(>Chi)
NULL
                             43.860
     1 18.327
                             25.533 1.861e-05 ***
         4.887
                             20.646 0.02706 *
                             19.342 0.25348
     1 1.304
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' '1
```

- 'Telco-Customer-Churn' 데이터셋으로 로지스틱 회귀분석 실시하기
 - ✓ 예제로 사용하는 데이터셋 Telco-Customer-Churn은 2019년 1월~12월까지 미국의 한 통신 서비스 회사의 고객 정보를 포함
 - ✓ 데이터셋에는 총 7,043개의 고객정보가 포함되어 있으며, 이 중 1,532명의 고객이 이탈했다.
- 로지스틱 회귀모델 분석에 사용되는 변수의 이름과 유형은 표와 같다.

변수 이름	변수 설명	변수 유형
Churn	고객의 이탈 여부("yes"=이탈, "No"=유지)	범주형
tenure	고객의 서비스 가입 기간	수치형
MonthlyCharges	고객의 월 요금	수치형
TotalCharges	고객이 사용하는 총서비스 용금	수치형

```
Telco_data <- read.csv(file = "C:/Users/User/Desktop/R_data/Telco-Customer-Churn.csv") >> .CSV 엑셀 데이터 셋을 읽어 들인다.
str(Telco_data)
head(Telco_data)
#### 로지스틱 회귀분석을 위해 종속변수는 범주현 변수여야 함.
#### 이를 위해 현재의 char변수를 범주형 변수로 변환시켜줌
                                                                                        >> 변수 'Churn'을 범주형으로 변환, 저장
Telco_data$Churn <- factor(Telco_data$Churn)</pre>
str(Telco_data)
                                                                                        >> 3개의 설명변수와 종속변수 'Churn' 에 대한 로지스틱 회귀분석 실행
qlm_Churn <- qlm(Churn~tenure+MonthlyCharges+TotalCharges, data = Telco_data, family=binomial)
summary(glm_Churn)
                           > glm_Churn <- glm(Churn~tenure+MonthlyCharges+TotalCharges, data = Telco_data, family=binomial)
                           Error in eval(family$initialize) :
                             y 값들은 반드시 o 이상 1 이하이어야 합니다
                           > Telco_data$Churn <- factor(Telco_data$Churn)</pre>
                           > str(Telco_data)
                            'data.frame': 7043 obs. of 21 variables:
                            $ customerID
                                         : chr "7590-VHVEG" "5575-GNVDE" "3668-QPYBK" "7795-CFOCW" ...
                                            : chr "Female" "Male" "Male" "Male" ...
                            $ gender
                            $ SeniorCitizen : int 0 0 0 0 0 0 0 0 0 ...
                            $ Partner
                                           : chr "Yes" "No" "No" "No" ...
                            $ Dependents
                                            : chr "No" "No" "No" "No" ...
                            $ tenure
                                            : int 1 34 2 45 2 8 22 10 28 62 ...
                            $ PhoneService : chr "No" "Yes" "Yes" "No" ...
                            $ MultipleLines : chr "No phone service" "No" "No phone service" ...
                            $ InternetService : chr "DSL" "DSL" "DSL" "DSL" ...
                            $ OnlineSecurity : chr "No" "Yes" "Yes" "Yes" ...
                            $ OnlineBackup : chr "Yes" "No" "Yes" "No" ...
                            $ DeviceProtection: chr "No" "Yes" "No" "Yes" ...
                                           : chr "No" "No" "No" "Yes" ...
                            $ TechSupport
                                           : chr "No" "No" "No" "No" ...
                            $ StreamingTV
                            $ StreamingMovies : chr "No" "No" "No" "No" ...
                                            : chr "Month-to-month" "One year" "Month-to-month" "One year" ...
                            $ Contract
                            $ PaperlessBilling: chr "Yes" "No" "Yes" "No" ...
                            $ PaymentMethod : chr "Electronic check" "Mailed check" "Bank transfer (automatic)" ..
                            $ MonthlyCharges : num 29.9 57 53.9 42.3 70.7 ...
                            $ TotalCharges : num 29.9 1889.5 108.2 1840.8 151.7 ...
                                            : Factor w/ 2 levels "No", "Yes": 1 1 2 1 2 2 1 1 2 1 ...
