

Khoa Công Nghệ Thông Tin Trường Đại Học Cần Thơ



Máy học véctơ hỗ trợ Support vector machines

<u>Đỗ Thanh Nghị</u> dtnghi@cit.ctu.edu.vn

> Cần Thơ 12-02-2019

Nội dung

- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- Úng dụng của SVM
- Kết luận và hướng phát triển
- Demo chương trình (20 30 phút)

Giới thiệu về SVM

- Giải thuật học của SVM
- Úng dụng của SVM
- Kết luận và hướng phát triển

- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển

- lớp các giải thuật học
 - tìm siêu phẳng trong không gian N-dim để phân loại dữ liệu
 - SVM + hàm kernel = mô hình
 - giải thuật SVM = lời giải của bài toán quy hoạch toàn phương
 - tối ưu toàn cục
 - có nhiều giải thuật để giải
 - SVM có thể mở rộng để giải các vấn đề của hồi quy, gom nhóm, etc.
 - Được ứng dụng thành công: nhận dạng, phân tích dữ liệu, phân loại gen, ký tự, etc.

<u>Giới thiệu về SVM</u>

- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển

Top 10 DM algorithms (2015)

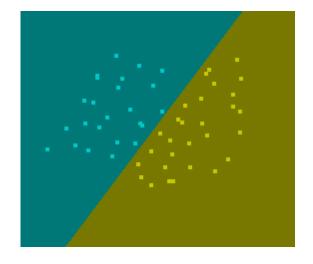


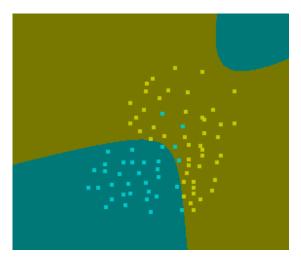
Here are the algorithms:

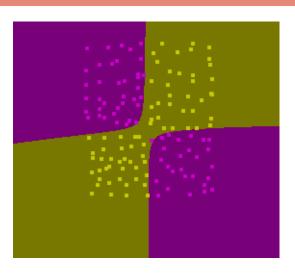
- 1. C4.5
- · 2. k-means
- 3. Support vector machines
- 4. Apriori
- 5. EM
- 6. PageRank
- 7. AdaBoost
- 8. kNN
- 9. Naive Bayes
- 10. CART

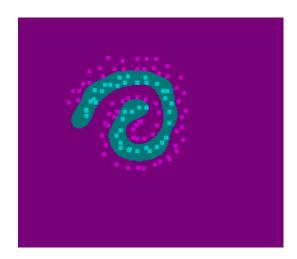
- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- Úng dụng của SVM
- Kết luận và hướng phát triển

- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- úng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển

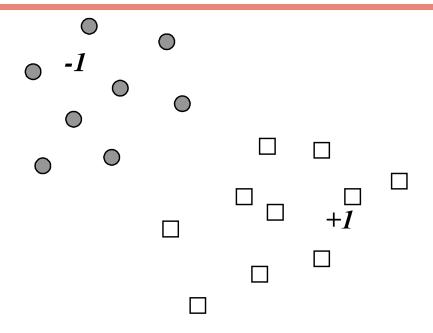




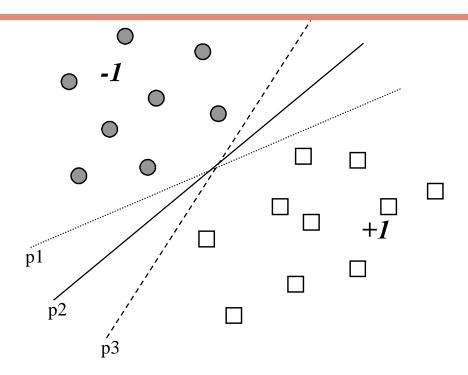




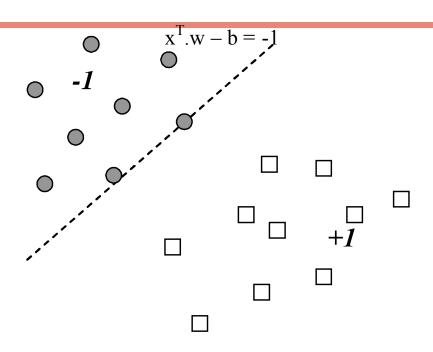
- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển



