



Κείμενο Τεκμηρίωσης Υπολογιστικής Εργασίας

Αναγνώριση Προτύπων

Ακαδημαϊκό Έτος 2023 – 2024

Λεωνίδας Πάστρας
π20155

Περιεχόμενα

Πρόλογος.....	2
Προ-Επεξεργασία Δεδομένων.....	2
Οπτικοποίηση Δεδομένων	3
Παλινδρόμηση Δεδομένων	4
Αλγόριθμος Perceptron.....	4
Αλγόριθμος Αλγόριθμος Ελάχιστου Τετραγωνικού Σφάλματος	6
Πολυστρωματικό νευρωνικό δίκτυο	9

Προλογος

Η υπολογιστική εργασία υλοποιήθηκε σε γλώσσα python και χρησιμοποιήθηκαν οι βιβλιοθήκες

- *numpy*
- *matplotlib*
- *pandas*
- *sklearn*

Επιπλέον το αρχείο **dataVisualisation.ipynb** είναι μορφής *jupyter notebook*

Προ-επεξεργασία Δεδομένων

Η προ-επεξεργασία των δεδομένων γίνεται όλη μέσω του αρχείου **data.py**. Μέσα στο αρχείο αυτό υπάρχει η κλάση **HousingData** η οποία παίρνει ως όρισμα το *path* του αρχείου **housing.csv**. Μέσα στην κλάση υπάρχει η μέθοδος **Standardize_Housing_Data()** η οποία επιστρέφει σε μορφή πίνακα κλιμακωμένα τα δεδομένα του αρχείου **housing.csv**.

1. Θα πρέπει να αναγνωρίσετε τα υποσύνολα των αριθμητικών και των κατηγορικών χαρακτηριστικών

Όλα τα χαρακτηριστικά είναι αριθμητικά εκτός από *ocean_proximity* το οποίο είναι κατηγορικό. Συγκεκριμένα χωρίζεται σε 5 κατηγορίες *NEAR BAY, 1<H OCEAN, INLNAD, NEAR OCEAN & ISLAND*

2. Για το υποσύνολο των αριθμητικών χαρακτηριστικών θα πρέπει να πειραματιστείτε με διαφορετικές τεχνικές κλιμάκωσης (*scaling*) των δεδομένων ώστε όλα τα αριθμητικά χαρακτηριστικά να αναπαρίστανται στην ίδια κλίμακα.

Η κλιμάκωση των αριθμητικών δεδομένων πραγματοποιήθηκε με τον αλγόριθμο *MinMaxScaler*. Δηλαδή ο μετασχηματισμός των δεδομένων γίνεται με βάση το ελάχιστο και το μέγιστο των αρχικών τιμών τους, δίνοντάς τους νέες τιμές που να είναι ανάλογες μεταξύ τους στο διάστημα $[0, 1]$.

```
# scale features
scaler = MinMaxScaler()
model=scaler.fit(temp_rows)
scaled_data=model.transform(temp_rows)
```

Η temp_rows περιέχει όλα τα αριθμητικά χαρακτηριστικά και μετά τον μετασχηματισμό σώζονται στην scaled_data

3. Για το υποσύνολο των κατηγορικών χαρακτηριστικών μπορείτε να χρησιμοποιήσετε την *One Hot Vector* κωδικοποίηση ώστε τα εν λόγω δεδομένα να λάβουν διανυσματική αναπαράσταση.

```
# ocean_proximity options: ['NEAR BAY', '<1H OCEAN', 'INLAND', 'NEAR OCEAN', 'ISLAND']
# one hot vector
def Standardize_ocean_proximity(ocean_proximity):
    if ocean_proximity == "NEAR BAY":
        return [1, 0, 0, 0, 0]
    elif ocean_proximity == "<1H OCEAN":
        return [0, 1, 0, 0, 0]
    elif ocean_proximity == "INLAND":
        return [0, 0, 1, 0, 0]
    elif ocean_proximity == "NEAR OCEAN":
        return [0, 0, 0, 1, 0]
    else:
        return [0, 0, 0, 0, 1]
```

Η κωδικοποίηση *One Hot Vector* χρησιμοποιήθηκε στα κατηγορικά δεδομένα `ocean_proximity`. Συγκεκριμένα έγινε μέσω της μεθόδου `Standardize_ocean_proximity()` η οποία παίρνει ως όρισμα μια κατηγορική τιμή και επιστρέφει το αντίστοιχο διάνυσμα.