                            $ Churn
```

```
> glm_Churn <- glm(Churn~tenure+MonthlyCharges+TotalCharges, data =
Telco_data, family=binomial)
> summary(qlm_Churn)
call:
glm(formula = Churn ~ tenure + MonthlyCharges + TotalCharges,
   family = binomial, data = Telco_data)
Deviance Residuals:
   Min
             10 Median
                                      Max
-1.8474 -0.7316 -0.4042 0.8036 3.1441
Coefficients:
               Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
(Intercept) -1.599e+00 1.173e-01 -13.628 <2e-16 ***
             -6.711e-02 5.458e-03 -12.297 <2e-16 ***
tenure
MonthlyCharges 3.020e-02 1.717e-03 17.585 <2e-16 ***
TotalCharges 1.451e-04 6.144e-05 2.361 0.0182 *
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' '1
(Dispersion parameter for binomial family taken to be 1)
   Null deviance: 8143.4 on 7031 degrees of freedom
Residual deviance: 6376.2 on 7028 degrees of freedom
 (결측으로 인하며 11개의 관측치가 삭제되었습니다.)
AIC: 6384.2
Number of Fisher Scoring iterations: 6
```

- ▶ 'Null deviance'와 'Residual deviance'를 해석하는 방법은,
 - : 'Null deviance' 값과 'Residual deviance' 값의 차이가 크면, 독립 변수가 모형의 적합도를 개선하는 데 도움이 되었다고 판단할 수 있다.
- deviance는 모형이 관측 데이터를 얼마나 잘 설명하는지를 나타내는 지표
- ▶ deviance(이탈도) 값이 낮을수록 모형이 관측 데이터를 더 잘 설명
- ▶ Null deviance: 독립 변수가 없는 모형에서의 deviance
- ➤ Residual deviance: 독립 변수가 있는 모형에서의 deviance
- ➤ AIC(Akaike Information Criterion) 값은 모델의 적합도와 복잡도를 함께 고려한 지표로서,
- ➤ AIC 값이 낮을수록 모델이 더 적합하다고 판단할 수 있으나
- AIC 값이 절대적인 지표는 아니며, 다른 지표와 함께 고려하여 모델을 평가하는 것이 좋다.

```
> glm_Churn <- glm(Churn~tenure+MonthlyCharges+TotalCharges, data =
 Telco_data, family=binomial)
 > summary(glm_Churn)
 call:
 glm(formula = Churn ~ tenure + MonthlyCharges + TotalCharges,
     family = binomial, data = Telco_data)
 Deviance Residuals:
              10 Median
 -1.8474 -0.7316 -0.4042 0.8036 3.1441
 Coefficients:
                 Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
 (Intercept) -1.599e+00 1.173e-01 -13.628 <2e-16 ***
               -6.711e-02 5.458e-03 -12.297 <2e-16 ***
 tenure
 MonthlyCharges 3.020e-02 1.717e-03 17.585 <2e-16 ***
 TotalCharges 1.451e-04 6.144e-05 2.361 0.0182 *
 Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
 (Dispersion parameter for binomial family taken to be 1)
    Null deviance: 8143.4 on 7031 degrees of freedom
 Residual deviance: 6376.2 on 7028 degrees of freedom
  (결측으로 인하며 11개의 관측치가 삭제되었습니다.)
 AIC: 6384.2
 Number of Fisher Scoring iterations: 6
> odds <- exp(coef(glm_Churn)); odds
                       tenure MonthlyCharges
   (Intercept)
                                               TotalCharges
     0.2021334
                    0.9350881
                                   1.0306603
                                                  1.0001451
> range(Telco_data$tenure); range(Telco_data$MonthlyCharges)
[1] 0 72
[1] 18.25 118.75
```

● 승산(odds) 값은 특정변수의 값이 1단위 증가할 때 종속 변수의 성공 확률이 몇 배가 되는지를 나타내는 값

tenure의 회귀계수: -0.0671 의미는: tenure 가 1단위 증가하면, Churn="Yes"일 오즈 exp(- 0.0671) ≒ 0.94배.

→ 즉, 통신서비스사를 변경 할 확률이 6% 감소하며

MonthlyCharges의 회귀계수: 0.03 의미는: MonthlyCharges 가 1단위 증가하면, Churn="Yes"일 오즈가 exp(0.03) ≒ 1.03배

- → 즉, 통신서비스사를 변경 할 확률이 3% 증가한다는 것을 의미
- 월 사용금액(MonthlyCharges)은 통신서비스사를 변경할 확률에 유의한 영향을 미친다.
- 그러나 MonthlyCharges 의 변동 범위가 크므로, MonthlyCharges의 1단위 증가가 통신서비스사 변경 확률에 미치는 영향은 상대적으로 작다.
