ANÁLISE INTELIGENTE DE DADOS (COB 754)

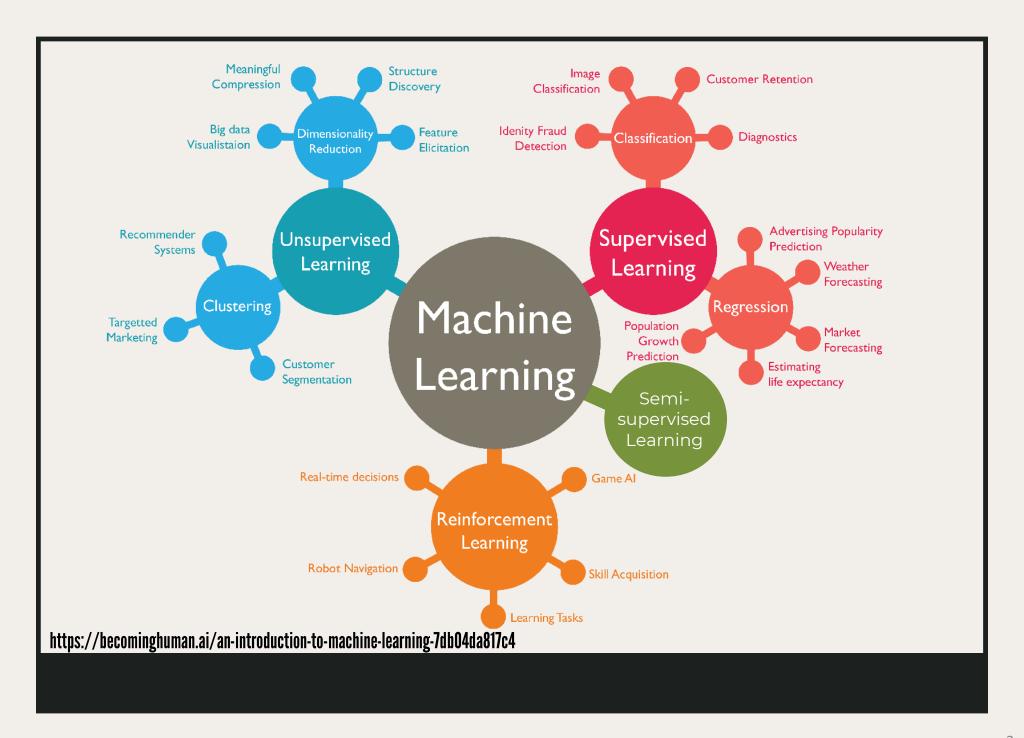
APRENDIZADO DE MÁQUINA

LETÍCIA MARTINS RAPOSO

DEFINIÇÃO

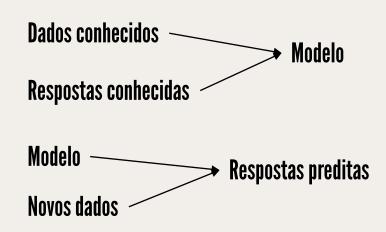


CONJUNTO DE REGRAS E PROCEDIMENTOS, QUE PERMITE QUE OS COMPUTADORES POSSAM <u>AGIR E TOMAR</u> DECISÕES BASEADOS EM DADOS AO INVÉS DE SER EXPLICITAMENTE PROGRAMADOS PARA REALIZAR UMA DETERMINADA TAREFA.



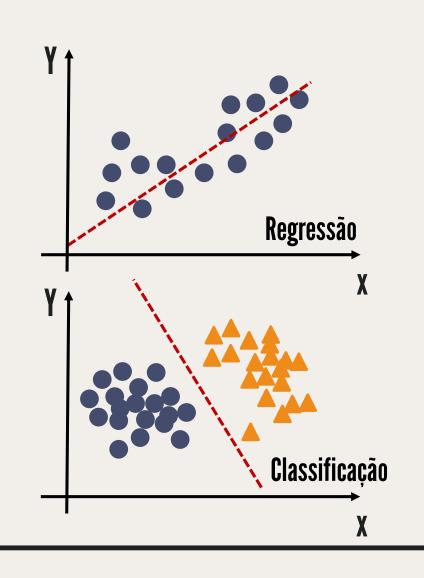
SUPERVISIONADO

O TERMO SUPERVISIONADO VEM DA SIMULAÇÃO DA PRESENÇA DE UM "SUPERVISOR EXTERNO", QUE CONHECE A SAÍDA (RÓTULO) DESEJADA PARA CADA EXEMPLO.



- TAREFA DE ENCONTRAR UMA <u>FUNÇÃO</u> A PARTIR DE DADOS DE TREINAMENTO ROTULADOS.
- O OBJETIVO É ENCONTRAR
 OS <u>PARÂMETROS ÓTIMOS</u>
 QUE AJUSTEM UM MODELO
 QUE POSSA <u>PREVER</u>
 <u>RÓTULOS DESCONHECIDOS</u>
 EM OUTROS OBJETOS (O
 CONJUNTO DE TESTE).

SUPERVISIONADO

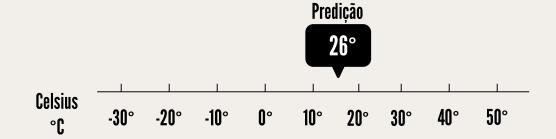


- REGRESSÃO: O OBJETIVO É PREVER UMA MEDIDA CONTÍNUA PARA UMA OBSERVAÇÃO. OU SEJA, AS VARIÁVEIS RESPOSTAS SÃO NÚMEROS REAIS.
- CLASSIFICAÇÃO: O OBJETIVO É ATRIBUIR UMA CLASSE (OU RÓTULO) DE UM CONJUNTO FINITO DE CLASSES A UMA OBSERVAÇÃO. OU SEJA, AS RESPOSTAS SÃO VARIÁVEIS CATEGÓRICAS.