4. Θα πρέπει να αναγνωρίσετε αν υπάρχουν αριθμητικά χαρακτηριστικά με ελλιπείς τιμές. Για τις συγκεκριμένες εγγραφές μπορείτε να συμπληρώσετε τις τιμές που απουσιάζουν με την διάμεση τιμή του χαρακτηριστικού.

Υπήρχαν ελλιπείς δεδομένα μόνο στην στήλη `total_bedrooms`. Αρχικά σώζουμε τα index των άδειων κελιών σε έναν πίνακα, στην συνέχεια υπολογίζουμε την μέση τιμή όλων των μη-κενών κελιών και τέλος συμπληρώνουμε τα κενά κελία με την μέση τιμή που υπολογίσουμε.

Οπτικοποίηση Δεδομένων

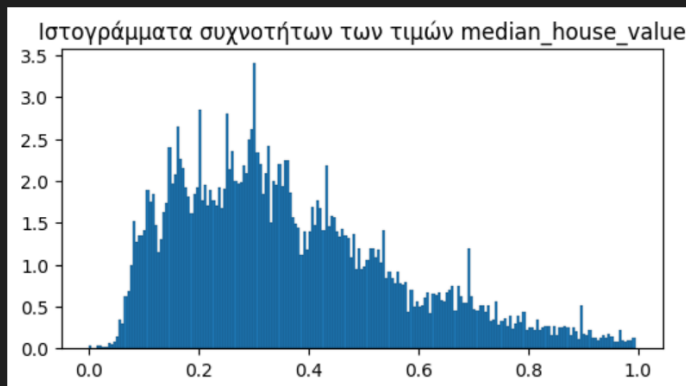
Η οπτικοποίηση των δεδομένων γίνεται στο αρχείο `dataVisualisation.ipynb` με την βοήθεια της βιβλιοθήκης `matplotlib`.

1. Να αναπαραστήσετε γραφικά τα ιστογράμματα συχνότητας (που αντιστοιχούν στις συναρτήσεις πυκνότητας πιθανότητας) για κάθε μία από τις 10 μεταβλητές που εμπλέκονται στο πρόβλημα.

Οι γραφικές αναπαραστάσεις των ιστογράμματος συχνότητας πυκνότητας πιθανότητας είναι τα 10 πρώτα ιστογράμματα που φέρονται στο αρχείο και δημιουργούνται με ανάλογο τρόπο:

```
array = dataMethods.Median_house_value_column()
fig, axs = plt.subplots(figsize=(6, 3))
hist = axs.hist(array, np.arange(0, 1, 0.005), edgecolor='black', linewidth=0.1, density=True)
axs.set_title('Ιστογράμματα συχνότητων των τιμών median_house_value')
plt.show()
```

✓ 0.6s



Παράδειγμα δημιουργίας ιστογράμματος των δεδομένων Median_House_Value

- I. Σώζουμε τα δεδομένα που θέλουμε να αναπαραστήσουμε γραφικά στην λίστα array. Για να πάρουμε τα συγκεκριμένα δεδομένα κάθε χαρακτηριστικού καλούμε την ανάλογη μέθοδο απο το αρχείο **dataMethods.py**
 - II. Ορίζουμε το μέγεθος του
 - III. Δημιουργούμε το ιστόγραμμα και ορίζουμε το χαρακτηριστικό του **density=True**. Με αυτόν τον τρόπο γίνεται αναπαράσταση της συνάρτησης πυκνότητας πιθανότητας των δεδομένων της λίστας array.
2. Προσπαθήστε να δημιουργήσετε δισδιάστατα γραφήματα των δεδομένων στα οποία να αναπαρίστανται με ευδιάκριτο τρόπο συνδυασμοί 2, 3 ή και 4 μεταβλητών.