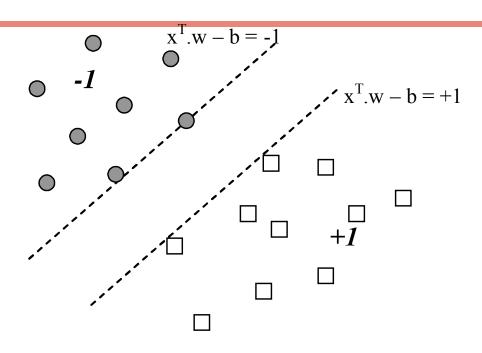
- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển



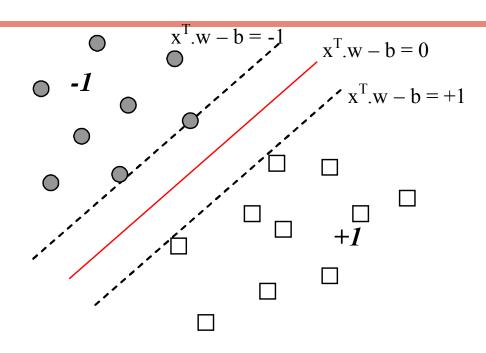
- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển



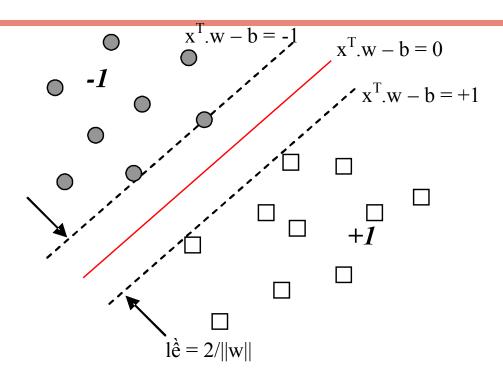
- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển



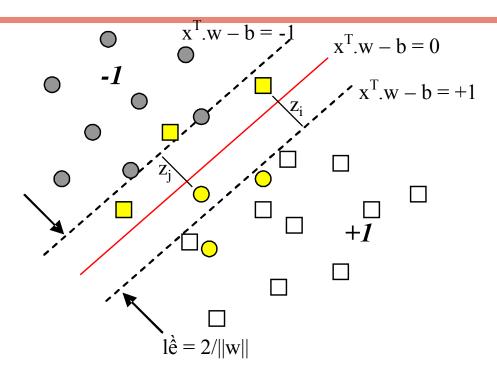
- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển



- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển



- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển



- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển

Phân loại với SVM

cực đại hóa lề + cực tiểu hóa lỗi

min
$$\Psi(w, b, z) = (1/2) ||w||^2 + c \sum_{i=1}^{m} z_i$$

 $y_i(w.x_i - b) + z_i \ge 1$
 $z_i \ge 0 \quad (i=1, 2, ..., m)$ (1)

■ giải (1): w, b

■ phân loại x: sign(x.w - b)

- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển

Phân loại với SVM

■ bài toán đối ngẫu của (1):

$$\min \Psi(\alpha) = (1/2) \sum_{i=1}^{m} \sum_{j=1}^{m} (y_i y_j \alpha_i \alpha_j x_i.x_j) - \sum_{i=1}^{m} \alpha_i$$

$$\sum_{i=1}^{m} y_i \ \alpha_i = 0$$

$$c \ge \alpha_i \ge 0$$
(2)

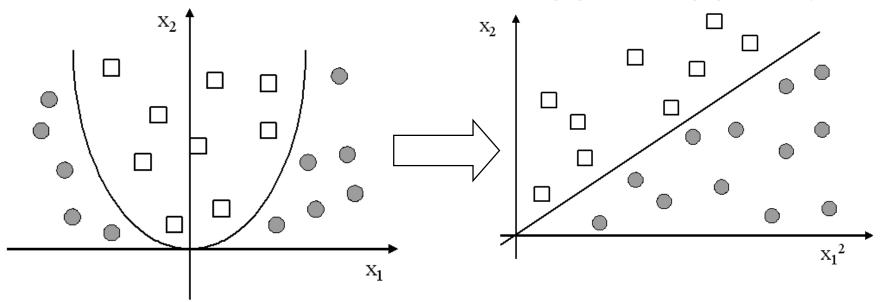
- giải (2): α_i
 - những x_i tương ứng với $\alpha_i > 0$ là véctơ hỗ trợ (SV)
 - tính *b* dựa trên tập SV
- **phân loại** x: $sign(\sum_{i=1}^{n} y_i \alpha_i x_i.x b)$

- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển

SVM phi tuyến

không gian input: phi tuyến

không gian trung gian: tuyến tính



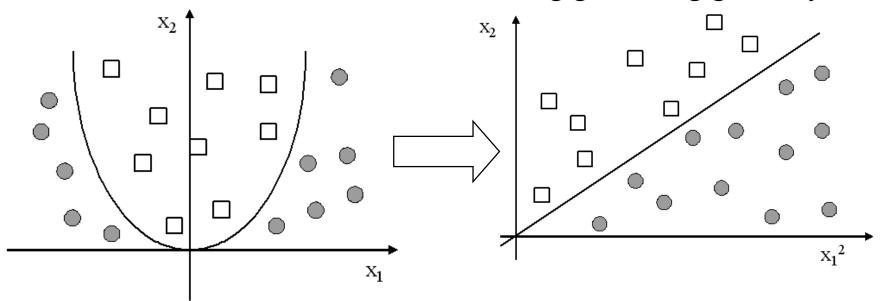
- chuyển không gian input => không gian trung gian:
 - 2 chiều $[x_1, x_2]$ không gian input => 5 chiều $[x_1, x_2, x_1x_2, x_1^2, x_2^2]$ không gian trung gian (feature space)

- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ung dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển

SVM phi tuyến

không gian input: phi tuyến

không gian trung gian: tuyến tính



- chuyển không gian input => không gian trung gian:
 - phép chuyển đổi khó xác định, số chiều trong không gian trung gian rất lớn.
 - hàm kernel (Hilbert Schmidt space): làm việc trong không gian input nhưng ngầm định trong không gian trung gian

- Giới thiêu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển

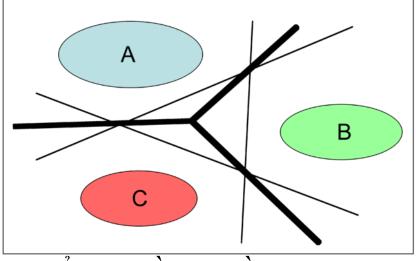
SVM phi tuyến sử dụng kernel

- \blacksquare SVM + kernel = mô hình
 - thay dot product bởi hàm kernel, K(u, v)
 - tuyến tính: K(u, v) = u.v
 - đa thức bậc d: $K(u, v) = (u.v + c)^d$
 - Radial Basis Function: $K(u, v) = exp(-2/|u v|/^2/\sigma^2)$
- ví dụ, hàm kernel đa thức bậc 5
 - dữ liệu có số chiều là 250 trong không gian input
 - tương đương với 10¹⁰ chiều trong không gian trung gian

- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển

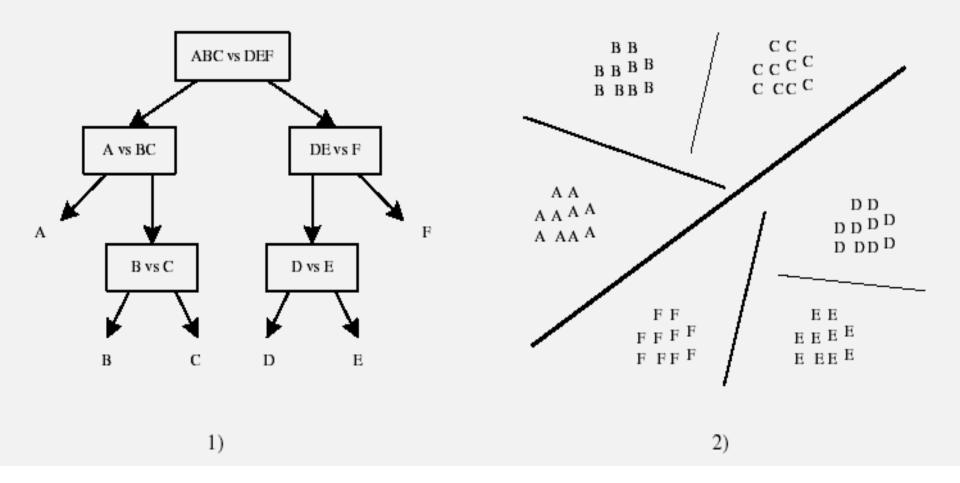
SVM cho vấn đề nhiều lớp (> 2)