REGRESSÃO

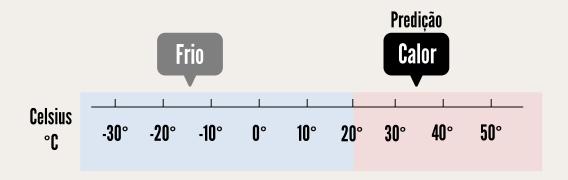
Qual será a temperatura amanhã?



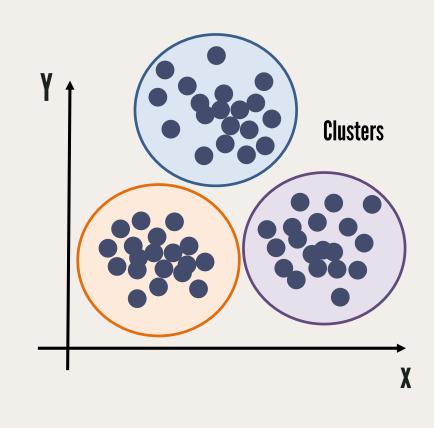


CLASSIFICAÇÃO

Vai fazer frio ou calor amanhã?



NÃO SUPERVISIONADO



- O CONJUNTO DE TREINAMENTO NÃO É ROTULADO.
- NOSSO OBJETIVO É
 OBSERVAR ALGUMAS
 <u>SIMILARIDADES</u> ENTRE
 OS OBJETOS E INCLUÍ LOS EM GRUPOS
 APROPRIADOS.
- TAMBÉM PODE SER

 USADA PARA REDUZIR O

 NÚMERO DE

 DIMENSÕES EM UM

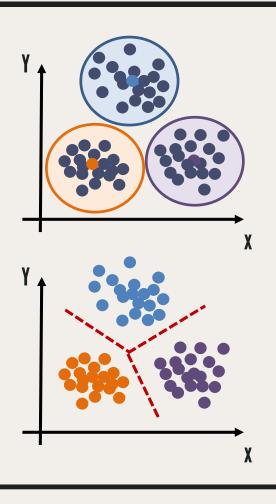
 CONJUNTO DE DADOS

 PARA CONCENTRAR

 SOMENTE NOS

 ATRIBUTOS MAIS ÚTEIS.

SEMI-SUPERVISIONADO



- INCLUI AMBOS OS PROBLEMAS DISCUTIDOS ANTIORMENTE: ELA <u>USA</u> <u>DADOS ROTULADOS E</u> <u>NÃO-ROTULADOS</u>.
- A IDEIA É ROTULAR DADOS NÃO ROTULADOS POR UM APRENDIZADO NÃO SUPERVISIONADO E DEPOIS CONSTRUIR UM MODELO SUPERVISIONADO.

POR REFORCO **Ambiente** Agente -50 pontos = ruim! **Melhor** evitar da próxima vez.

- UM AMBIENTE FORNECERÁ
 DADOS AOS QUAIS UM
 "AGENTE" IRÁ <u>TOMAR DECISÕES</u>
 DE ACORDO ELES.
- ESSE AMBIENTE IRÁ
 RESPONDER COM UMA
 RECOMPENSA/PUNIÇÃO QUE
 DETERMINARÁ A ALTERAÇÃO DE
 REGRAS DE DECISÃO FEITA
 PELO "AGENTE" PARA ATUAR
 MELHOR NO FUTURO.



APRENDIZADOS

















SUPERVISIONADO

NÃO SUPERVISIONADO SUPERVISIONADO

SEMI-

POR REFORÇO

APRENDIZADOS













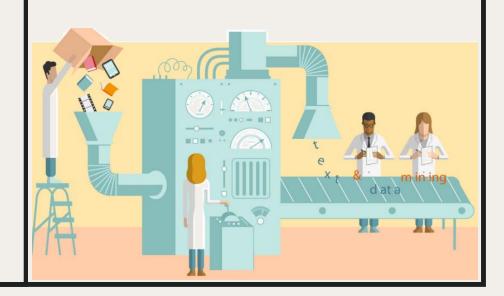


SEMI-Supervisionado

POR REFORÇO

- PREPARAÇÃO DOS DADOS
- ESCOLHA DE UM ALGORITMO
- TREINAMENTO
- AVALIAÇÃO
- AJUSTE DOS PARÂMETROS
- PREDIÇÃO

ETAPAS DO APRENDIZADO SUPERVISIONADO



ELIMINAÇÃO MANUAL DE ATRIBUTOS

- INTEGRAÇÃO DE DADOS
- AMOSTRAGEM DE DADOS
- DADOS DESBALANCEADOS
- LIMPEZA DE DADOS
- TRANSFORMAÇÃO DE DADOS
- REDUÇÃO DE DIMENSIONALIDADE

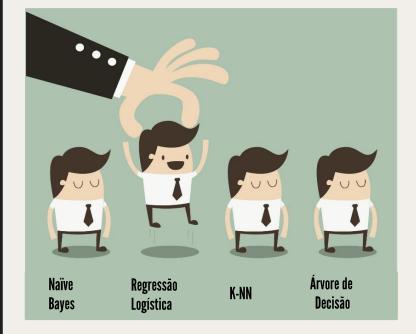
PREPARAÇÃO DOS DADOS



EXISTEM TRADE-OFFS ENTRE VÁRIAS CARACTERÍSTICAS DE ALGORITMOS, COMO:

ESCOLHA DE UM ALGORITMO

- VELOCIDADE DE TREINAMENTO
- USO DE <u>MEMÓRIA</u>
- ACURÁCIA PREDITIVA EM NOVOS DADOS



TRANSPARÊNCIA OU
 INTERPRETABILIDADE
 (FACILIDADE PARA ENTENDER
 AS RAZÕES PELAS QUAIS UM
 ALGORITMO FAZ SUAS
 PREVISÕES)

TREINAMENTO



- REGRESSÃO LINEAR
- REGRESSÃO LOGÍSTICA
- K-NN
- NAÏVE BAYES
- ÁRVORES DE DECISÃO
- FLORESTA ALEATÓRIA

AVALIAÇÃO



- QUANDO O TREINAMENTO ESTIVER CONCLUÍDO, É HORA DE VER SE O MODELO ESTÁ BOM.
- A AVALIAÇÃO NOS PERMITE <u>TESTAR</u> NOSSO MODELO EM RELAÇÃO A DADOS QUE <u>NUNCA FORAM USADOS</u> PARA TREINAMENTO.
- ISSO DEVE SER REPRESENTATIVO DE COMO O MODELO PODE <u>FUNCIONAR NO MUNDO</u> REAL.

AJUSTE DOS PARÂMETROS



- TENTAR <u>MELHORAR</u> AINDA MAIS O MODELO.
- É IMPORTANTE <u>DEFINIR O</u>
 QUE TORNA UM MODELO
 "BOM O SUFICIENTE", CASO
 CONTRÁRIO, VOCÊ PODE SE
 ENCONTRAR AJUSTANDO
 PARÂMETROS POR UM
 TEMPO MUITO LONGO.
- ESSES PARÂMETROS SÃO GERALMENTE CHAMADOS DE "HIPERPARÂMETROS".

PREDIÇÃO



- ETAPA EM QUE O MODELO IRÁ <u>PREDIZER A RESPOSTA</u> A NOVOS CASOS.
- TODO O TRABALHO
 REALIZADO TEM COMO
 OBJETIVO CHEGAR NESTA
 ETAPA.



AMOSTRAGEM

- Importante a divisão entre conjunto de treinamento e teste.
- Uso do mesmo conjunto de treino na avaliação: estimativas otimistas.
- Treinamento: indução e ajuste do modelo.
- Teste: simulam a apresentação de objetos novos ao preditor que não foram vistos em sua indução.
- Treinamento e teste: conjuntos disjuntos.

MÉTODO HOLDOUT

Dados

Treinamento

Teste

Dividimos, <u>aleatoriamente</u>, os dados em conjuntos de treinamento e teste (geralmente 2/3 para o treinamento e 1/3 para o teste)

MÉTODO HOLDOUT

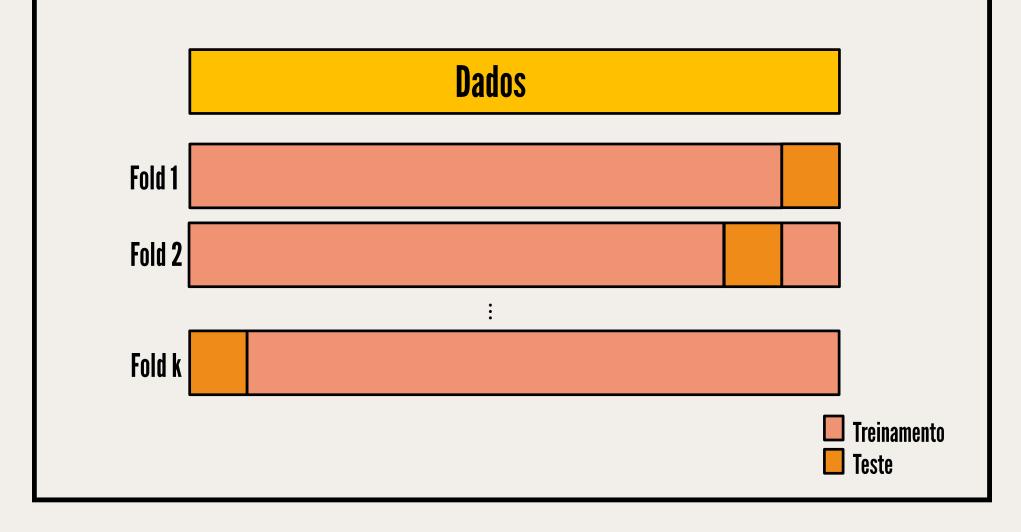


<u>Vantagens</u>: dados totalmente independentes; só precisa ser executado uma vez, portanto, tem custos computacionais mais baixos.



<u>Desvantagens</u>: a avaliação de desempenho está sujeita a maior variância, dado o tamanho menor dos dados; difícil calcular qualquer informação de variação ou intervalos de confiança em um único conjunto de dados.

VALIDAÇÃO CRUZADA K-FOLD



VALIDAÇÃO CRUZADA K-FOLD

- Os dados são normalmente <u>estratificados</u> antes de serem divididos em subconjuntos:
 - A estratificação é o processo de reorganização dos dados para garantir que cada subconjunto seja um bom representante do todo.
 - P. ex., em um problema de classificação binária em que cada classe compreende 50% dos dados, o ideal é organizar os dados de modo que em cada subconjunto, cada classe inclui cerca de metade das instâncias.
- A estimativa do erro é obtida pela <u>média dos erros de cada</u> <u>rodada</u>.