Σε αυτό το ερώτημα έφτιαξα γραφήματα με σκοπό να καταλάβω συχέτιση μεταξύ των διαφόρων δεδομένων. Εκτός απο ιστογράμματα έφτιαξα γραφήματα και διαγράμματα διασποράς.

Παλινδρόμηση Δεδομένων

1. Perceptron algorithm

Ο κώδικας που υλοποιεί τον αλγόριθμο perceptron χωρίζεται σε τρία αρχεία.

1.1. Class Perceptron_Dataset

Η κλάση Perceptron_Dataset βρίσκεται μέσα στο αρχείο **dataMethods.py** και σκοπός της είναι να φέρει τα δεδομένα της κλάσης **HousingData** στην κατάλληλη μορφή έτσι ώστε να μπορεί να τα χρησιμοποιήσει ο *Perceptron*.

- I. Αρχικά χωρίζει τις ετικέτες (labels) των δεδομένων απο τα υπόλοιπα δεδομένα. Και τις σώζει στην λίστα labels αφού πρώτα τις φέρει σε δυαδική μορφή ανάλογα με το αν ξεπερνούν το μέγεθος της μεταβλητής **threshold**

```
def Create_labels(this):
    for i in range(num_of_data):
        label = 1.0 if mydata[i].pop(8) < this.threshold else 0.0
        Perceptron_Dataset.labels.append(label)
```

- II. Στην συνέχεια χωρίζει τα δεδομένα σε δύο ομάδες. Η Πρώτη ομάδα περιέχει το ένα δέκατο (1/10) των δεδομένων και χρησιμοποιείται κατα την φάση του έλεγχου του αλγορίθμου. Τα δεδομένα και οι ετικέτες αυτής της ομάδας σώζονται στους πίνακες `testing_data[]` & `testing_labels[]` αντίστοιχα. Η Δεύτερη ομάδα περιέχει τα υπόλοιπα εννέα δέκατα (9/10) των δεδομένων, χρησιμοποιείται για την εκπαίδευση του αλγορίθμου τα οποία σώζονται επίσης στους πίνακες `training_data[]` & `training_labels[]`. Τα κομμάτια των δεδομένων που χρησιμοποιούνται στην φάση του ελέγχου και στην φάση της εκπαίδευσης αλλάζουν ανάλογα με το όρισμα `fold` της κλάσης `Perceptron_Dataset`.
- III. Κατα την εισαγωγή των δεδομένων στους πίνακες `testing_data[]` και `training_data[]` τα διανυσματικά δεδομένα της κατηγορίας `ocean_proximity` σώζονται ως πέντε χαρακτηριστικά, το καθένα αντιπροσωπεύοντας μία διάσταση του διανύσματος.
- IV. Επιπλέον στην αρχή κάθε εγγραφής των πινάκων `testing_data[]` και `training_data[]` εισάγεται το *bias* (1.0)

Στο τέλος αυτής της διαδικασίας υπάρχουν δύο δισδιάστατοι πίνακες `training_data[]` και `testing_data[]` διαστάσεων $n \times 14$ και $(n - n * 1/10) \times 14$ αντίστοιχα (οπου n ο αριθμός των δεδομένων και 14 ο αριθμός των χαρακτηριστικών). Επίσης υπάρχουν και οι δύο μονοδιάστατοι πίνακες `training_labels[]` & `testing_labels[]` διαστάσεων n & $n - n * 1/10$ αντίστοιχα.

1.2. Class Perceptron

Η κλάση `Perceptron` βρίσκεται μέσα στο αρχείο `perceptron.py` και υλοποιεί τον αλγόριθμο Perceptron.