- 변수의 유의성 여부와 변수의 영향력(오즈 값의 크기) 간에는 상관이 없다.

승산(odds)값의 의미

```
> glm_Churn <- glm(Churn~tenure+MonthlyCharges+TotalCharges, data =</pre>
 Telco_data, family=binomial)
 > summary(glm_Churn)
 call:
 glm(formula = Churn ~ tenure + MonthlyCharges + TotalCharges,
     family = binomial, data = Telco_data)
 Deviance Residuals:
     Min
              10 Median
                               3Q
 -1.8474 -0.7316 -0.4042 0.8036 3.1441
 Coefficients:
                 Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
 (Intercept) -1.599e+00 1.173e-01 -13.628 <2e-16 ***
 tenure
              -6.711e-02 5.458e-03 -12.297 <2e-16 ***
 MonthlyCharges 3.020e-02 1.717e-03 17.585 <2e-16 ***
 TotalCharges 1.451e-04 6.144e-05 2.361 0.0182 *
 Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' '1
 (Dispersion parameter for binomial family taken to be 1)
     Null deviance: 8143.4 on 7031 degrees of freedom
 Residual deviance: 6376.2 on 7028 degrees of freedom
   (결측으로 인하며 11개의 관측치가 삭제되었습니다.)
 AIC: 6384.2
 Number of Fisher Scoring iterations: 6
> odds <- exp(coef(qlm_Churn)); odds
   (Intercept)
                        tenure MonthlyCharges
                                                TotalCharges
     0.2021334
                                    1.0306603
                     0.9350881
                                                   1.0001451
> range(Telco_data$tenure); range(Telco_data$MonthlyCharges)
[1] 0 72
[1] 18.25 118.75
```

$$p = \beta_0 + \beta_1 x_1 + \ldots + \beta_n x_n$$

$$p = \frac{\text{Odds}}{1 + \text{odds}} \quad \bullet \quad \text{Odds} = e^{\beta_0 + \beta_1 x + \dots + \beta_n x_n}$$

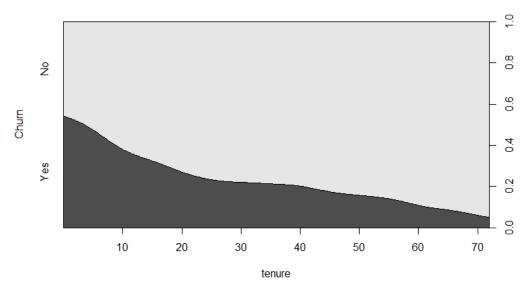
tenure의 회귀계수: -0.0671 의미는: tenure 가 1단위 증가하면, Churn="Yes"일 오즈 exp(- 0.0671) ≒ 0.94배.

→ 즉, 통신서비스사를 변경 할 확률이 6% 감소하며

MonthlyCharges의 회귀계수: 0.03 의미는: MonthlyCharges 가 1단위 증가하면, Churn="Yes"일 오즈가 exp(0.03) ≒ 1.03배

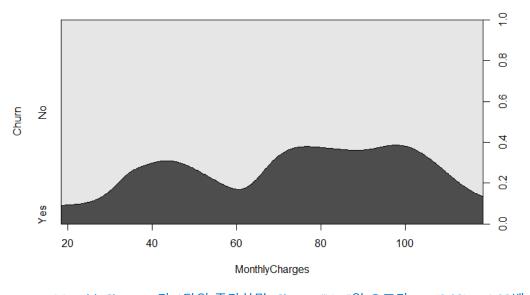
→ 즉, 통신서비스사를 변경 할 확률이 3% 증가한다는 것을 의미

- cdplot() 함수는 로지스틱 회귀분석에서 설명변수의 변화에 따른 종속변수의 분포를 시각화하는 함수
 - ✓ 설명변수의 변화에 따른 종속변수의 성공 확률의 변화를 시각적으로 확인할 수 있다.
 - ✓ 연속형 변수인 설명변수 별로 범주형 종속변수의 성공 확률이 어떻게 다른지 확인할 수 있다.
- 아래 그림은 계약기간(tenure)이 길어질수록 Churn의 확률 즉, 통신서비스 회사를 변경할 가능성이 크게 줄어든다는 것을 보여준다.



tenure 가 1단위 증가하면, Churn="Yes"일 오즈 exp(- 0.0671) ≒ 0.94배.