VALIDAÇÃO CRUZADA K-FOLD



<u>Vantagens</u>: propenso a menor variação porque usa todo o conjunto de treinamento.

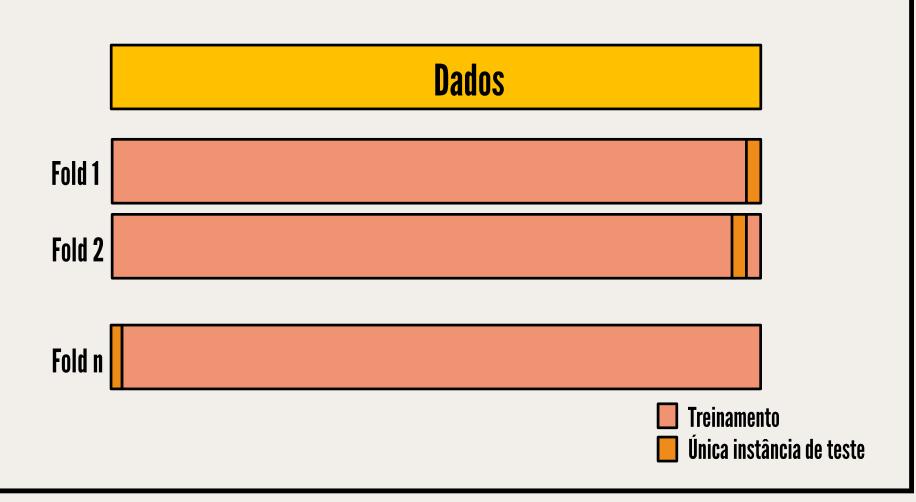


<u>Desvantagens</u>: maiores custos computacionais - o modelo precisa ser treinado K vezes na etapa de avaliação e mais uma para gerar o modelo final.

VALIDAÇÃO CRUZADA LEAVE-ONE-OUT

- Caso especial da k-fold, com k igual ao número de instâncias nos dados.
- Em cada iteração, quase todos os dados, exceto uma única observação, são usados para treinamento e o modelo é testado nessa única observação.
- Amplamente utilizada quando os <u>dados disponíveis são</u> <u>muito raros</u>.
- O desempenho é dado pela soma dos desempenhos verificados para cada exemplo de teste individual.

VALIDAÇÃO CRUZADA LEAVE-ONE-OUT



VALIDAÇÃO CRUZADA LEAVE-ONE-OUT



<u>Vantagens</u>: propenso a menos variação porque usa todo o conjunto de treinamento.



<u>Desvantagens</u>: a estratificação não é possível.

OBSERVAÇÕES

- Na prática, a <u>escolha do número de subconjuntos</u> depende do tamanho do conjunto de dados.
- Para conjuntos grandes, k igual a 3 já fornecerá bons resultados.
- Para conjuntos mais esparsos, talvez a melhor opção seja o leave-one-out para treinar com um maior número possível.
- Uma escolha comum para k é 10.

OBSERVAÇÕES

- O propósito da validação cruzada <u>não é chegar ao modelo</u> final, mas sim avaliar o(s) modelo(s).
- Para construir o modelo final, devemos usar todos os dados que temos para chegar ao melhor modelo possível.
- P. ex., digamos que temos dois modelos, um modelo de regressão linear e uma rede neural. Como podemos dizer qual modelo é melhor?
 - Podemos fazer validação cruzada k-fold e ver qual deles se mostra melhor na previsão dos exemplos de teste. Uma vez que usamos a validação cruzada para selecionar o modelo com melhor desempenho, treinamos esse modelo (quer seja a regressão linear ou a rede neural) com todos os dados.

BOOTSTRAP

- Método de reamostragem proposto por Bradley Efron em 1979.
- Técnica de <u>reamostragem com reposição</u> (≠ validação cruzada).
- A partir de um conjunto de dados com N exemplos, selecionamos, com reposição, N exemplos e utilizamos esse subconjunto para treino.
- Os <u>exemplos restantes</u> que não foram selecionados serão usados no <u>teste</u>.
- Repetimos esse processo k vezes (normalmente $k \ge 100$).
- O erro estimado também será dado pela <u>média dos</u> erros de cada experimento.

BOOTSTRAP



BOOTSTRAP 0.632

- Um exemplo tem uma probabilidade de $1 \frac{1}{N}$ de não ser escolhido.
- Assim, sua probabilidade de terminar nos dados do teste é: $\left(1-\frac{1}{N}\right)^N$. Para N grande, essa probabilidade é aproximadamente $\frac{1}{e}\approx 0,368$.
- O <u>conjunto de treinamento</u> vai conter aproximadamente 63,2% dos exemplos.
- A taxa de erro é um estimador muito pessimista (usa 36,8% dos exemplos).
- Solução: <u>usar também a taxa de erro obtida no conjunto de</u> <u>treinamento</u>.