1.2.1. `def Train_weights()`

Τα βήματα εκπαίδευσης του αλγορίθμου είναι τα εξής

- I. Αρχικοποιούμε τα βάρη μας με πολύ μικρές τυχαίες τιμές

```
dimensions = len(data[0]) # get the number of features/dimensions of our data
this.weights = np.random.normal(0, 0.1, dimensions) * 0.1 # np.zeros(dimensions)
```

- II. Και μετά για κάθε δεδομένο του πίνακα `training_data[]`

- a) Υπολογίζουμε την ετικέτα του

```
for indx, data_i in enumerate(data):
    linear_output = np.dot(this.weights, data_i) # f(w, x) = <w, x>
    class_predicted = this.Activation_function(linear_output)
```

- b) Ενημερώνουμε τα βάρη

```
# Perceptron update rule
update = this.lr * (data_labels[indx] - class_predicted)
this.weights = this.weights + (update * data_i)
```

1.2.2. `def Activation_function()`

Ως συνάρτηση ενεργοποίησης χρησιμοποιούμε την *Heaviside step function* η οποία παίρνει σαν όρισμα το εσωτερικό γινόμενο των βαρών με των αντίστοιχων δεδομένων και επιστρέφει 1 ή 0 ανάλογα με το πρόσημό του εσωτερικού γινομένου.

```
def Activation_function(this, linear_output):
    unit_step_function = np.where(linear_output >= 0, 1, 0)
    return unit_step_function
```

1.2.3. `def Predict()`

Η μέθοδος πρόβλεψης Predict παίρνει ως όρισμα ένα πίνακα `data_i` που αντιπροσωπεύει την i-οστή εγγραφή του πίνακα των δεδομένων, και στην συνέχεια υπολογίζει το εσωτερικό γινόμενο της με τα βάρη. Έπειτα περνάει το αποτέλεσμα του εσωτερικού γινομένου στην `Activation_function()` η οποία με την σειρά της επιστρέφει 1 ή 0 ανάλογα με την κλάση στην οποία κατηγοροποίησε το δεδομένο.

```
def Predict(this, data_i):
    linear_output = np.dot(data_i, this.weights)
    label_predicted = this.Activation_function(linear_output)
    return label_predicted
```

1.2.4. `def Mean_absolute_error()` & `def Mean_squared_error()`

Η **MAE** παίρνει ως όρισμα έναν πίνακα `data`, που περιέχει τα δεδομένα στα οποία θέλουμε να υπολογίζουμε το σφάλμα, και έναν πίνακα `data_labels` που περιέχει της αντίστοιχες κλάσεις των δεδομένων του `data`. Αρχικοποιεί την τιμή του αθροισματός `sum` με το 0. Στην συνέχεια για κάθε εγγραφή της λίστας `data` βρίσκει την αναμενόμενη κλάση της μέσω της μεθόδου `predict()` και μετα υπολογίζει και αθροίζει με το `sum` την απόλυτη τιμή της διαφοράς της αναμενόμενης κλάσης και της πραγματικής κλάσης. Τέλος επιστρέφει τον λόγο του αθροίσματος `sum` με τον αριθμο `n` των δεδομένων.

Οι μέθοδοι **MAE** & **MSE** λειτουργούν με ακριβώς τον ίδιο τρόπο εκτός απο τον υπολογισμό του αθρίσματος όπου η **MAE** υπολογίζει την απόλυτη τιμή της διαφοράς της αναμενόμενης κλάσης και της πραγματικής κλάσης ενώ η **MSE** το τετράγων της διαφοράς τους. Στον δυαδικό πρόβλημα που εξετάζουμε αυτή η διαφορά είναι πάντα ή -1 ή 0 ή 1, συνεπώς η απόλυτη τιμή και το τετράγωνο του αποτελέσματος είναι σε κάθε περίπτωση ίδιο. Συνεπώς σε αυτο το ερώτημα η ύπαρξη της **MSE** είναι περιττή και δεν χρησιμοποιείται.

