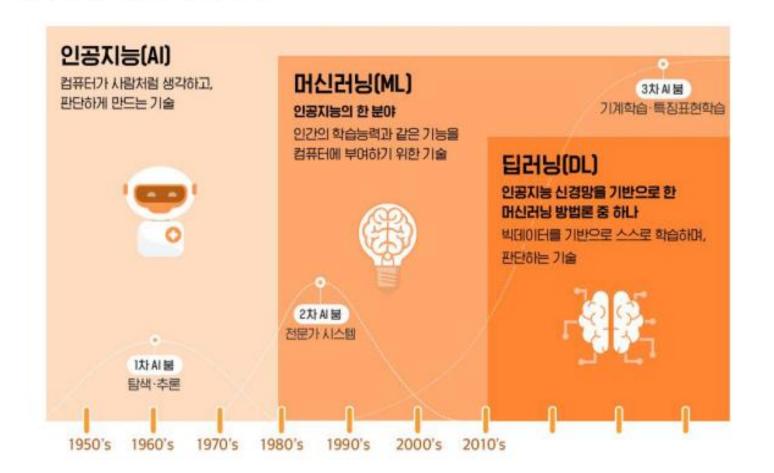
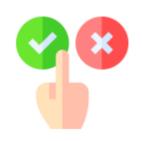


#### 1. 머신러닝

1959년, 아서 사무엘은 기계 학습을 "기계가 일일이 코드로 명시하지 않은 동작을 데이터로부터 학습하여 실행할 수 있도록 하는 알고리즘을 개발하는 연구 분야"라고 정의하였다. 기계 학습의 핵심은 표현 (representation)과 일반화(generalization)에 있다. 표현이란 데이터의 평가이며, 일반화란 아직 알 수 없는 데이터에 대한 처리이다.