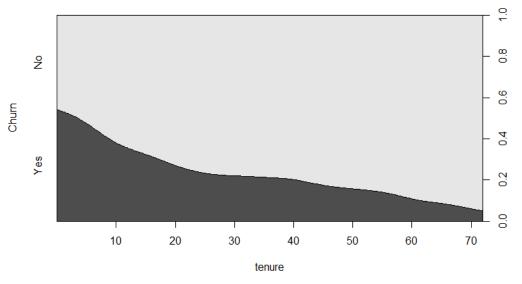
→ 통신서비스사를 변경 할 확률이 6% 감소



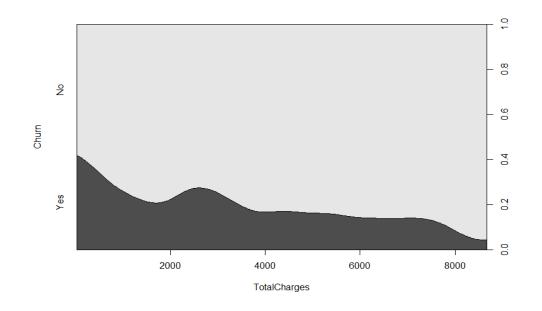
MonthlyCharges 가 1단위 증가하면, Churn="Yes"일 오즈가 exp(0.03) ≒ 1.03배

→ 통신서비스사를 변경 할 확률이 3% 증가

● 아래 그림에서 보듯이 Churn ~ tenure 과 Churn ~ TotalChanges 관계의 특성이 거의 유사한 것을 알 수 있다.



```
> odds <- exp(coef(glm_Churn)); odds
                      tenure MonthlyCharges
   (Intercept)
                                              TotalCharges
     0.2021334
                    0.9350881
                                   1.0306603
                                                  1.0001451
> step_glm_Churn <- step(glm_Churn, direction = "backward")
Start: AIC=6384.23
Churn ~ tenure + MonthlyCharges + TotalCharges
                 Df Deviance AIC
                      6376.2 6384.2
<none>
- TotalCharges
                      6381.9 6387.9
- tenure
                      6566.8 6572.8
- MonthlyCharges 1
                      6719.0 6725.0
```



- ▶ 'TotalChanges' 와 'tenure'의 특성이 거의 유사하게 보인다.
- ▶ 그럼에도, TotalChanges 의 odds값은 1.0001로 TotalChanges 1단위 증가하여도 Churn이 "Yes" 로 변경될 확률에 거의 영향을 미치지 못한다.

왜?????

```
> vif(qlm_Churn)
       tenure MonthlyCharges TotalCharges
     13.70819
                     2.29811
                                   17.79336
> glm_Churn_2 <- glm(Churn~tenure+MonthlyCharges, data = Telco_data,
> summary(glm_Churn_2)
                                                                           <none>
call:
glm(formula = Churn ~ tenure + MonthlyCharges, family = binomial.
                                                                           - tenure
    data = Telco_data)
Deviance Residuals:
    Min
             10 Median
                               3Q
                                       Max
-1.8846 -0.7146 -0.4135 0.7859
                                   3.0066
                                                                         Start: AIC=6400.35
Coefficients:
               Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
(Intercept)
              -1.802436 0.086557 -20.82 <2e-16 ***
tenure
              -0.054850 0.001689 -32.47
                                             <2e-16 ***
                                                                         <none>
MonthlyCharges 0.032954 0.001299 25.37 <2e-16 ***
                                                                         - tenure
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
(Dispersion parameter for binomial family taken to be 1)
    Null deviance: 8150.1 on 7042 degrees of freedom
Residual deviance: 6394.4 on 7040 degrees of freedom
                                                                            (Intercept)
ATC: 6400.4
                                                                              0.1648967
Number of Fisher Scoring iterations: 5
> vif(qlm_Churn_2)
                                                                            (Intercept)
       tenure MonthlyCharges
                                                                              0.2021334
     1.294147
                    1.294147
```

```
> step_glm_Churn <- step(glm_Churn, direction = "backward")
  Start: AIC=6384.23
  Churn ~ tenure + MonthlyCharges + TotalCharges
                   Df Deviance
                                  ATC
                        6376.2 6384.2
  - TotalCharges 1 6381.9 6387.9
                   1 6566.8 6572.8
  - MonthlyCharges 1 6719.0 6725.0
> step_glm_Churn_2 <- step(glm_Churn_2, direction = "backward")</pre>
Churn ~ tenure + MonthlyCharges
                 Df Deviance
                              AIC
                      6394.4 6400.4
- MonthlyCharges 1 7191.9 7195.9
                      7878.2 7882.2
> odds_2 <- exp(coef(glm_Churn_2)); odds_2</pre>
                       tenure MonthlyCharges
                    0.9466274
                                   1.0335029
> odds <- exp(coef(glm_Churn)); odds</pre>
                       tenure MonthlyCharges
                                               TotalCharges
                    0.9350881
                                   1.0306603
                                                  1.0001451
```

- anova 분석은 독립변수의 영향력을 평균 차이로 측정한다. 반면, 로지스틱 회귀분석은 독립 변수의 영향력을 오즈비로 측정합니다. 따라서 anova 분석을 적용하면 독립 변수의 영향력을 정확하게 측정하기 어렵다.