1.3. Perceptron_testing.py

Εκτελώντας αυτό το αρχείο υλοποιείται ο αλγόριθμος Perceptron και εμφανίζονται στο αρχείο **log.txt** τα αποτελέσματα. Τα αποτελέσματα αναφέρουν την ακρίβεια παλινδρόμησης που επιτυγχάνει σε όρους Μέσου Τετραγωνικού Σφάλματος και Μέσου Απόλυτου Σφάλματος τόσο κατά την φάση της εκπαίδευσης όσο και κατά την φάση του ελέγχου σύμφωνα με την μέθοδο της 10- πλής διεπικύρωσης (10 fold cross validation).

Όπως αναφέρθηκε προηγουμένως Τα κομμάτια των δεδομένων που χρησιμοποιούνται στην φάση του ελέγχου και στην φάση της εκπαίδευσης αλλάζουν ανάλογα με το όρισμα **fold** της κλάσης **Perceptron_Dataset**. Έτσι βρίσκοντας τον μέσω όρο του σφάλματος μετά απο 10 κλήσεις της **Perceptron_Dataset** με το όρισμα **fold** να αυξάνεται κατα ένα μετά απο κάθε κλήσει, επιτυγχάνουμε τον υπολογισμό του σφάλματος σύμφωνα με την μέθοδο της 10- πλής διεπικύρωσης.

2. Least Squares Algorithm

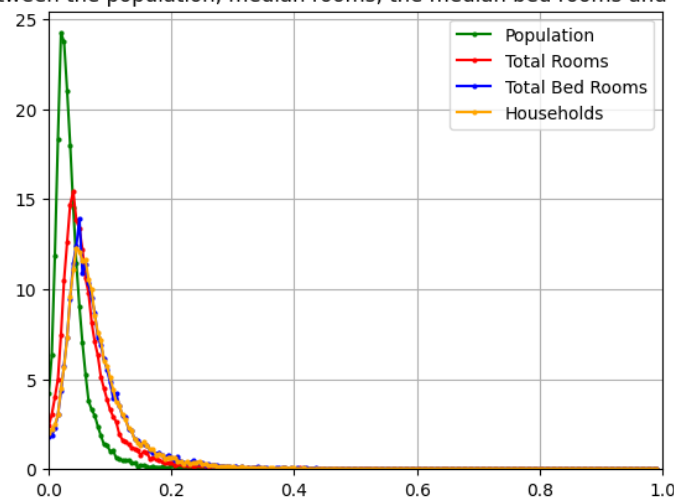
Ο κώδικας που υλοποιεί τον Αλγόριθμο Ελάχιστου Τετραγωνικού Σφάλματος χωρίζεται σε τρία αρχεία.

2.1. Class Linear_Regression_Dataset

Η κλάση **Linear_Regression_Dataset** βρίσκεται μέσα στο αρχείο **dataMethods.py** και σκοπός της είναι να φέρει τα δεδομένα της κλάσης **HousingData** στην κατάλληλη μορφή έτσι ώστε να μπορεί να τα χρησιμοποιήσει ο Αλγόριθμος Ελάχιστου Τετραγωνικού Σφάλματος.

- I. Αρχικά χωρίζει την εξαρτημένη μεταβλητή (**median_house_value**) απο τις μεταβλητές εισόδου. Οι τιμές τις εξαρτημένης μεταβλητής σώζονται στην λίστα **labels**
- II. Στο δεύτερο βήμα παραμετροποιούνται οι μεταβλητές εισόδου έτσι ώστε να αποφευχθεί η πολυσυγγραμικότητα (**Multicollinearity**).
Παρατηρούμε απο την οπτικοποίηση των δεδομένων την παρακάτω σχέση:

Relation between the population, median rooms, the median bed rooms and the households