# 2. 지도학습과 비지도학습

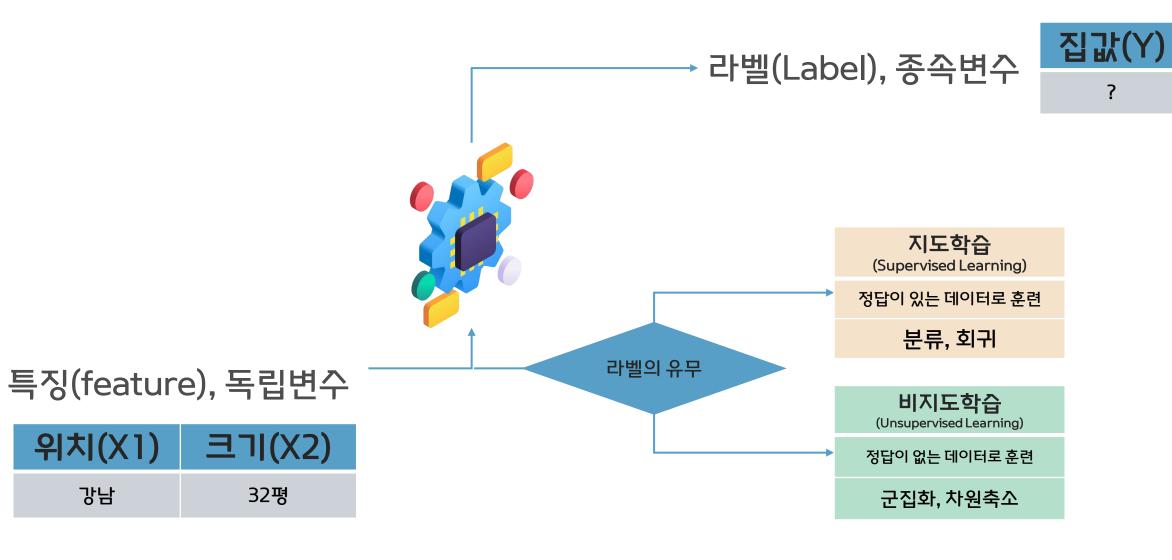




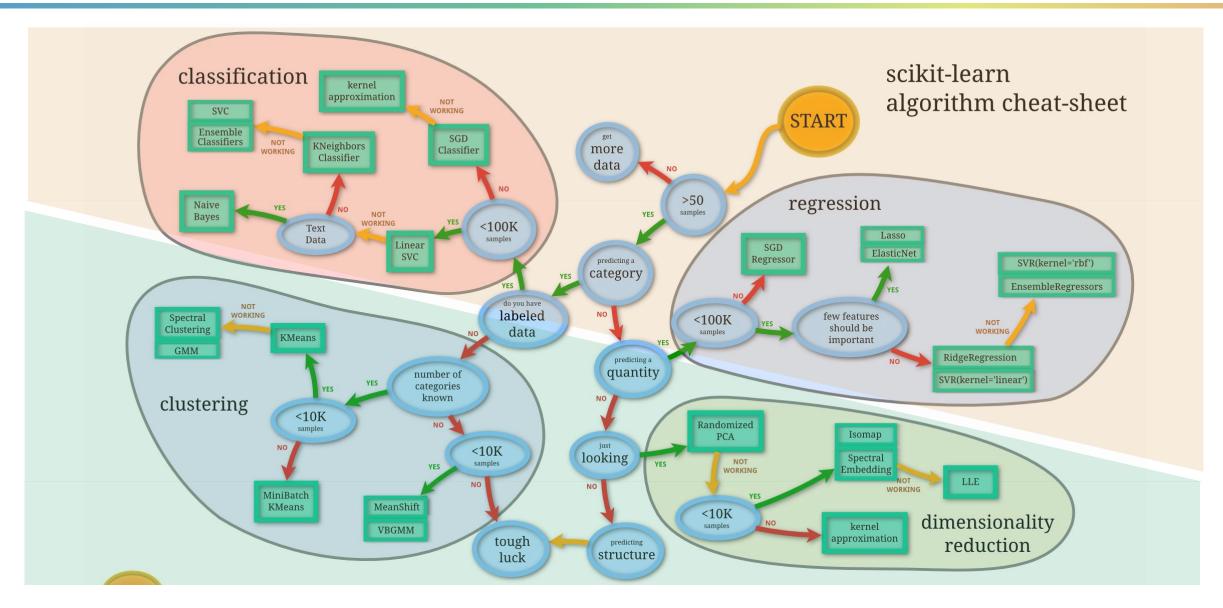


	지도학습 (Supervised Learning)	비지도학급 (Unsupervised Learning)	<b>강화학급</b> (Reinforcement Learning)
훈련 방식	정답이 있는 데이터로 훈련	정답이 없는 데이터로 훈련	자신의 행동에 대한 보상을 받으며 목표를 달성하는 방향으로 학습
주요 알고리즘	분류, 회귀	군집화, 차원축소 로보틱스, 시듈	
예시	<ul><li> 강아지와 고양이 사진 분류하기(분류)</li><li> 집 값 예측하기(회귀)</li></ul>	• 라벨이 없는 데이터를 n개의 집단으로 구분(군집화) • 자율주행 차 • 변수의 여러가지 특징을 보다 작은 수로 축소(차원 축소) • 알파고 등	

# 2. 지도학습과 비지도학습

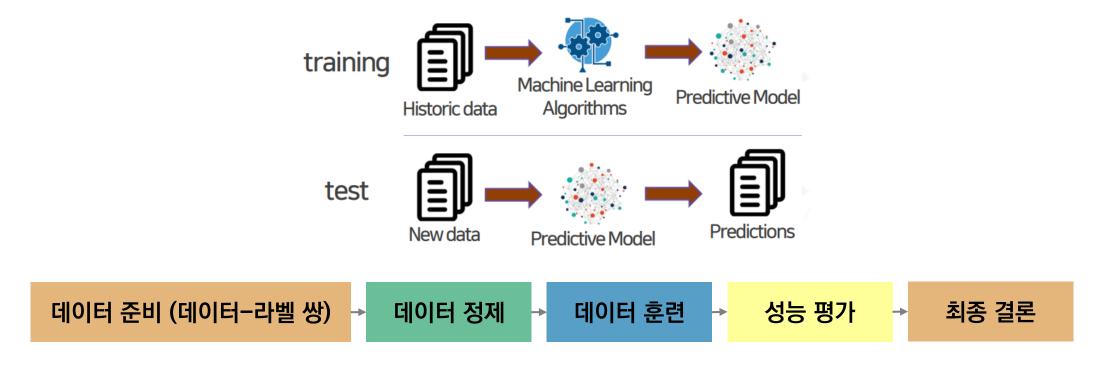


# 2. 지도학습과 비지도학습



# 2. 지도학습과 비지도학습 – 지도학습의 경우

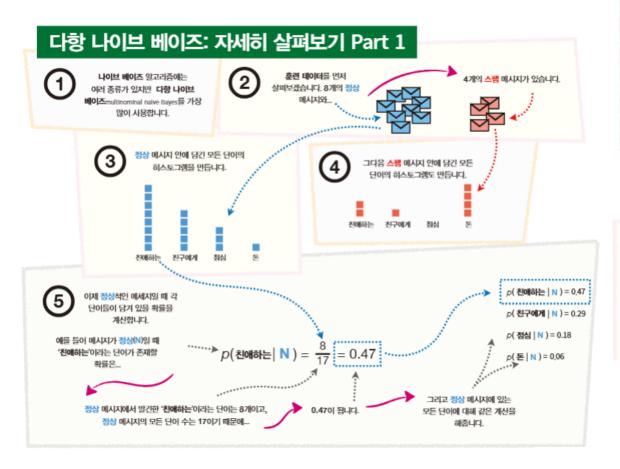
- 본적이 없는(학급데이터에 없었던) test data의 output을 예측(prediction)
- 어떤 input이 output에 <u>어떻게 영향을 미쳤는지 이해하고 분석(inference)</u>
- 모델을 평가하고, 다시 훈련하는 반복과정을 거쳐 성능을 향상시킴

