Санкт-Петербургский Политехнический Университет Петра Великого Физико-механический институт Кафедра прикладной математики и вычислительной физики

Отчёт по лабораторной работе №2 по дисциплине «Многомерный статистический анализ»

Выполнил студент гр. 5030102/90401: Саськов Л.К.

Преподаватель: к.ф.-м.н., доцент, Павлова Л.В.

Санкт-Петербург

Постановка задачи:

Требуется построить и протестировать классификатор многомерных объектов на основе дискриминантного анализа при наличии обучающей выборки: а) из модельных данных б) из репозитория

а) выборка из модельных данных

Построение дискриминантной функции по обучающей выборке, классификация тестовой выборки

Бинарный классификатор должен быть протестирован для двух случаев: хорошо и плохо разделенные данные, распределенные по закону многомерного нормального распределения размерности p=3.

Для каждого случая по отдельности должны быть заданы различные векторы средних и равные матрицы ковариаций. Хорошо и плохо разделенные данные будем выбирать, меняя матрицу ковариций.

Хорошо разделенные данные:

OB1:

$$x \sim N(\mu^{(1)}, \Sigma_{good})$$

OB2:

$$x \sim N(\mu^{(2)}, \Sigma_{good})$$

Плохо разделенные данные:

OB1:

$$x \sim N(\mu^{(1)}, \Sigma_{bad})$$

OB2:

$$x \sim N(\mu^{(2)}, \Sigma_{bad})$$

Подключим необходимые для исследования пакеты:

```
In [1]: from scipy.stats import multivariate_normal, norm
   import matplotlib.pyplot as plt
   import numpy as np
   from sklearn.metrics import confusion_matrix, ConfusionMatrixDisplay
```

Создадим набор необходимых функций для построения классификатора. Для большего удобства функции были "упакованы" в класс **MyClassificator**.

Основной для классификации является функция calc_estimates, в ней рассчитываются оценки средних

$$\mu^{(k)} o \hat{\mu}^{(k)}, \qquad \hat{\mu}^{(k)}_j = rac{1}{n_k} \sum_{i=1}^{n_k} x_{ij}, \quad k=1,2$$

и оценка матрицы ковариаций

$$S^{(k)}=(s_{lj}^{(k)}), \hspace{5mm} l,j=\overline{1,3}, k=1,2$$
 $s_{lj}^{(k)}=rac{1}{n_k-1}\sum_{i=1}^{n_k}(x_{il}^{(k)}-\hat{\mu}_l^{(k)})(x_{ij}^{(k)}-\hat{\mu}_j^{(k)}), \hspace{5mm} k=1,2$ $\Sigma o S, \hspace{5mm} S=rac{1}{n_1+n_2-2}[(n_1-1)S^{(1)}+(n_2-1)S^{(2)}]$

оценка вектора lpha:

$$lpha
ightarrow \hat{lpha} = \mathbf{a}, \qquad lpha = \Sigma^{-1}(\mu^{(1)} - \mu^{(2)})
ightarrow \mathbf{a} = S^{-1}(\hat{\mu}^{(1)} - \hat{\mu}^{(2)})$$

а также оценки средних дискриминатной функции

$$egin{aligned} \xi_k
ightarrow \overline{z}^{(k)} = \langle \hat{\mu}^{(k)}, \mathbf{a}
angle, & k = 1, 2 \end{aligned}$$