BOOTSTRAP 0.632

Experiência nº 1

Experiência nº 2

Experiência nº k

 \approx 63% dos exemplos de D

Conjunto de Treino: D₁

Conjunto de Treino: D₂

Conjunto de Treino: $\mathbf{D}_{\mathbf{B}}$

pprox 37% de D

Conjunto de Teste: $D \setminus D_1$

Conjunto de Teste: D \ D₂ Estimativas da Taxa de Erro

 $E_1 = 0.632 E_{\text{teste}} + 0.368 E_{\text{treino}}$

 $E_2 = 0.632 E_{\text{teste}} + 0.368 E_{\text{treino}}$

Conjunto de Teste: $D \setminus D_k$ $E_k = 0.632 E_{teste} + 0.368 E_{treino}$

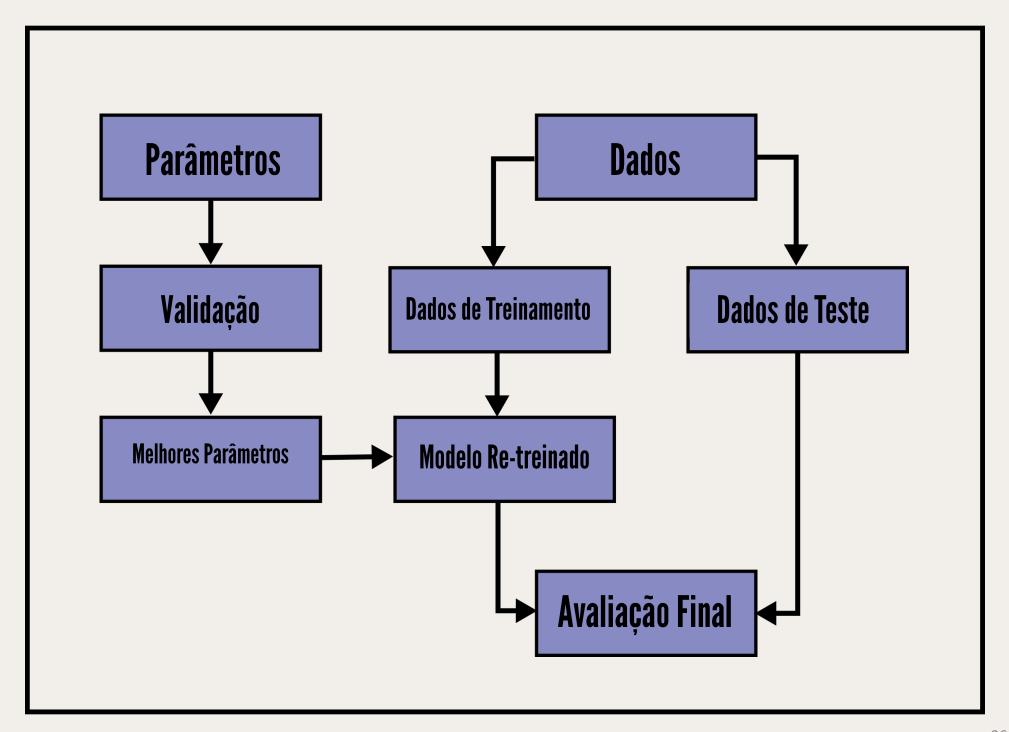
A estimativa do erro verdadeiro é obtida como a média dos erros de cada experiência.

$$E = \frac{1}{k} \sum_{i=1}^{k} E_i$$

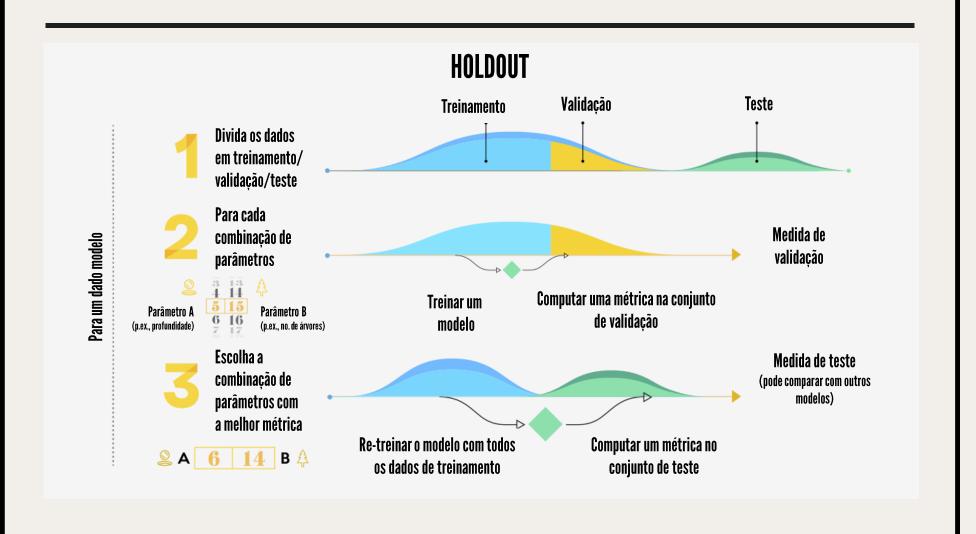
AJUSTE DE PARÂMETROS

Na maioria dos modelos, torna-se necessário realizar um ajuste de parâmetros.

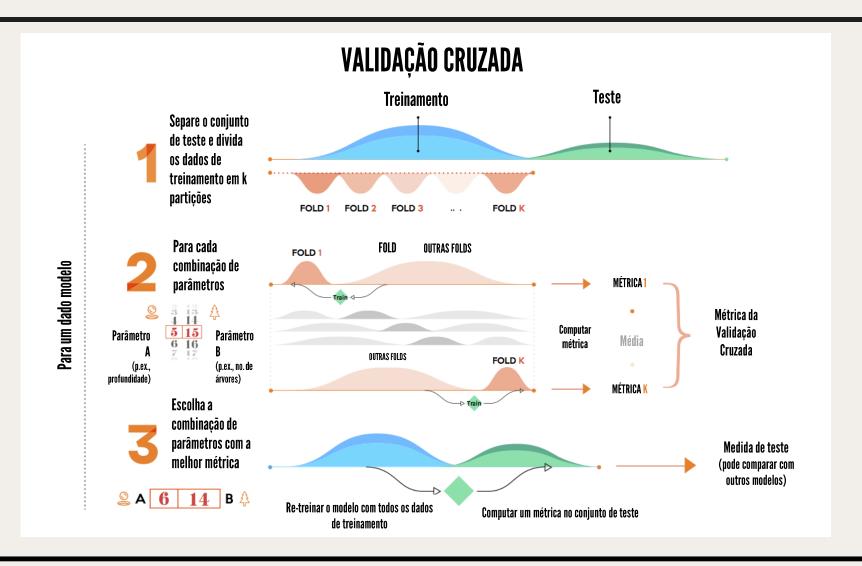
 Nesses casos, é necessário <u>reservar uma parte dos</u> <u>exemplos para ajustar os parâmetros e outra parte para</u> teste.