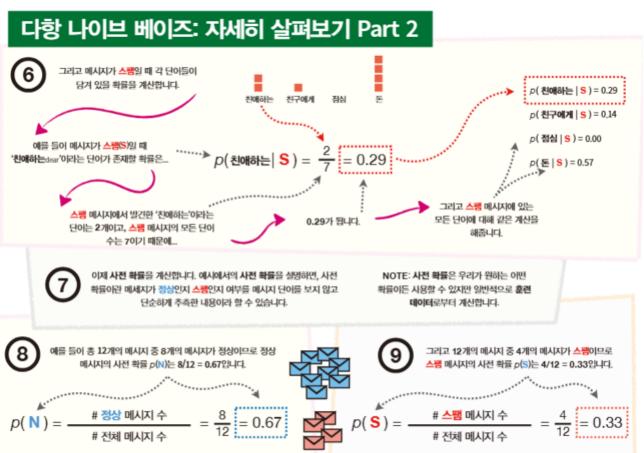


# 지도학습 알고리즘

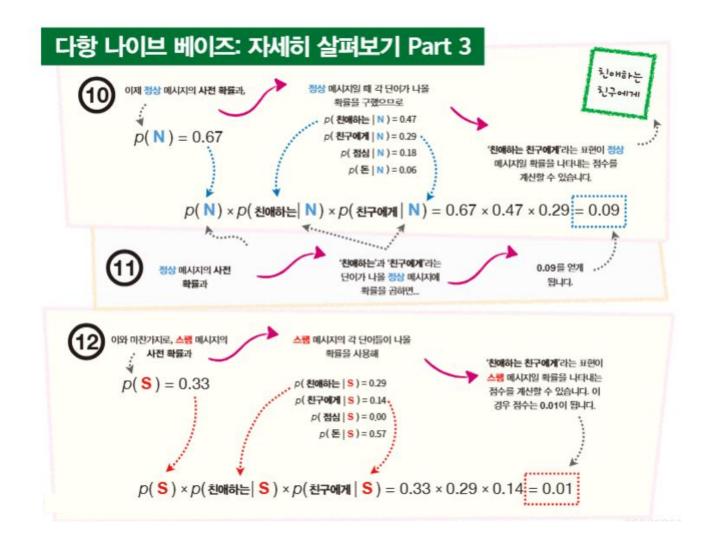
	알고리즘 병	분류(classification)	到刊(regression)
1	나이브 베이즈 분류(Naïve Bayes Classification)	О	X
2	로지스틱 회귀(Logistic Regression)	О	X
3	서포트 벡터 머신(SVM)	О	0
4	K-최근접 이웃(K-nearest neighbors)	0	0
5	결정 트리(Decision Tree)	0	0
6	선형 회귀(Linear Regression)	X	0
7	Lidge, Lasso	X	0
8	ElasticNet	X	0

#### 나이브 베이즈 분류기





#### 나이브 베이즈 분류기



#### 다항 나이브 베이즈: 자세히 살펴보기 Part 4

친애하는

친구에게

p( 친애하는 | N ) = 0.47

p( 친구에게 | N ) = 0.29

p(점심 | N ) = 0.18

p(돈 N) = 0.06

다시 복습해봅시다. 우리의 목표는 '친애하는 친구에게'라는 메시지가 정상 메시지인지 스팸인지 여부를 구별하는 것입니다.

8개의 정상 메시지와 4개의 스팸 메시지가 있는 훈련 데이터를 사용했습니다.





그다음 메시지에 담긴 각 단어의 히스토그램을 만들었습니다.



그리고 히스토그램을

사용해 확률을

계산했습니다.

p( 친애하는 | S ) = 0,29

p( 친구에게 | S ) = 0.14

p(점심 | S) = 0.00

p(돈|S)=0.57

그다음 메시지가 정상 혹은 스팸일 조건에 따라 사전 확률과 각 단어가 나올 확률로 '친애하는 친구에게'라는 메시지의 점수를 계산합니다.

이제 '친애하는 친구에게'라는 메시지를 분류할 수 있게 되었습니다. 왜냐하면 정상 메시지일 확률, 즉 점수는 0.09로 해당 메시지가 스팸일 점수(0.01)보다 크기 때문에 우리는 이 메시지를 정상 메시지로 구분합니다.

p(N) = -

p(S) = -

먼저 정상 혹은 스팸일 수 있는 메시지에 담긴 내용을 보지 않고 추측한 확률인 **사전 확률**을

계산했습니다.

# 전체 메시지 수

#스팸 메시지 수

# 전체 메시지 수

 $p(N) \times p($  친애하는  $|N|) \times p($  친구에게  $|N|) = 0.67 \times 0.47 \times 0.29 = 0.09$ 

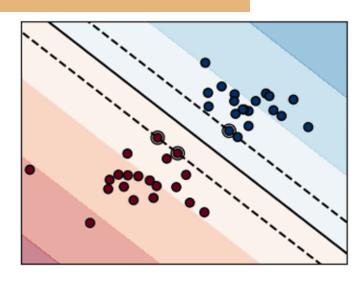
 $p(S) \times p(\Delta m \Rightarrow b \mid S) \times p(\Delta m \Rightarrow b \mid S) = 0.33 \times 0.29 \times 0.14 = 0.01$ 

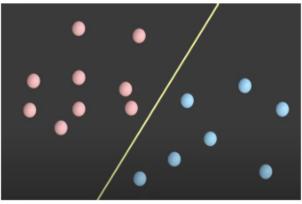
친애하는 친구에게

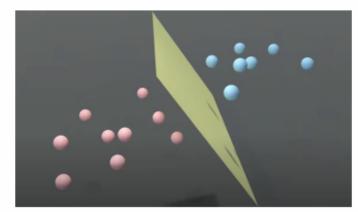


BAM!!!