Αφαιρούμε τα δεδομένα Households & Total Bed Rooms απο το σύνολο των δεδομένων μας.

```
def Fix_Multicollinearity(this):
    mydata = np.transpose(mydata)
    mydata.pop(6) # Throw away households
    mydata.pop(4) # Throw away total_bedrooms
    mydata = np.transpose(mydata)
```

III. Τα υπόλοιπα βήματα είναι όμοια με τα βήματα II, III & IV της κλάσης `Perceptron_Dataset`.

2.2. Class `Least_Squares_Method`

Η κλάση `Least_Squares_Method` βρίσκεται μέσα στο αρχείο `linear_regression.py` και υλοποιεί τον αλγόριθμο του Αλγόριθμο Ελάχιστου Τετραγωνικού Σφάλματος.

2.2.1. `def Train()`

Η μέθοδος `Train()` πέρνει ως όρισμα τα δεδομένα με τις αντίστοιχες ετικέτες και ενημερώνει τα βάρη με βάση την παρακάτω εξήσωση:

$$\mathbf{w} = (\mathbf{X}^T \mathbf{X})^{-1} \mathbf{X}^T \mathbf{y}$$

Όπου:

- \mathbf{w} = Βάρη
- \mathbf{X} = Πίνακας δεδομένων
- \mathbf{y} = Πίνακας με ετικέτες

```
def Train(this, data, data_labels):
    X = data
    y = data_labels

    X_T = np.transpose(X)
    XTX = np.float64(np.dot(X_T, X))
    XTX_inv = np.linalg.inv(XTX)
    XTy = np.dot(X_T, y)

    this.weights = np.dot(XTX_inv, XTy)
```

2.2.2. `def Predict()`

Για να κάνει προβλέψεις υπολογίζει το εσωτερικό γινόμενο του διανύσματος βάρους με του διανύσματος των δεδομένων

2.2.3. `def Mean_absolute_error()` & `def Mean_squared_error()`

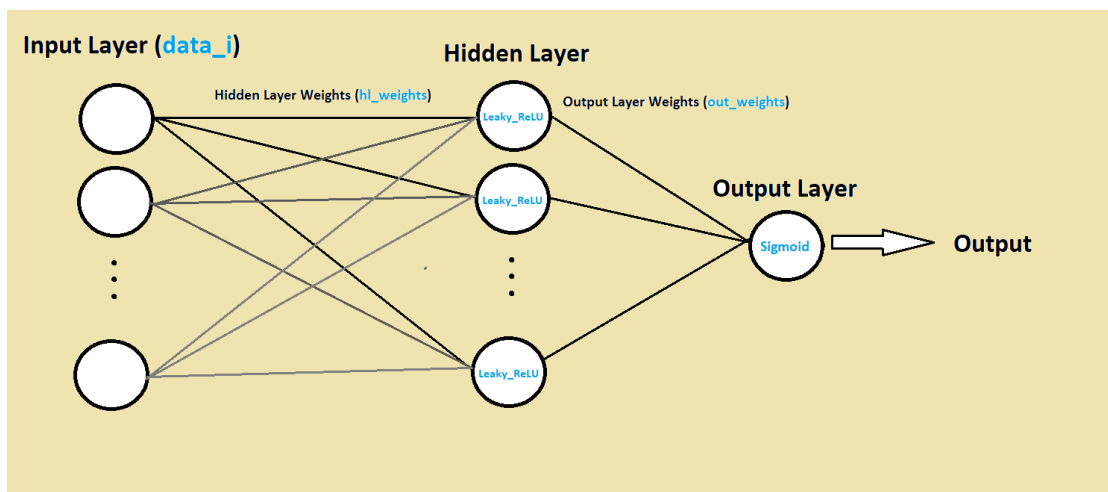
Όπως λειτουργούν και στην κλάση `Perceptron`.