и дисперсии

$$\sigma_z^2
ightarrow s_z^2 = \sum_{l=1}^3 \sum_{j=1}^3 a_l s_{lj} a_j$$

```
In [4]: class MyClassificator():
            def init (self, mean1, mean2, cov, q1, size, test set=None):
                 self.sample1 = []
                 self.sample2 = []
                 self.m1 = mean1
                 self.m2 = mean2
                 self.cov = cov
                 self.q1 = q1
                 self.q2 = 1 - q1
                 self.n1 = int(size * q1)
                 self.n2 = size - self.n1
                 self.test set = test set
                 self.m1 = [] # Выборочная оценка
                 self.m2 = [] # Выборочная оценка
                 self.cov_ = [] # Выборочная оценка
                 self.alpha = []
                 self.mz1 = 0 # средние z (их полусумма используется для определения порога)
                 self.mz2 = 0
                 self.z_var = 0
            def generate sample(self):
                 self.sample1 = multivariate_normal(mean=self.m1, cov=self.cov).rvs(s
                 self.sample2 = multivariate_normal(mean=self.m2, cov=self.cov).rvs(s
            def calc estimates(self):
```

```
samples mean
    self.m1 = np.mean(self.sample1, axis=0)
    self.m2 = np.mean(self.sample2, axis=0)
    # default normalization with N-1
    self.cov = (np.cov(self.sample1.T) + np.cov(self.sample2.T)) / 2
    self.alpha = np.linalg.inv(self.cov ) @ (self.m1 - self.m2 )
            mean of discriminant function
    self.mz1 = np.dot(self.alpha, self.m1)
    self.mz2_ = np.dot(self.alpha, self.m2_)
             variance of discriminant function
    self.z var = self.alpha @ self.cov @ self.alpha
def makhalanobis(self, unbiased=False):
    makh = (self.mz1 - self.mz2 ) ** 2 / self.z var
    if unbiased:
        p = len(self.m1)
        makh = ((self.n1 + self.n2 - p - 3) /
                (self.n1 + self.n2 - 2) * makh - p * (1 / self.n1 + 1 / 
    return makh
def calc errors(self, D):
    K = np.log(self.q2 / self.q1)
    F = lambda x: norm.cdf(x)
    return {"p21": F((K - 0.5 * D ** 2) / D), "p12": F((-K - 0.5 * D **
def specify test set(self, create new=False):
    if create new:
        print("Creating test set")
        test1 = multivariate normal(mean=self.m1, cov=self.cov).rvs(self
        test2 = multivariate normal(mean=self.m2, cov=self.cov).rvs(self
        test1 = self.sample1
        test2 = self.sample2
    self.test set = np.vstack([test1, test2])
    return np.hstack([np.zeros(self.n1), np.ones(self.n2)])
# Возвращает массив ответов-предсказаний
def predict(self, test set=None):
    if not test set:
        test_set = self.test_set
    if test_set is None:
        print("Warning!\n\tTest set not specified!")
        return
              (\ksi1 + \ksi2) / 2
    threshold = (self.mz1 + self.mz2 ) / 2
    lnq1q2 = np.log(self.q2 / self.q1)
    threshold += lnq1q2
    # Массив ответов (предсказаний)
    predict = []
    for instance in test set:
        if np.dot(self.alpha, instance) >= threshold:
            predict.append(0)
        else:
           predict.append(1)
    return predict
```

Зададим размер обучающей выборки $n_1=1000$, $n_2=1000$, векторы средних m_1 и m_2 , матрицы ковариаций для хорошо и плохо разделимых данных - s_{good} и s_{bad} соответственно.

Создадим классы исследований. Сгенерируем обучающие выборки и тестовые выборки. Размер тестовой выборки $n_{\scriptscriptstyle \rm T}=2000$, выборка содержит равное число элементо из 1 и 2 классов.

```
In [6]: R_good = MyClassificator(m1, m2, s_good, q1, n)
    R_bad = MyClassificator(m1, m2, s_bad, q1, n)
    R_good.generate_sample()
    R_bad.generate_sample()
    true_good = R_good.specify_test_set(create_new=True)
    true_bad = R_bad.specify_test_set(create_new=True)
```

Creating test set Creating test set

Рассчитаем необходимые для классификатора величины.

```
In [7]: R_good.calc_estimates()
    R_bad.calc_estimates()
```

Получим предсказания следующим образом:

Если

$$\sum_{j=1}^p a_j x_j = \langle \mathbf{a}, x
angle \geq rac{\overline{z}^{(1)} + \overline{z}^{(2)}}{2} + ln rac{q_2}{q_1}$$

то относим экземпляр тестовой выборки к 1 классу - иначе к 2 классу.

 q_1 , q_2 - отсносительная частота 1 и 2 класса в обучающей выборке. В данном случае $q_1=q_2=0.5$.

```
In [8]: predict_good = R_good.predict()
    predict_bad = R_bad.predict()
```