#### 서포트 벡터(Support Vector)머신



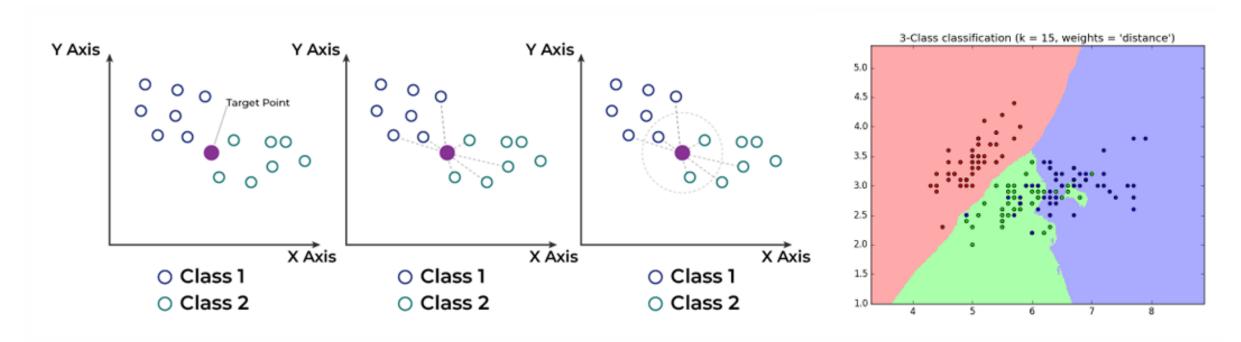




# 데이터의 특징들(x, features) 중 가능한 한 먼 결정 경계를 찾아내는 것 마진(결정 경계에 가장 가까운 점과 결정 경계 사이의 거리) 의 최대화

- 최적의 초평면 찾기 -> 초평면에 가장 가까운 데이터를 '서포트 벡터'로 식별 -> 서포트벡터를 기준으로 결정경계 구축
- 장점: 일반화 능력(다양한 케이스에 적용 가능)과 높은 성능을 보여줌
- 단점: 파라미터를 어떻게 세팅하느냐에 따라 결과의 변동성이 큼, 모델 해석이 어려움
- 주의할 점: 소프트마진(데이터를 완전히 분류하기 어려울 때 일부 데이터가 마진 안에 포함되는 경우) 가 발생할 수 있음

#### K-최근접 이웃

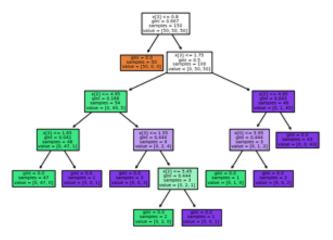


# 주변 K개 데이터 포인트와의 거리를 계산하여, 다수결로 더 가까운 데이터로 분류/회귀 주어진 데이터에 대해 주변 k개 데이터와의 유클리드 거리를 계산

- 장점: 구현이 쉽고, 데이터 포인트가 비교적 섞여 있는 경우에도 안정적으로 분류 가능
- 단점 : 리소스의 소모가 크고 과적합에 취약

#### 결정 트리

Decision tree trained on all the iris features



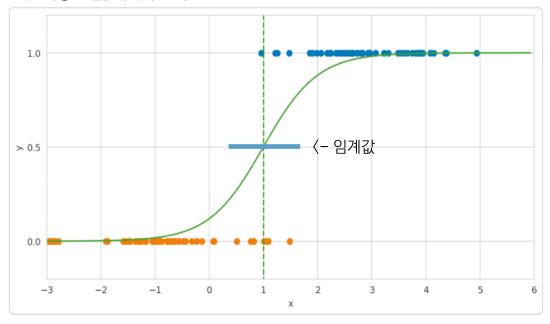
#### 조건 분기에 따라 학습 데이터를 나누어 분류

#### 불순도를 최소화하도록 데이터를 나누며 분류 수행

- 장점: 직관적인 형태로 모델 이해 가능, 스케일링 불필요, 비선형 데이터에 대해 강건
- 단점: 과적합 가능성이 높음, 데이터 변화에 민감
- 분류는 지니 계수를 기준으로, 회귀의 경우 MSE를 기준으로 노드를 나누어 분류/회귀 모두 사용
- 불순도 지표 : 지니 계수