- 로지스틱 회귀분석에서 처음 모델과 개선 후 모델 간의 효과를 분석하기 위해서는 anova 분석 대신 다음과 같은 방법을 사용한다.
 - ✔ ROC 커브 비교
 - : ROC 커브는 모델의 예측 성능을 시각적으로 비교하는 방법입니다. 처음 모델과 개선 후 모델의 ROC 커브를 비교 하여 개선 후 모델이 더 좋은 성능을 보이는지 확인할 수 있습니다.
 - ✓ AUC 비교
 - : AUC는 ROC 커브의 아래 면적을 나타내는 지표이다. AUC 값이 높을수록 모델의 예측 성능이 좋다. 따라서 처음 모델과 개선 후 모델의 AUC 값을 비교하여 개선 후 모델이 더 좋은 성능을 보이는지 확인할 수 있다.
 - ✓ 지적적 차이 검정
 - : 지적적 차이 검정은 두 모형의 분류 정확도 차이가 통계적으로 유의한지 검정하는 방법이다. 처음 모델과 개선 후 모델의 분류 정확도 차이가 통계적으로 유의하다면, 개선 후 모델이 더 좋은 성능을 보이는 것으로 판단할 수 있다.

> anova(glm_Churn, test="Chisq")

Analysis of Deviance Table

Model: binomial, link: logit

Response: Churn

Terms added sequentially (first to last)

	Df	Deviance Re	esid. Df	Resid. Dev	Pr(>Chi)	
NULL			7031	8143.4		
tenure	1	967.09	7030	7176.3	< 2e-16	***
MonthlyCharges			7029	6381.9	< 2e-16	***
TotalCharges	1	5.67	7028	6376.2	0.01728	ŵ
Signif. codes:	0	'***' 0.001	L'**'0.	.01 '*' 0.05	'.' 0.1	''1

- ➤ Resid. Dev 값이 많이 하락 할수록 의미있는 변수이며, 그 값이 작아질수록 모델의 성능이 좋아진다는 것을 의미한다.
- ▶ 변수가 하나씩 포함 될 때마다 Resid. Dev값으로 모델의 성능이 얼마나 나아지는지 확인 할 수 있다.
- Tenure 변수가 포함될 때 Resid. Dev 값이 가장 많이 하락한 것을 알 수 있다.

- confusionMatrix는 학습한 모델의 성능을 평가하는 데 사용되는 지표이다.
- confusionMatrix는 실제 값과 예측 값을 비교하여 분류 모델의 정밀도, 재현율, F1-score, ROC-AUC 등을 계산한다.

> confusionMatrix(Telco_data_test\$Churn,PREDICTED_C) Confusion Matrix and Statistics

```
Reference
Prediction No Yes
No 2674 249
Yes 623 454
```

```
Accuracy: 0.782

95% CI: (0.7689, 0.7947)

No Information Rate: 0.8242

P-Value [Acc > NIR]: 1

Kappa: 0.3778
```

Mcnemar's Test P-Value : <2e-16

Sensitivity: 0.8110
Specificity: 0.6458
Pos Pred Value: 0.9148
Neg Pred Value: 0.4215
Prevalence: 0.8243
Detection Rate: 0.6685
Detection Prevalence: 0.7308
Balanced Accuracy: 0.7284

'Positive' Class : No

- "No Information Rate"는 참조변수의 수준의 비율이다. 예제의 경우, 참조 변수의 수준은 "Yes"와 "No"이고, 각각의 비율은 0.5이다.
- 따라서, 0.8242는 "No Information Rate" 기준 0.5보다 상당히 높아서 성능이 우수 하다는 것을 의미
- "P-Value [Acc > NIR]"는 정확도가 No Information Rate보다 유의하게 높은지 여부를 나타내는 값이다.