- xây dựng trực tiếp mô hình cho nhiều lớp
 - xây dựng bài toán tối ưu cho k lớp
- 1-tất cả (1 vs all)
 - mỗi mô hình phân tách 1 lớp từ các lớp khác
 - k lớp : k mô hình
- 1-1 (1 vs 1)
 - mỗi mô hình phân tách 2 lớp
 - k lớp : k*(k-1)/2 mô hình
- phương pháp khác
 - phân tách 2 nhóm, mỗi nhóm có thể bao gồm nhiều lớp
 - xác định cách phân tách nhóm sao cho có lợi nhất



- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển

SVM cho vấn đề nhiều lớp (> 2)



- Giới thiêu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển

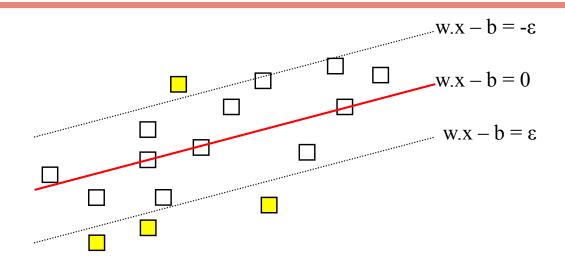
Giải thuật SVM

(Bennett & Campell, 2000) (Cristianini & Shawe-Taylor, 2000)

- SVM = giải của bài toán quy hoạch toàn phương
- giải quadratic program
 - sử dụng trình tối ưu hóa sẵn có: phương pháp Quasi-Newton, gradient
 - phân rã vấn đề (decomposition hoặc chunking)
 - phân rã vấn đề thành những vấn đề con kích thước 2 như SMO (Platt, 1998)
- diễn giải SVM bằng phương pháp khác
 - lớp các giải thuật của Mangasarian & sinh viên của ông
 - hoặc đưa về giải bài toán quy hoạch tuyến tính hay hệ phương trình tuyến tính

- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển

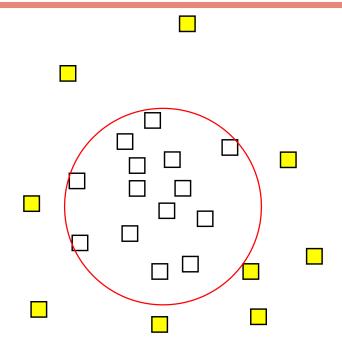
Hồi quy với SVM



- tìm siêu phẳng (Input hoặc Hilbert space)
 - đi qua tất cả các điểm với độ lệch chuẩn là epsilon

- Giới thiêu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển

Một lớp với SVM



- tìm siêu cầu (Input hoặc Hilbert space)
 - tâm o bán kính nhỏ nhất r
 - chứa hầu hết các điểm dữ liệu

- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- Úng dụng của SVM
- Kết luận và hướng phát triển

- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- <u>ứng dụng của SVM</u>
- kết luận và hướng phát triển

Ứng dụng của SVM

- tham khảo, (Guyon, 1999)
 - http://www.clopinet.com/isabelle/Projects/SVM/applist.html
 - nhận dạng: tiếng nói, ảnh, chữ viết tay (hơn mạng nơron)
 - phân loại văn bản, khai mỏ dữ liệu văn bản
 - phân tích dữ liệu theo thời gian
 - phân tích dữ liệu gien, nhận dạng bệnh, công nghệ bào chế thuốc
 - phân tích dữ liệu marketing
 - etc.

- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- <u>ứng dụng của SVM</u>
- kết luận và hướng phát triển

SVM nhận dạng số viết tay



Figure 2. The first 100 USPS training images, with class labels.

- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- **<u>úng dụng của SVM</u>**
- kết luận và hướng phát triển

SVM nhận dạng số viết tay

The US Postal Service (USPS) database (see Figure 2) contains 9298 handwritten digits (7291 for training, 2007 for testing), collected from mail envelopes in Buffalo (LeCun et al., 1989). Each digit is a 16×16 image, represented as a 256-dimensional vector with entries between -1 and 1. Preprocessing consisted of smoothing with a Gaussian kernel of width $\sigma = 0.75$.