#### 로지스틱 회귀

#### \*머신러닝 도감, 아키바 신야



▲ 그림 2-13 로지스틱 회귀

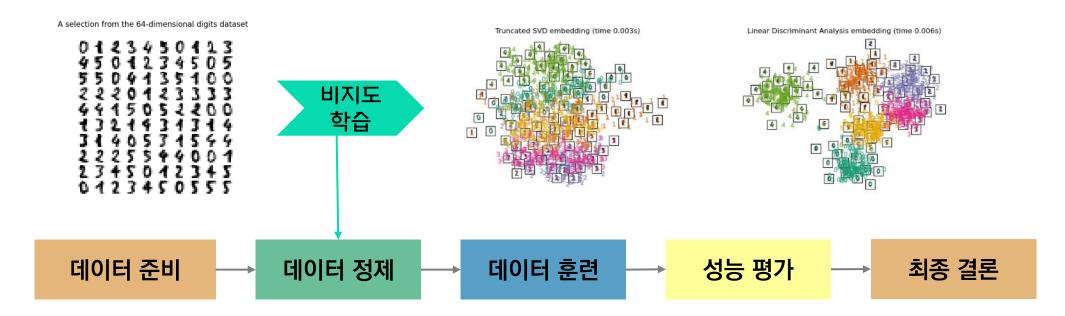
- HOW ? : y=ax+b의 그래프를 만든 뒤, 결과값인 y에 시그모이드 함수를 적용하여 확률값(0~1사이)로 변환한다.
- 특정한 임계값(보통 0.5)를 기준으로, 클래스 0에 속할지 1에 속할지를 계산하게 한다.
- \*이를 응용하여 다중 분류를 수행하는 경우, 각 클래스별로 y=ax+b의 값을 소프트맥스 함수로 감싸 나온 확률 중 가장 높은 값을 반환하게 한다.
- 장점: 결과값을 해석하기 쉬우며, 구현과 학습이 간단함. 임계값을 조정하여 결과를 수정할 수 있음
- 단점: 비선형 관계인 데이터에는 잘 작동하지 않고, 이상치에 민감함. 고차원 데이터에서는 성능에 한계가 있음

# 2. 지도학습과 비지도학습 – 일반적인 머신 러닝의 순서

- 데이터 불러오기
- 2 데이터 확인하기(통계적 특징, 데이터의 크기 등)
- **3** 데이터 전처리(결측치 및 이상값 정리, 스케일링 등)
- 4 train\_test\_split 및 x, y 데이터의 정의
- 5 머신러닝 모델 정의 및 훈련, 검증

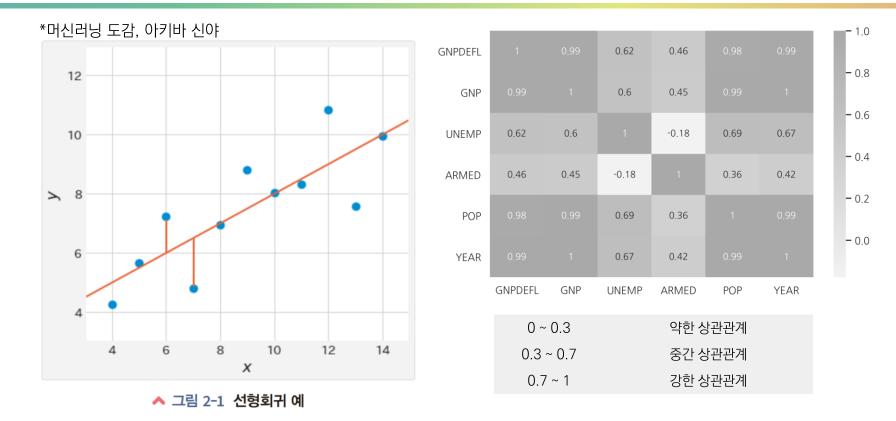
# 2. 지도학습과 비지도학습 – 비지도학습의 경우

- 데이터의 특징을 활용하여 군집화/차원축소
- 분석가는 군집화/차원축소의 결과물을 활용하여 데이터를 분석하거나, 지도학습을 수행
- 목표와 일치하지 않는 군집화/차원축소인 경우, 다른 모델을 쓰거나 재군집화/차원축소



#### 선형회귀(Linear Regression)

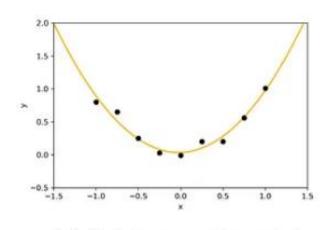
SSE	$SSE = \sum_{i=1}^{n} (x_i - \overline{x})^2$
MSE	$MSE = rac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} \left(y_i - \hat{y}_i ight)^2$
RMSE	$RMSE = \sqrt{\frac{1}{N} \sum_{j=1}^{N} (y_j - \check{y}_j)^2}$
MAE	$MAE = \frac{\sum_{i=1}^{n}  y_{pred,i} - y_i }{n}$

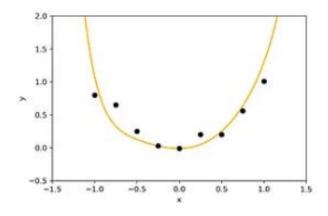


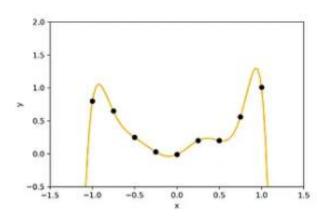
- HOW ? : 데이터(x)를 기반으로 y=ax+b 형태의 직선을 만들어 예측을 수행한다.
- 장점: 결과값을 해석하기 쉬우며, 구현과 학습이 간단함. 데이터의 수가 적을 때에도 잘 작동한다.
- 단점: 비선형 관계인 데이터에는 잘 작동하지 않고, 이상치에 민감함. 고차원 데이터에서는 성능에 한계가 있으며
- x 사이에 관계가 있을 때에는 '다중 공선성' 문제가 발생할 수 있다.