AJUSTE DE PARÂMETROS



AJUSTE DE PARÂMETROS



MÉTRICAS PARA REGRESSÃO

Erro quadrático médio (MSE – mean squared error):

$$MSE(\hat{f}) = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} (y_i - \hat{f}(\mathbf{x}_i))^2$$

Distância absoluta média (MAD – mean absolute distance):

$$MAD(\hat{f}) = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} |y_i - \hat{f}(x_i)|$$

 Para ambas as medidas, valores mais baixos correspondem a melhores modelos.

MÉTRICAS PARA CLASSIFICAÇÃO

<u>Taxa de erro</u> ou de classificações incorretas:

$$err(\hat{f}) = \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} I(y_i \neq \hat{f}(x_i))$$

em que I(a) = 1 se a é verdadeiro e é 0 em caso contrário.

- A taxa de erro varia entre 0 e 1, e valores próximos ao extremo 0 são melhores.
- O complemento dessa taxa corresponde à <u>taxa de acerto ou</u> <u>acurácia</u> do classificador:

$$ac(\hat{f}) = 1 - err(\hat{f})$$

Valores próximos de 1 são considerados melhores.

MÉTRICAS PARA CLASSIFICAÇÃO

Matriz de confusão:

| | | Verdadeira Classe | | | |
|----------------|----------|-------------------------------|-------------------------------|--|--|
| | | Positivo | Negativo | | |
| Predita | Positivo | Verdadeiros Positivos (VP) | Falsos Positivos (FP) | | |
| Classe Predita | Negativo | Falsos Negativos (FN) | Verdadeiros Negativos (VN) | | |

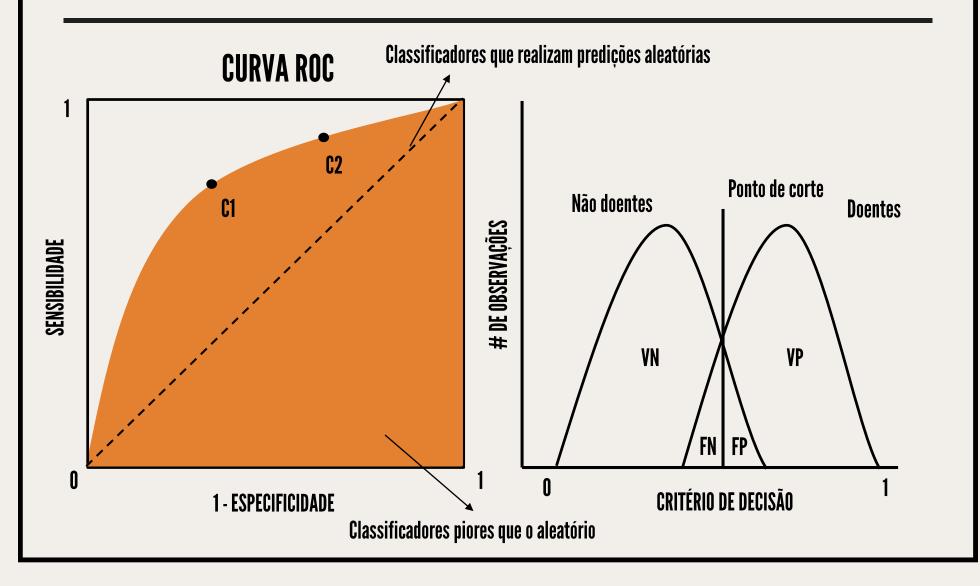
| | | Verdadeira Classe | | | | | |
|----------------|---|-------------------|---|---|--|--|--|
| | | A | В | C | | | |
| a | A | 4 | 1 | 0 | | | |
| Classe Predita | В | 0 | 5 | 0 | | | |
| | C | 0 | 2 | 8 | | | |

PROBLEMAS DE DUAS CLASSES

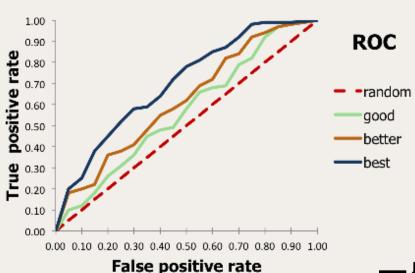
| | | Verdadeira Classe | | | |
|----------------|----------|-------------------------------|-------------------------------|--|--|
| | | Positivo | Negativo | | |
| Predita | Positivo | Verdadeiros Positivos (VP) | Falsos Positivos (FP) | | |
| Classe Predita | Negativo | Falsos Negativos (FN) | Verdadeiros Negativos (VN) | | |

- SENSIBILIDADE = VP/(VP+FN)
- ESPECIFICIDADE = VN/(VN+FP)
- VALOR PREDITIVO POSITIVO = VP/(VP+FP)
- VALOR PREDITIVO NEGATIVO = VN/(VN+FN)
- ACURÁCIA = (VP+VN)/(VP+VN+FP+FN)
- MEDIDA-F = 2X(S+VPP)/(S+VPP)

ANÁLISE ROC



ANÁLISE ROC



AUC: área sob a curva ROC

- Maior AUC, classificador superior aos demais.
- Entretanto, melhor comparar estatisticamente.