It is known that the USPS test set is rather difficult — the human error rate is 2.5% (Bromley and Säckinger, 1991). For a discussion, see

C4.5 decision tree	16%	(Cortes and Vapnik, 1995)
LeNet1	5%	(LeCun et al., 1989)
SVM	4%	(Schölkopf et al., 1995)
SVM + invariances	3%	(Schölkopf, 1997)
Humans; Tangent Distance	2.5%	(Simard et al., 1993)

- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- **<u>úng dụng của SVM</u>**
- kết luận và hướng phát triển

SVM nhận số viết tay

MNIST Error Rates

handwritten character benchmark (60000 training & 10000 test examples, 28×28)

Classifier	test error
linear classifier	8.4%
3-nearest-neighbour	2.4%
SVM	1.4%
Tangent distance	1.1%
LeNet4	1.1%
Boosted LeNet4	0.7%
Translation invariant SVM	0.56%

Note: the SVM used a polynomial kernel of degree 9, corresponding to a feature

- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- **<u>úng dụng của SVM</u>**
- kết luận và hướng phát triển

SVM phân loại text (reuters)

Table 1. Break-even performance for five learning algorithms.

	Findsim (%)	Naive Bayes (%)	Bayes N ets (%)	Trees (%)	LinearSVM (%)
earn	92.9	95.9	95.8	97.8	98.0
acq	64.7	87.8	88.3	89.7	93.6
money-fx	46.7	56.6	58.8	66.2	74.5
grain	67.5	78.8	81.4	85.0	94.6
crude	70.1	79.5	79.6	85.0	88.9
trade	65.1	63.9	69.0	72.5	75.9
interest	63.4	64.9	71.3	67.1	77.7
ship	49.2	85.4	84.4	74.2	85.6
wheat	68.9	69.7	82.7	92.5	91.8
corn	48.2	65.3	76.4	91.8	90.3
Avg. top 10	64.6	81.5	85.0	88.4	92.0
Avğ. all	61.7	75.2	80.0	N/A	87.0

- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- <u>ứng dụng của SVM</u>
- kết luận và hướng phát triển

SVM phân loại gen

Table 2. Results for the perceptron using all features

Dataset	Features	FP	FN	SVM FP	SVM FN
Ovarian I	97 802	4.6	4.8	5	3
Ovarian II	97 802	4.4	3.4	0	0
AML/ALL train	7 129	0.6	2.8	0	0
AML treatment	7 129	4.8	3.5	3	6
Colon	2 000	3.8	3.7	3	3

- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- Úng dụng của SVM
- Kết luận và hướng phát triển

- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển

Kết luận

- SVM + kernel methods
 - phương pháp học mới
 - cung cấp nhiều công cụ
 - nền tảng lý thuyết học thống kê
 - tối ưu toàn cục, mô hình chất lượng cao, chịu đựng được nhiễu
 - thành công trong nhiều ứng dụng
- hạn chế
 - khó dịch kết quả
 - độ phức tạp vẫn cao
 - xử lý dữ liệu kiểu số
 - tham số đầu vào

- Giới thiệu về SVM
- Giải thuật học của SVM
- ứng dụng của SVM
- kết luận và hướng phát triển

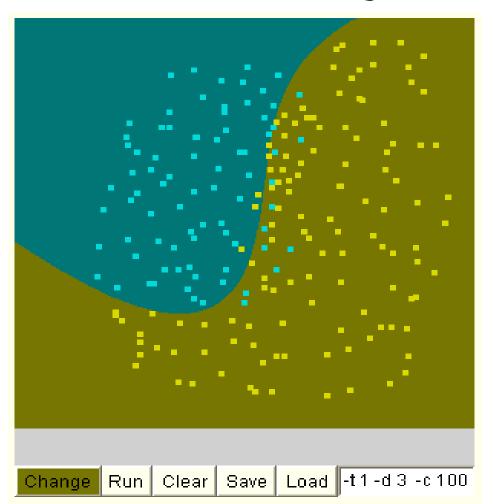
Hướng phát triển

- hướng phát triển
 - multi-class
 - clustering
 - xử lý dữ liệu lớn
 - dữ liệu không phải kiểu số
 - dữ liệu không cân bằng
 - xây dựng hàm nhân
 - dịch kết quả
 - tìm kiếm thông tin (ranking)