- 예제의 경우, P-Value가 1로서 정확도가 No Information Rate보다 유의하게 높다는 것을 의미
- 즉, 예제의 "혼동 행렬"은 정확도가 0.8242이고, 정확도가 No Information Rate보다 유의하게 높다는 것을 보여준다.
- "prediction > 0.5" 에서 확률의 구분 짓는 값을 "cut-off value" 라고 한다

```
PREDICTED_C = ifelse(prediction > 0.5 , "Yes", "No")
PREDICTED_C = as.factor(PREDICTED_C)
```

> confusionMatrix(Telco_data_test\$Churn,PREDICTED_C) Confusion Matrix and Statistics

Reference Prediction No Yes No 2674 249 Yes 623 454

Accuracy: 0.782

95% CI: (0.7689, 0.7947)

No Information Rate : 0.8242

P-Value [Acc > NIR] : 1

Карра: 0.3778

Mcnemar's Test P-Value : <2e-16

Sensitivity: 0.8110 Specificity: 0.6458

Pos Pred Value : 0.9148 Neg Pred Value : 0.4215

Prevalence: 0.8243

Detection Rate : 0.6685 Detection Prevalence : 0.7308

Balanced Accuracy: 0.7284

'Positive' Class : No

> table(prediction > 0.5, Telco_data_test\$Churn)

No Yes FALSE 2674 623 TRUE 249 454

• Kappa: 0.3778

Kappa는 모델의 적합도를 평가하는 지표다. Kappa 값이 0에 가까울수록 모델의 적합도가 낮고, 1에 가까울수록 모델의 적합도가 높다.

■ 예제의 경우, Kappa 값이 0.3778이므로 모델의 적합도가 보통 수준임을 알 수 있습니다.

Mcnemar's Test P-Value : <2e-16</p>

Mcnemar's Test는 두 분류 모델의 성능을 비교하는 데 사용되는 검정 방법이다. Mcnemar's Test P-Value가 작을수록 두 모델의 성능 차이가 유의미하다는 것을 의미합니다

■ 예제의 경우, Mcnemar's Test P-Value가 <2e-16이므로 두 모델의 성능 차이가 유의미하다는 것을 알 수 있다.

Sensitivity: 0.8110

Sensitivity는 실제 양성 예측치를 나타내는 지표이다. Sensitivity 값이 높을수록 모델이 양성 사례를 정확하게 예측할 수 있음을 의미한다.

■ 예제의 경우, Sensitivity 값이 0.8110이므로 모델이 양성 사례를 정확하게 예측할 수 있는 수 준임을 알 수 있다.

Specificity: 0.6458

Specificity는 실제 음성 예측치를 나타내는 지표이다. Specificity 값이 높을수록 모델이 음성 사례를 정확하게 예측할 수 있음을 의미한다.

■ 예제의 경우, Specificity 값이 0.6458이므로 모델이 음성 사례를 정확하게 예측할 수 있는 수 준임을 알 수 있다.

> confusionMatrix(Telco_data_test\$Churn,PREDICTED_C) Confusion Matrix and Statistics

Reference Prediction No Yes No 2674 249 Yes 623 454

Accuracy: 0.782

95% CI: (0.7689, 0.7947)

No Information Rate : 0.8242

P-Value [Acc > NIR] : 1

Kappa: 0.3778

Mcnemar's Test P-Value : <2e-16

Sensitivity: 0.8110 Specificity: 0.6458 Pos Pred Value: 0.9148

Neg Pred Value : 0.4215 Prevalence : 0.8243

Detection Rate : 0.6685

Detection Prevalence : 0.7308 Balanced Accuracy : 0.7284

'Positive' Class: No

> table(prediction > 0.5, Telco_data_test\$Churn)

No Yes FALSE 2674 623 TRUE 249 454

Positive Predictive Value : 0.9148

Positive Predictive Value는 모델이 예측한 양성 사례 중 실제로 양성인 사례의 비율을 나타내는 지표이다. Positive Predictive Value 값이 높을수록 모델이 예측한 양성 사례가 실제로 양성 사례일 가능성이 높음을 의미한다.

■ 예제의 경우, Positive Predictive Value 값이 0.9148이므로 모델이 예측한 양성 사례 가 실제로 양성 사례일 가능성이 높다는 것을 알 수 있다.