Vantagem: medida única, boa para dados desbalanceados.



Desvantagem: limitada a problemas binários.

ÍNDICE KAPPA

- Mede o grau de concordância entre duas diferentes técnicas além do que seria esperado pelo acaso.
- Calculado pela divisão da diferença entre a concordância esperada e a concordância observada e a diferença entre a concordância absoluta e a concordância esperada.

| Kappa | Interpretação |
|-------------|-----------------------------|
| <0 | Discordantes |
| 0 - 0,19 | Concordância fraca |
| 0,20 - 0,39 | Concordância razoável |
| 0,40 - 0,59 | Concordância moderada |
| 0,60 - 0,79 | Concordância substancial |
| 0,80 - 1,00 | Concordância quase perfeita |

ÍNDICE KAPPA

• Acurácia observada:

$$((22 + 13) / 51) = 0.69$$

Acurácia esperada:

$$((29 * 31 / 51) + (22 * 20 / 51)) / 51 = 0.51$$

• Kappa:

$$(0.69 - 0.51) / (1 - 0.51) = 0.37$$

| | Referência | | | | | | | |
|---------------|------------|----------|----------|--|--|--|--|--|
| dor | | Classe A | Classe B | | | | | |
| Classificador | Classe A | 22 | 9 | | | | | |
| | Classe B | 7 | 13 | | | | | |

TESTES ESTATÍSTICOS

- Comparar dois ou mais algoritmos na solução de um ou mais problemas práticos.
- Utilizar uma estratégia de amostragem, p. ex., validação cruzada k-fold.
- A cada iteração, todos os algoritmos usam a mesma partição de treinamento e de teste para obter seus resultados e, dessa forma, a média de desempenho obtida por todos é calculada sobre os mesmos objetos.
- <u>Mais recomendado: teste de hipóteses para a comparação dos desempenhos dos modelos em investigação</u>.

LEITURA RECOMENDADA: DEMŠAR, Janez. Statistical comparisons of classifiers over multiple data sets. Journal of Machine learning research, v. 7, n. Jan, p. 1-30, 2006.

TESTES ESTATÍSTICOS

Testes comumente utilizados:

- Wilcoxon signed-rank;
- Friedman.

Pareados e não paramétricos.

Baseados em <u>ranqueamentos</u>, permitem comparar outras medidas de desempenho além das tradicionais, estabelecidas em algum tipo de erro/acerto preditivo.

Teste recomendado: Wilcoxon signed-rank

- 1. Calculam-se inicialmente as <u>diferenças nas medidas de</u> <u>desempenho dos algoritmos</u>.
- 2. Os <u>valores absolutos dessas diferenças são ranqueados (menores diferenças assumem primeiras posições e assim sucessivamente).</u>
 - No caso de empates, atribuem-se valores médios das posições de ordenação.
- Pelo teste, <u>comparam-se as posições das diferenças positivas e</u> <u>negativas entre os algoritmos</u>.
 - A e B → B A: maiores valores são melhores (taxa de acerto, AUC, precisão...), então +, melhor desempenho de B, -, melhor desempenho de A.

| MODELO A | MODELO B | DIF (B-A) | DIF_ABS | POSIÇÃO |
|----------|----------|-----------|---------|---------|
| 77,98 | 77,91 | -0,07 | 0,07 | 3 |
| 72,26 | 72,27 | 0,01 | 0,01 | 1 |
| 76,95 | 76,97 | 0,02 | 0,02 | 2 |
| 77,94 | 76,57 | -1,37 | 1,37 | 5 |
| 72,23 | 71,63 | -0,60 | 0,60 | 4 |
| 76,90 | 75,48 | -1,42 | 1,42 | 6 |
| 77,93 | 75,75 | -2,18 | 2,18 | 7 |

Seja R+ a soma das posições (ranks) de conjuntos de dados em que o algoritmo B é melhor que o algoritmo A e R- a soma de posições oposta. As posições das diferenças nulas são repartidas igualmente entre as duas somas. Se há um número ímpar de diferenças nulas, uma é ignorada.

$$z = \frac{S - \frac{1}{4}N(N-1)}{\sqrt{\frac{1}{24}N(N+1)(2N+1)}}$$

S: menor das somas.

$$R += \sum_{d_i>0} rank(d_i) + \frac{1}{2} \sum_{d_i=0} rank(d_i)$$

$$R -= \sum_{d_i<0} rank(d_i) + \frac{1}{2} \sum_{d_i=0} rank(d_i)$$

Teste recomendado: teste de Friedman

- Também é baseado na comparação de ranqueamentos de desempenhos.
- O valor absoluto da medida de desempenho de cada algoritmo individualmente em cada conjunto de dados é considerado para realizar o ranqueamento.
- Para cada conjunto de dados, realiza-se o ranqueamento dos algoritmos de acordo com seu desempenho (dos melhores para os piores).
 - Em caso de empates, valores médios de posição são atribuídos.