DEMO chương trình



www.csie.ntu.edu.tw/~cjlin/libsvm



LibSVM

■ định dạng dữ liệu

label att-i:val-i att-n:val-n

■ ví dụ

1 1:-0.555556 2:0.25 3:-0.864407 4:-0.916667

1 1:-0.666667 2:-0.166667 3:-0.864407 4:-0.916667

1 1:-0.777778 3:-0.898305 4:-0.916667

2 1:0.111111 2:-0.583333 3:0.322034 4:0.166667

2 1:-1.32455e-07 2:-0.333333 3:0.254237 4:-0.0833333

3 1:0.222222 2:-0.166667 3:0.525424 4:0.416667

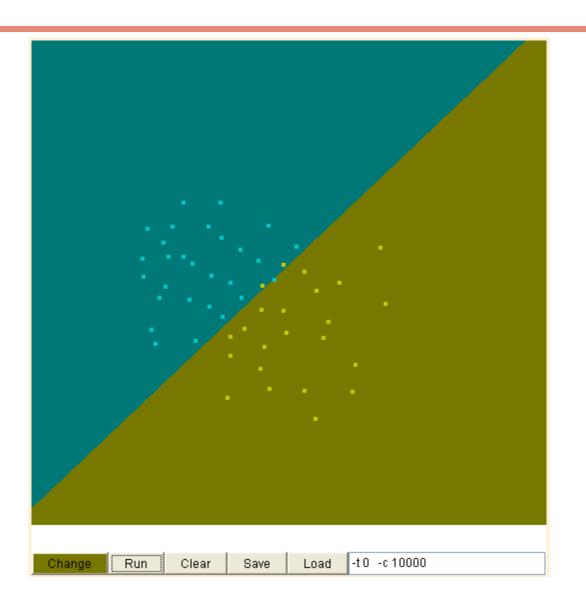
3 1:0.888889 2:0.5 3:0.932203 4:0.75

3 1:0.888889 2:-0.5 3:1 4:0.833333

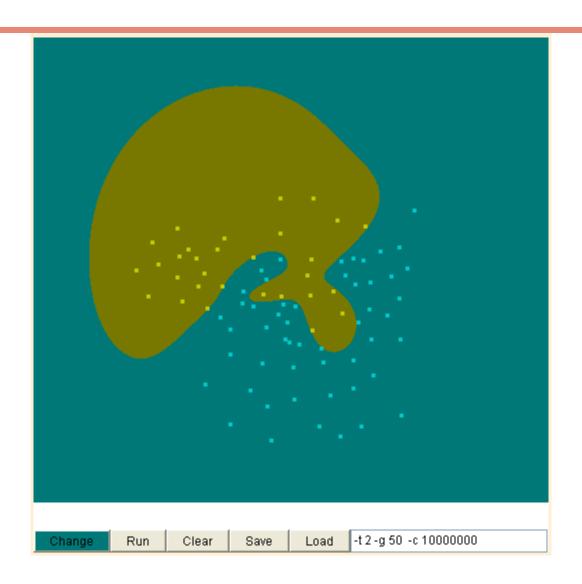
LibSVM

- tùy chọn
 - -s svm_type (default 0) : 0 (SVC), 1 (nu-SVC), 2 (one-class), 3 (epsilon-SVR), 4 (nu-SVR)
 - -t kernel_type (default 2) : 0 (lin), 1 (poly), 2 (RBF), 3 (sigmoid)
 - -d degree (default 3) : polynomial kernel
 - -g gamma (default 1/#attr) : RBF kernel
 - -c cost (default 1) : C-SVC, epsilon-SVR, nu-SVR
 - -p epsilon (default 0.1) : epsilon-SVR
 - -v num fold : kiểm tra chéo