참고 : https://shorturl.at/prNPY

# 정규화







(a) 2nd-degree polynomial

- (b) 8th-degree polynomial
- (c) Another 8th-degree polynomial

Figure a: 
$$\hat{y} = 0.04 + 0.04x + 0.9x^2$$

Figure b: 
$$\hat{y} = -0.01 + 0.01x + 0.8x^2 + 0.5x^3 - 0.1x^4 - 0.1x^5 + 0.3x^6 - 0.3x^7 + 0.2x^8$$

Figure c: 
$$\hat{y} = -0.01 + 0.57x + 2.67x^2 - 4.08x^3 - 12.25x^4 + 7.41x^5 + 24.87x^6 - 3.79x^7 - 14.38x^8$$

(a) 
$$\#params = 3$$

$$MSE = 0.006$$

$$L2 \text{ norm} = 0.90$$

$$L1 \text{ norm} = 0.98$$

(b) 
$$\#params = 9$$

$$MSE = 0.035$$

$$L2 \text{ norm} = 1.06$$

$$L1 \text{ norm} = 2.32$$

(c) 
$$\#params = 9$$

$$MSE = 0$$

$$L2 \text{ norm} = 32.69$$

$$L1 \text{ norm} = 70.03$$

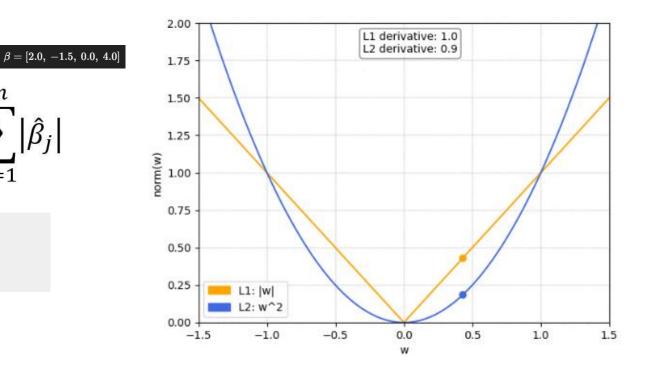
라쏘(Lasso) - L1 정규화

정규화(Normalization)란 데이터의 수치를 일정한 범위에 맞추어 변환해 주는 것.

 $L_{lasso}(\hat{\beta}) = \sum_{i=1}^{n} (y_i - x_i^T \hat{\beta})^2 + \lambda \sum_{j=1}^{m} |\hat{\beta}_j|$ 

람다가 크면 더 많은 계수를 0으로 만듦 예측보다는 희소성에 집중

람다가 0이면 일반 선형회귀와 동일함



- HOW ?: 선형회귀 모델에 L1 정규화 항을 추가하여, 불필요한 a를 0으로 만들어 더 나은 추론을 하게 한다.
- 장점: 특성(feature)이 많은 데이터, 해석이 필요한 모델에 유용하게 사용 가능함
- 단점: 비선형 모델에서 약함, 정보의 손실이 발생함(특성을 지움), 적절한 정규화 강도를 선택하기 어려울 수 있음

릿지(Lidge) - L2 정규화

$$\beta = [2.0, -1.5, 0.0, 4.0]$$

$$eta_1^2 + eta_2^2 + eta_3^2 + eta_4^2 = 2.0^2 + (-1.5)^2 + 0 + 4.0^2 = 4 + 2.25 + 0 + 16 = 22.25$$

$$SSE_{L_2} = \sum_{i=1}^{n} (y_i - \widehat{y}_i)^2 + \lambda \sum_{j=1}^{P} \beta_j^2$$

- HOW ?: 선형 회귀 모델에 L2 정규화 항을 추가하여, 가중치 a의 크기를 작게(0에 가깝게) 유지하게 하여 더 나은 추론을 하게 한다.
- 장점: 모든 특성(feature)를 유지하며 과적합을 줄일 수 있고, 해가 항상 존재하고, 고차원 데이터에서 잘 작동함
- 단점: 중요한 변수와 덜 중요한 변수를 모두 남기기 때문에 해석력이 떨어질 수 있고, L1보다는 복잡한 모델임

엘라스틱 넷(Elastic Net)

라쏘(L1)

릿지(L2)

(1 - a) 와 a를 더하면 = 1입니다. L1과 L2의 비중 조절을 위해 a를 사용한 것

$$\frac{\sum_{i=1}^{n} (y_i - x_i^J \hat{\beta})^2}{2n} + \lambda \left( \frac{1 - \alpha}{2} \sum_{j=1}^{m} \hat{\beta}_j^2 + \alpha \sum_{j=1}^{m} |\hat{\beta}_j| \right)$$
 깔끔한 미분을 위해 ½를 붙여주는 것(수학적 관례)

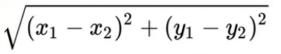
 $L = rac{1}{2}(y - \hat{y})^2 \Rightarrow rac{dL}{d\hat{y}} = \hat{y} - y$ 