Negative Predictive Value : 0.4215

Negative Predictive Value는 모델이 예측한 음성 사례 중 실제로 음성인 사례의 비율을 나타내는 지표다. Negative Predictive Value 값이 높을수록 모델이 예측한 음성 사례가 실제로 음성 사례일 가능성이 높음을 의미한다.

■ 예제의 경우, Negative Predictive Value 값이 0.4215이므로 모델이 예측한 음성 사례가 실제로 음성 사례일 가능성은 낮다는 것을 알 수 있다.

Prevalence : 0.8243

Prevalence는 실제 양성 사례의 비율을 나타내는 지표다. Prevalence 값이 높을수록 데이터셋에서 양성 사례가 많다는 것을 의미한다.

• 예제의 경우, Prevalence 값이 0.8243이므로 데이터셋에서 양성 사례가 많다는 것을 알 수 있습니다.

> confusionMatrix(Telco_data_test\$Churn,PREDICTED_C) Confusion Matrix and Statistics

Reference

Prediction No Yes No 2674 249 Yes 623 454

Accuracy: 0.782

95% CI: (0.7689, 0.7947)

No Information Rate : 0.8242

P-Value [Acc > NIR] : 1

Kappa: 0.3778

Mcnemar's Test P-Value : <2e-16

Sensitivity: 0.8110 Specificity: 0.6458 Pos Pred Value: 0.9148 Neg Pred Value: 0.4215 Prevalence: 0.8243

Detection Rate : 0.6685

Detection Prevalence: 0.7308

Balanced Accuracy: 0.7284

'Positive' Class : No

Detection Rate: 0.6685

Detection Rate는 모델이 실제 양성 사례 중 얼마나 많은 사례를 양성으로 예측했는지를 나타내는 지표다. Detection Rate 값이 높을수록 모델이 실제 양성 사례를 많이 예측할 수 있음을 의미한다.

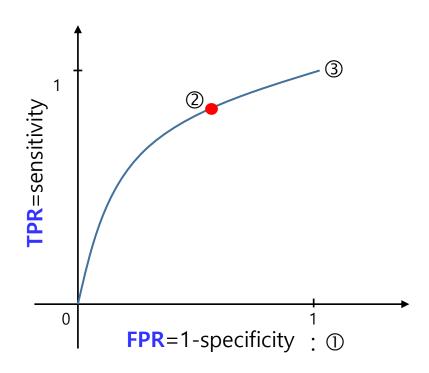
■ 예제의 경우, Detection Rate 값이 0.6685이므로 모델이 실제 양성 사례를 많이 예측할 수 있는 수준임을 알 수 있다.

Detection Prevalence : 0.7308

Detection Prevalence는 모델이 양성으로 예측한 사례 중 실제 양성 사례의 비율을 나타 내는 지표다. Detection Prevalence 값이 높을수록 모델이 양성으로 예측한 사례가 실제 로 양성 사례일 가능성이 높다는 것을 의미한다.

- 예제의 경우, Detection Prevalence 값이 0.7308이므로 모델이 양성으로 예측한 사례가 실제로 양성 사례일 가능성이 높다는 것을 알 수 있다
- ➤ sensitivity : 양성 데이터를 양성으로 잘 맞추는 것이 중요한 경우 평가
- ▶ positive predictive value : 예측이 양성으로 나온 데이터 중 실제 양성 데이터의 비율을 높이는 것이 중요한 경우 평가하는 것이 좋다.
- ▶ prevalence : 전체 데이터 중 양성 데이터의 비율을 파악하고자 하는 경우 평가하는 것이 좋다.
- ❖ confusionMatrix의 결과값이 양성을 기준하여 평가하는 지표가 많은 이유는 분류 모델 의 목적이 양성을 정확하게 예측하는 경우가 많기 때문이다.

ROC Curve?

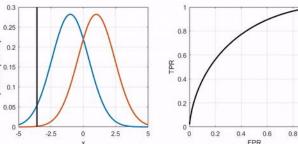


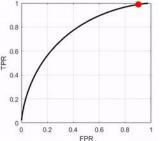
① X, Y축의 의미

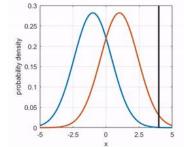
- TPR(True Positive Rate) : True(그런 것)을 Positive(그렇다)고 판정
- Sensitivity 값으로서 높을수록 양성 사례를 정확히 판단할 확률이 높다.