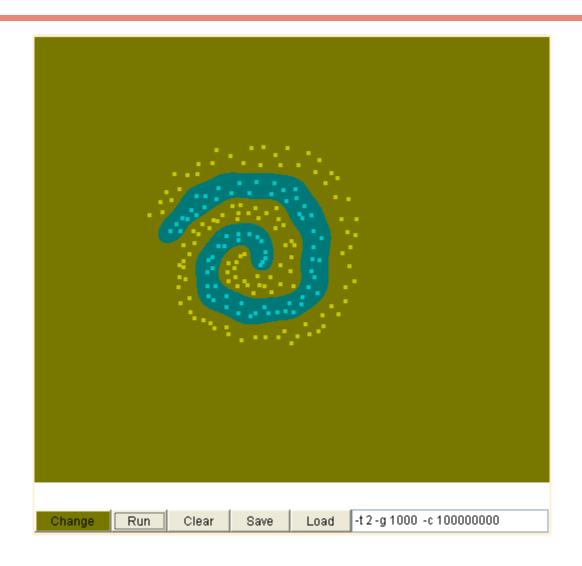
Test (2d)



Test (2d)



Test (2d)



Tập dữ liệu

- UCI (Asuncion & Newman, 2007)
 - *Spambase, 4601 ind., 57 att., 2 classes (spam, non)
 - *Image Segmentation, 2310 ind., 19 att., 7 classes
 - Landsat Satellite, 6435 ind. (4435 tập học, 2000 tập kiểm tra), 36 att., 6 classes
 - Reuters-21578, 10789 ind. (7770 tập học, 3019 tập kiểm tra), 29406 att., 2 classes (earn, rest)
- Bio-medicales (Jinyan & Huiqing, 2002)
 - ALL-AML Leukemia, 72 ind. (38 tập học, 34 tập kiểm tra),
 7129 att., 2 classes (ALL, AML)
 - Lung Cancer, 181 ind. (32 tập học, 149 tập kiểm tra), 12533 attr., 2 classes (cancer, normal)

41

k-fold

it 1:
it 2:
test train train
it 10:

train train

- Spambase (spam=1, non-spam=2)
 - nghi thức kiểm tra: 10-fold
 - linear kernel
 - lệnh : svm-train -t 0 -c 10 -v 10 spambase.scale
- kết quả

```
matrix confusion
-----

1 2
1 1618 195
2 134 2654
Cross Validation Accuracy = 92.8494%
```

■ Image Segmentation

- nghi thức kiểm tra: 10-fold
- RBF kernel
- lệnh : svm-train -t 2 -g 0.0002 -c 10000 -v 10 segment.data

■ kết quả

matrix	confusion						
	1	2	3	4	5	6	7
1	328	0	0	1	1	0	0
2	0	330	0	0	0	0	0
3	0	0	311	5	14	0	0
4	2	0	8	310	9	1	0
5	1	0	10	8	311	0	0
6	0	0	0	0	0	330	0
7	0	0	0	0	0	0	330
Cross	Validation	Accu	racy =	97.4026%			

Landsat Satellite

- tập học sat.trn, tập kiểm tra sat.tst
- RBF kernel
- lệnh : svm-train -t 2 -g 0.001 -c 100000 sat.train sat.rbf

■ kết quả

matrix	confus	ion									
	1	2	3	4	5	6	7				
1	452	3	3	0	3	0	0				
2	0	221	0	0	1	0	2				
3	3	4	367	16	2	0	5				
4	0	5	30	148	1	0	27				
5	0	4	0	1	224	0	8				
6	0	0	0	0	0	0	0				
7	0	3	10	17	11	0	429				
Accuracy = 92.05%		.05% (18	(1841/2000)		(classification)						

- Reuters-21578 (earn=1, rest=2)
 - tập học r.trn, tập kiểm tra r.tst
 - linear kernel
 - lệnh : svm-train -t 0 -c 1000 r.trn r.lin
- kết quả

```
matrix confusion
-----
1 2
1 1079 8
2 34 1898
Accuracy=98.608811
```

- ALL-AML Leukemia (ALL=1, AML=2)
 - tập học allaml.trn, tập kiểm tra allaml.tst
 - linear kernel
 - lệnh : svm-train -t 0 -c 1000000 allaml.trn allaml.lin
- kết quả

```
matrix confusion
-----
1 2
1 19 1
2 0 14
Accuracy=97.058824
```

- Lung Cancer (cancer=1, normal=2)
 - tập học lung.trn, tập kiểm tra lung.tst
 - linear kernel
 - lệnh : svm-train -t 0 -c 1000000 lung.trn lung.lin
- kết quả

```
matrix confusion
-----

1 2
1 15 0
2 2 132
Accuracy=98.657718
```