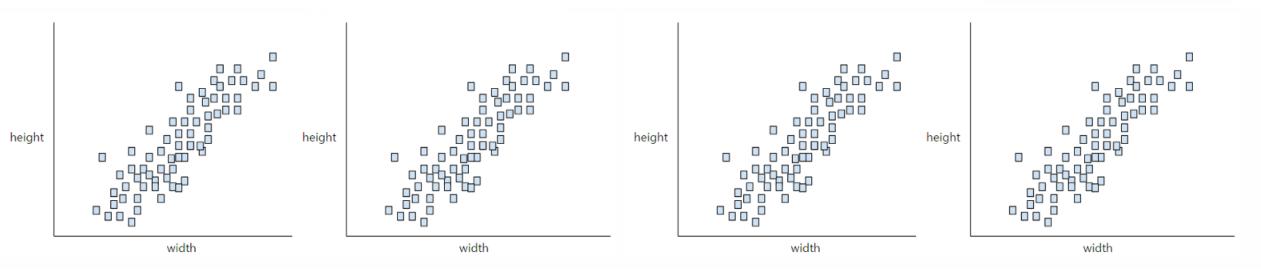
- HOW ? : 선형 회귀 모델에 L1, L2 정규화 항을 동시에 추가하여, 불필요한 가중치 a는 0으로 만들고,
- 나머지 가중치의 크기는 작게 유지하여 희소성과 안정성을 동시에 상승시킨다.
- 장점: 특성을 선택하고(L1), 안정화 하는(L2) 과정을 동시에 적용 가능함. 다중공선성이 높고, feature 수 〉데이터 수 인 경우에 강력함
- 단점:하이퍼 파라미터가 2개라서 튜닝이 복잡하며, 직관적 해석이 어려울 수 있음

# 비지도학습 알고리즘

	알고리즘 병	군집화(Clustering)	치원축소(Dimensionality Reduction)
1	K-Means Clustering	0	X
2	DBScan	О	X
3	Gaussian Mixture Model	0	X
4	PCA	X	0
5	T-SNE	X	0
6	ISOMAP	X	0
7	UМар	X	0

#### K-Means Clustering





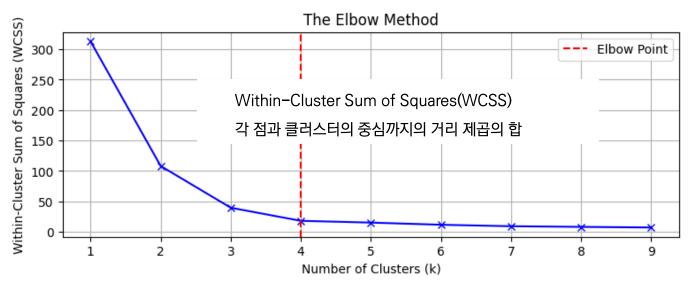
- HOW ?
- K개의 랜덤한 초기 중심 설정
- 각 데이터 포인트를 가장 가까운 중심점에 할당(유클리드 거리 계산)
- 각 클러스터 안의 모든 데이터 포인트의 평균 좌표를 계산하여, 새 클러스터 중심점으로 옮김
- 중심점 변동이 없을 때까지(혹은 정해진 반복 횟수를 채울 때 까지) 이 순서를 반복함

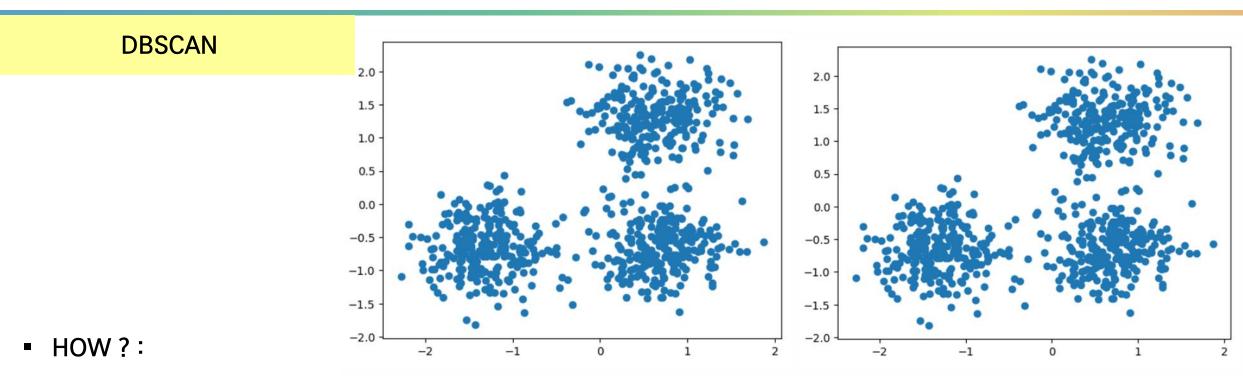
#### K-Means Clustering

엘보(Elbow) 그래프

- 장점: 데이터가 선형적, 원형으로 분포할 때 잘 작동함, 빠르고 간단하게 그룹을 나누어야 할 때, K가 미리 정해져 있을 때 좋음
- 단점: K의 개수를 사람이 직접 지정해야 하는데, 적당한 K를 찾아내기 어렵다
- 특징:
  - 반드시 K개의 군집을 지정해야 함
  - 클러스터는 중첩(중복)되지 않음
  - 클러스터가 계층적이지 않음(비계층적 군집화)