2.3. `Least_squares_testing.py`

Εκτελώντας αυτό το αρχείο υλοποιείται ο Αλγόριθμος Ελάχιστου Τετραγωνικού Σφάλματος, και εμφανίζονται στο αρχείο `log.txt` τα αποτελέσματα. Η λειτουργία είναι όμοια με την λειτουργία του `perceptron.py`.

3. Πολυστρωματικό νευρωνικό δίκτυο

Για αυτό το ερώτημα υλοποίησα ένα Multilayer Perceptron (MLP) με σκοπό να χωρίζει τα δοδεμένα σε δύο κλάσεις (Binary Classification) ανάλογα με την προβλεπόμενη τιμή του σπιτιού.



Η αρχιτεκτονική του MLP που υλοποιείται στο αρχείο `MLP.py`

Όπως φέρεται στο σχήμα το MLP αποτελείται από τρία στρώματα (Input, Hidden, Output), η επιλογή να έχει μόνο ένα Hidden Layer έγινε για λόγους ευκολίας.

Το πολυστρωματικό νευρωνικό δίκτυο υλοποιείται μέσω της κλάσης `MultilayerPerceptron` που βρίσκεται στο αρχείο `MLP.py`

Στον constructor της κλάσης `__init__` ορίζεται ο αριθμός των κόμβων του Hidden Layer από την μεταβλητή `n_nodes=10`. Διάλεξα το 10 διότι είναι ανάμεσα στον αριθμό των εισόδων (14) και τον αριθμό των εξόδων (1).

Μέσα στην κλάση υπάρχουν επίσης τέσσερις μέθοδοι που υλοποιούν τις συναρτήσεις που χρησιμοποιούνται κατά την λειτουργία του νευρωνικού δικτύου. Οι συναρτήσεις αυτές είναι:

- **Leaky ReLU**

Η Leaky ReLU (Rectified Linear Unit) χρησιμοποιείται στους κόμβους του hidden layer διότι είναι μια απλή και υπολογιστικά αποδοτική συνάρτηση ενεργοποίησης που είναι εύκολη στην υλοποίηση και στην χρήση της. Ένα πρόβλημα με την παραδοσιακή συνάρτηση ενεργοποίησης ReLU είναι ότι οι νευρώνες μερικές φορές μπορεί να γίνουν "νεκροί" κατά τη διάρκεια της εκπαίδευσης, πράγμα που σημαίνει ότι πάντα εξάγουν μηδέν για οποιαδήποτε είσοδο και δεν συνεισφέρουν στη διαδικασία μάθησης. Η Leaky ReLU αντιμετωπίζει αυτό το πρόβλημα επιτρέποντας μια μικρή, μη μηδενική κλίση για αρνητικές εισόδους, εμποδίζοντας τους νευρώνες από το να γίνουν εντελώς αδρανείς.

$$f(x) = \begin{cases} x & \text{if } x > 0, \\ 0.01x & \text{otherwise.} \end{cases}$$

Leaky ReLU

- **Sigmoid**

Η συνάρτηση Sigmoid περιορίζει τις τιμές της εισόδου στο εύρος (0, 1). Στο πλαίσιο της δυαδικής ταξινόμησης, αυτό είναι ευνοϊκό, διότι μπορεί να ερμηνευτεί ως η πιθανότητα να ανήκει στη θετική κατηγορία. Τιμές κοντά στο 0 υποδηλώνουν χαμηλή πιθανότητα, ενώ τιμές κοντά στο 1 υποδηλώνουν υψηλή πιθανότητα. Για αυτόν τον λόγο χρησιμοποιείται ως συνάρτηση ενεργοποίησης για τον κόμβο στο στρώματος εξόδου.