- FPR(False Positive Rate) : False(아닌 것)을 Positive(그렇다)로 판정
- 음성을 음성으로 판단하는 Specificity의 반대로, 음성 사례에 대한 잘못된 판단을 할 확률이 높아진다.

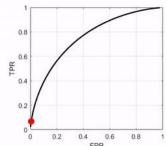
현 위의 점 의미: threshold

• Threshold(판단기준)가 변함에 따라서 FPR 와 TPR 의 값이 달라지는 것을 알 수 있다.



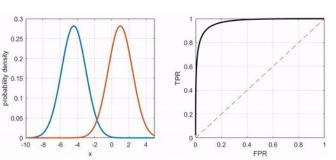


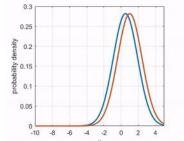


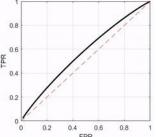


현의 곡률의 의미

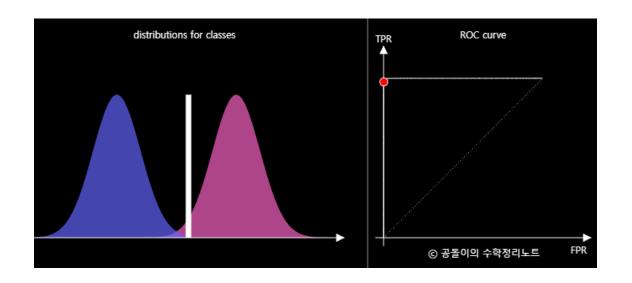
• 두 개 집단을 더 잘 구별할 수 있다면 ROC 커브는 좌 상단에 더 가까워지게 된다.

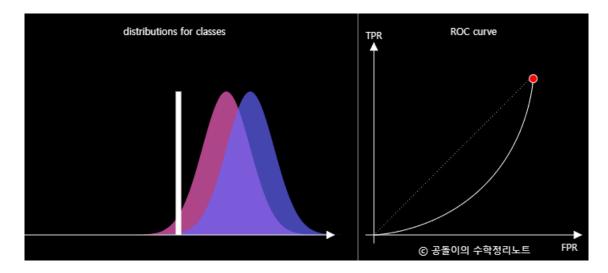


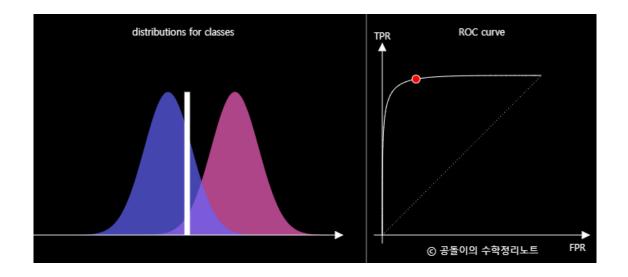


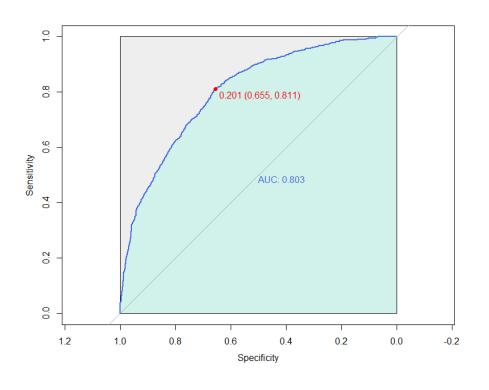


ROC Curve?









- ➤ Roc Curve는 threshold의 값에 따라 Sensitivity와 Specificity의 변화량을 나타낸 그래프
- > ROC Curve은 M/L의 분류 모델의 성능을 평가하는 데 사용되는 그래프
- ➤ AUC(Area under the curve)는 곡선에 해당되는 면적을 나타낸다. AUC값이 높을 수록 바람직한 모델이라고 할 수 있다.

Area Under Curve(AUC)	Evaluation
AUC≥0.9	Excellent
0.8≤AUC<0.9	Good
0.7≤AUC<0.8	Fair
AUC<0.7	Poor

- 붉은 점에 표시된 수치 0.201(0.655,0.811)
 - **0.201**: threshold 위치를 나타내며,
 - (0.655,0.811)은 threshold=0.201 점에서의 (Specificity, Sensitivity) 을 표시

데이터 뱅크

https://www.kaggle.com/datasets