$$ext{WCSS} = \sum_{k=1}^K \sum_{x_i \in C_k} \|x_i - \mu_k\|^2$$





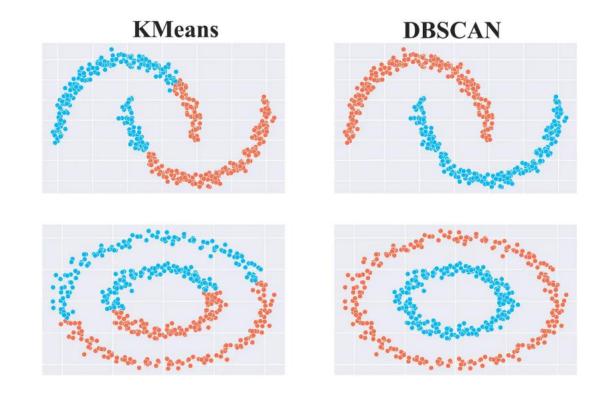
- 반경 e(엡실론)과 최소 이웃 수를 선정
- 각 데이터 포인트에 대해, 반경 안에 있는 이웃 수를 기준으로 core point를 선정
- 코어포인트를 따라가면서 클러스터(border point)를 형성
- 클러스터에 속하지 않는 경우, noise point로 분류
- 모든 데이터 포인트에 대해 이 행위를 반복함

DBScan 그림 출처 : https://blog.dailydoseofds.com/p/the-limitations-of-dbscan-clustering

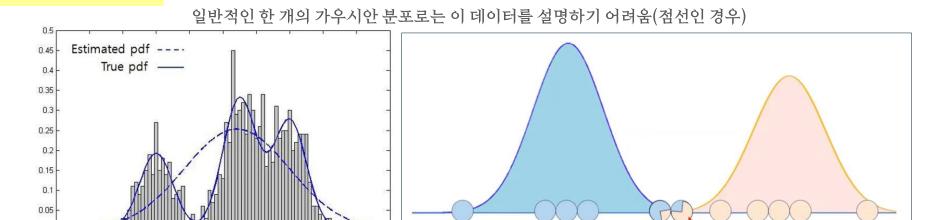
#### **DBSCAN**

■ 장점: 복잡한 모양의 클러스터에 좋은 성능을 보임, 모든 샘플을 클러스터에 할당하지 않고, 노이즈 샘플을 구분할 수 있음

■ 단점: 차원의 저주(고차원에서 알고리즘을 수행할 때, 실행이 까다로워 짐)



#### Gaussian Mixture Model



- WHAT?: 여러 개의 가우시안 분포들을 가중합된 형태로 정의하여 데이터의 분포를 표현하는 방법
- HOW ?:
- 가우스 분포 각각의 평균과 분산을 랜덤하게 초기화
- 각 데이터 포인트가 각 가우시안 분포에서 차지할 가중치를 계산 => E(Expectation)-step
- 위의 가중치로 1의 평균과 분산을 다시 계산(가우시안의 분포 위치를 조정) => M(Maximization)-step
- 갱신한 평균의 변화가 작아질 때(가우시안이 거의 움직이지 않을 때) 까지 2, 3의 반복

출처 : 박혜영, 이관용, 패턴인식과 기계학습, 2011

#### Gaussian Mixture Model

#### ■ 장점:

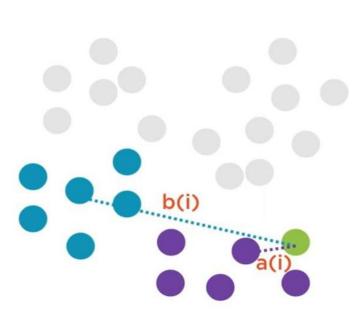
- 소프트 클러스터링(경계가 모호한 군집을 나눌 수 있음)
- 타원형 클러스터도 표현 가능
- 다양한 차원과 구조 데이터에 적용 가능
- 해석이 편리함

#### ■ 단점:

- 초기값에 민감함
- 이상치에 취약함(이상치를 멀리 있는 데이터로 간주하지 않고, 분산 수치를 키우는 식으로 동작함
- 클러스터의 수 K를 사전에 정해야 함
- 계산량이 많음

#### 실루엣 계수(Silhouette Coefficient)

■ WHAT?: 클러스터 내부의 데이터 끼리는 얼마나 친하고, 다른 클러스터와는 얼마나 잘 떨어져 있나?



$$s(i) = rac{b(i) - a(i)}{\max(a(i), b(i))}$$

- a(i): 같은 클러스터와의 평균 거리
- b(i): 가장 가까운 다른 클러스터와의 평균 거리
- 우리가 원하는 것 : a(i) < b(i)
- 가장 잘 분류 : a(i)가 0에 가깝고, b(i)가 무한에 가까움
- 가장 못 분류 : a(i)가 무한에 가깝고 b(i)가 0에 가까움
- 결론적으로, -1과 1사이의 값을 가짐