| MODELO A | MODELO B | MODELO C |
|----------|----------|----------|
| 77,98 | 77,91 | 75,89 |
| 72,26 | 72,27 | 74,56 |
| 76,95 | 76,97 | 77,32 |
| 77,94 | 76,57 | 76,98 |
| 72,23 | 71,63 | 72,65 |
| 76,90 | 75,48 | 75,32 |
| 77,93 | 75,75 | 76,90 |

| MODELO A | MODELO B | MODELO C |
|----------|----------|----------|
| 1 | 2 | 3 |
| 3 | 2 | 1 |
| 3 | 2 | 1 |
| 1 | 3 | 2 |
| 2 | 3 | 1 |
| 1 | 2 | 3 |
| 1 | 3 | 2 |
| 1,71 | 2,43 | 1,86 |

- Seja r_j^i a posição do desempenho do algoritmo j (dentre A algoritmos) no conjunto de dados i (dentre N conjuntos de dados).
- O teste de Friedman irá <u>comparar os ranqueamentos médios</u> R_j dos diferentes algoritmos.
- A H0 afirma que todos os algoritmos são equivalentes e que suas posições de ranqueamento são iguais.

$$F_F = \frac{(N-1)\chi_F^2}{N(A-1)\chi_F^2}, \qquad \chi_F^2 = \frac{12N}{A(A+1)} \left[\sum_j R_j^2 - \frac{A(A+1)^2}{4} \right]$$

Se a estatística calculada for maior que $F_{A-1,(A-1)(N-1)}$, rejeita-se a H0 de que todos os algoritmos têm o mesmo desempenho.

- Se H0 for rejeitada, precisamos descobrir <u>quais algoritmos</u> <u>possuem diferença de desempenho</u> → pós-teste.
- No pós-teste, o desempenho de dois algoritmos em particular é estatisticamente diferente caso a <u>diferença entre</u> <u>os seus valores médios de posição no ranqueamento seja</u> <u>maior ou igual ao valor da diferença crítica CD</u> (*Critical Difference*):

$$CD = q_{\alpha} \sqrt{\frac{A(A+1)}{6N}}$$

- Se todos os algoritmos estão sendo <u>comparados entre si em</u> <u>pares</u>, os valores de q_{α} podem ser fornecidos pela estatística de <u>Nemenyi</u>.
 - Se a diferença entre os ranqueamentos médios de dois algoritmos é maior que CD, então a HO de que os algoritmos têm o mesmo desempenho é rejeitada.
- Quando a comparação é de <u>vários algoritmos em relação a um único algoritmo</u> (p. ex., o desempenho de várias modificações de um algoritmo é comparado ao do algoritmo base), q_{α} pode ser menos restritivo, pois menos comparações são realizadas.
 - A estatística de Bonferroni-Dunn pode ser empregada.

| #classifiers | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 | 9 | 10 |
|--------------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|
| $q_{0.05}$ | 1.960 | 2.343 | 2.569 | 2.728 | 2.850 | 2.949 | 3.031 | 3.102 | 3.164 |
| $q_{0.10}$ | 1.645 | 2.052 | 2.291 | 2.459 | 2.589 | 2.693 | 2.780 | 2.855 | 2.920 |

(a) Critical values for the two-tailed Nemenyi test

| #classifiers | 2 | 3 | 4 | 5 | 6 | 7 | 8 | 9 | 10 |
|--------------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|
| $q_{0.05}$ | 1.960 | 2.241 | 2.394 | 2.498 | 2.576 | 2.638 | 2.690 | 2.724 | 2.773 |
| $q_{0.10}$ | 1.645 | 1.960 | 2.128 | 2.241 | 2.326 | 2.394 | 2.450 | 2.498 | 2.539 |

(b) Critical values for the two-tailed Bonferroni-Dunn test; the number of classifiers include the control classifier.

Teste de Holm: o modelo com a melhor colocação é selecionado como modelo-controle e uma comparação dois a dois dos demais modelos com o controle é realizada. A hipótese nula afirma que o modelo-controle e o segundo utilizado na comparação pareada possuem a mesma colocação média.

- 1. Os valores p das comparações são ordenados de forma crescente com suas hipóteses associadas. Para um dado nível de significância α , tome k como índice mínimo tal que $p_{(k)} > \frac{\alpha}{m+1-k}$, sendo m o número de comparações.
- 2. Conforme tomamos um novo valor p, incrementamos o valor de k.
- 3. Se $p < p_{(k)}$, então rejeitamos a hipótese. Quando alguma hipótese não é rejeitada, o método para e as demais hipóteses não são verificadas (já considera não rejeição).

$$H_1 \rightarrow p_1 = 0.01$$

 $H_2 \rightarrow p_2 = 0.04$
 $H_3 \rightarrow p_3 = 0.03$
 $H_4 \rightarrow p_4 = 0.005$

Valores p não ajustados $\alpha = 0.05$

$$p_{(k)} > \frac{\alpha}{m+1-k}$$

Se $p < p_{(k)}$, então rejeitamos a hipótese.

$$H_4 = H_{(1)}$$

$$p_4 = p_{(1)} = 0,005$$

$$p_{(1)} = \frac{0,05}{4+1-1} = 0,0125 \rightarrow \text{Rejeitamos}$$

$$H_3 = H_{(3)}$$

$$p_3 = p_{(3)} = 0.03$$

$$p_{(2)} = \frac{0.05}{4+1-3} = 0.025 \rightarrow \text{N\~ao rejeitamos}$$

$$H_1 = H_{(2)}$$

$$p_1 = p_{(2)} = 0.01$$

$$p_{(2)} = \frac{0.05}{4 + 1 - 2} = 0.0167 \rightarrow \text{Rejeitamos}$$

 $H_2 \rightarrow N\tilde{a}o\ rejeitamos$