$$S(x) = \frac{1}{1 + e^{-x}}$$

Sigmoid

- **Binary Cross-Entropy Loss**

Η Συνάρτηση Binary Cross-Entropy Loss, είναι η συνάρτηση σφάλματος που χρησιμοποιείται στο πρόβλημα. Μετρά την απόδοση ενός μοντέλου ταξινόμησης, το οποίο εξάγει μια πιθανοτική τιμή μεταξύ 0 και 1, που αντιπροσωπεύει την πιθανότητα για το αν ένα συγκεκριμένο παράδειγμα ανήκει στη θετική κατηγορία. Ο σκοπός αυτής της συνάρτησης σφάλματος είναι να τιμωρήσει τα μοντέλα ανάλογα με το μέγεθος της απόκλισης των προβλεπόμενων ετικέτων από τις πραγματικές ετικέτες.

$$\text{Log_Loss}(y, p) = -(y * \log_2(p) + (1 - y) * \log_2(1 - p))$$

όπου το 'y' αντιπροσωπεύει την πραγματική ετικέτα και το 'p' είναι η προβλεπόμενη πιθανότητα για το σημείο δεδομένων να ανήκει στη θετική κατηγορία.

- Παράγωγος της **Leaky ReLU**

Η παράγωγος της Leaky ReLU χρησιμοποιείται κατά την διαδικασία του backpropagation.

$$f'(x) = \begin{cases} 1 & \text{if } x > 0, \\ 0.01 & \text{otherwise.} \end{cases}$$

Leaky ReLU Derivative

Όλες αυτές οι συναρτήσεις χρησιμοποιούνται στη μέθοδο **Train()** που εκτελεί την διαδικασία μέσα από την οποία εκπαιδούνται τα βάρη του νευρωνικού δικτύου.

- I. Κατά την κλήση της **Train()** ορίζει την τιμή ρυθμού εκμάθησης (learning rate) και αρχικοποιεί τους πίνακες με τα βάρη του hidden layer και του output layer με τυχαίες τιμές. Συγκεκριμένα ο πίνακας για τα βάρη του hidden layer είναι δυοδιάστατος της μορφής [10×14] (10 hidden layer nodes, 14 data features), και ο πίνακας για τα βάρη του output layer είναι ένας μονοδιάστατος πίνακας μήκους 10 (τα αποτελέσματα των συναρτήσεων ενεργοποίησης των 10 hidden nodes)

```
def Train(this, data, data_labels):
    this.lr = 0.01
    dimensions = len(data[0]) # get the number of features/dimensions of our d
    for _ in range(this.n_nodes):
        this.hl_weights.append(np.random.normal(0, 0.1, dimensions) * 1) # ini
    this.out_weights = np.random.normal(0, 0.1, this.n_nodes) * 1 # init the o
```

- II. Στην συνέχεια υπολογίζει την προβλεπόμενη κλάση για κάθε δεδομένο. Δηλαδή για κάθε δεδομένο (**data_i**) υπολογίζει την τιμή του κάθε κόμβου στο hidden layer και μετά την αθροίζει στην μεταβλητή **output** (πάντα πολλαπλασιάζοντας την κάθε τιμή με το αντίστοιχο βάρος). Η προβλεπόμενη κλάση υπολογίζεται στην μεταβλητή **class_predicted** καλώντας την συνάρτηση **sigmoid()** με όρισμα την μεταβλητή **output**.
- III. Στο επόμενο βήμα γίνεται η διόρθωση των βαρών, η αλλιώς backpropagation. Αφού υπολογιστεί το σφάλμα μέσω της συναρτησης **log_loss()**, μετά με την βοήθεια της μεταβλητής **delta** υπολογίζεται η καινούρια τιμή των **out_weights** και των **hl_weights**. Η ακριβής λογική της παραπάνω διαδικασίας περιγράφεται [εδώ](#).
- IV. Τέλος υπολογίζεται η καινούρια τιμή του ρυθμού εκμάθησης με βάσει το *Exponential Decay Learning Rate Scheduler*

$$learning\ rate = learning\ rate * e^{-k * index}$$

Η Εκτέλεση του MLP γίνεται στο αρχείο **MLP_testing.py** και ακολουθεί τα ίδια βήματα με την εκτέλεση του Perceptron.