Рассчитаем эмпирическую вероятность ошибочной классификации:

$$P_{\scriptscriptstyle \ni}(1|2) = \frac{m_2}{n_2}$$

 m_2 - количество элементов 2 класса, которых классификатор определил как 1 класс

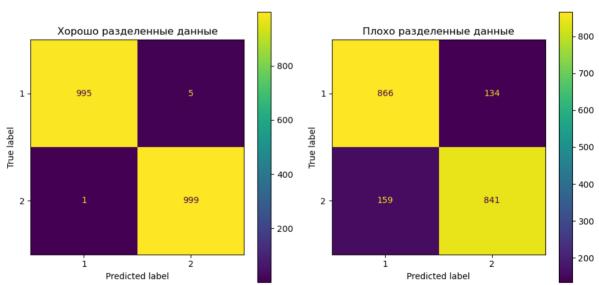
$$P_{\scriptscriptstyle
eg}(2|1) = rac{m_1}{n_1}$$

 m_1 - количество элементов 1 класса, которых классификатор определил как 2 класс

И построим четырехпольную таблицу сопряженности.

```
In [9]:
        cm good test = confusion matrix(true good, predict good)
         cm bad test = confusion matrix(true bad, predict bad)
         def confusion matrix report(cm good, cm bad, suptitle: str, err name: str, R
             fig, ax = plt.subplots(1, 2, figsize=(10, 5))
             ConfusionMatrixDisplay(cm good, display labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[0]
             ax[0].set title("Хорошо разделенные данные")
             ConfusionMatrixDisplay(cm bad, display labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[1])
             ax[1].set title("Плохо разделенные данные")
             fig.suptitle(suptitle)
             fig.tight layout()
             plt.show()
             print(err name + ":")
             _, m21, m12, _ = cm_good.ravel()
             print(f"\tXopoшo paзделенные данные: \n\t\tP(1|2) = \{m12 / R good.n2\}, P(2|
             _, m21, m12, _ = cm_bad.ravel()
             print(f"\tПлохо разделенные данные: \t^{1}_2 = \{m12 / R \ bad.n2\}, P(2|1)
        confusion matrix report(cm good test, cm bad test, suptitle='Тестовые данные',
                                  err name='Эмпирическая вероятность ошибочной классификации'
```





Эмпирическая вероятность ошибочной классификации:

Хорошо разделенные данные: $P(1 \mid 2) = 0.001, \ P(2 \mid 1) = 0.005$ Плохо разделенные данные: $P(1 \mid 2) = 0.159, \ P(2 \mid 1) = 0.134$

Исследование классификации исходной обучающей выборки

Укажем тестовую выборку (без аргумента create_new=True в методе specify_test_set() в качестве классифицируемых указываются исходные

обучающие выборки)

```
In [10]: true_good = R_good.specify_test_set()
    true_bad = R_bad.specify_test_set()
    predict_good = R_good.predict()

predict_bad = R_bad.predict()
```

Рассчитаем оценки вероятностей ошибочной классификации:

$$\hat{P}(1|2) = \frac{m_2}{n_2}$$

 m_2 - количество элементов 2 класса, которых классификатор определил как 1 класс

$$\hat{P}(2|1) = \frac{m_1}{n_1}$$

 m_1 - количество элементов 1 класса, которых классификатор определил как 2 класс

И построим четырехпольную таблицу сопряженности.

А также (чтобы было удобно сравнивать) вновь выведем четырехпольную таблицу и эмпирические вероятности по итогам классификации тестовой выборки.

С той же целью сразу выведем несмещенную оценку расстояния Махаланобиса:

$$D_{_{
m H}}^2 = rac{n_1 + n_2 - p - 3}{n_1 + n_2 - 2} D^2 - p (rac{1}{n_1} + rac{1}{n_2}), \hspace{0.5cm} p = 3.$$

где

$$D^2 = rac{(\overline{z}^{(1)} - \overline{z}^{(2)})^2}{s_z^2}$$

И оценки вероятностей ошибочной классификации для каждого класса:

$$\hat{P}(2|1) = \Phiigg(rac{K - rac{1}{2}D_{\scriptscriptstyle ext{H}}^2}{D_{\scriptscriptstyle ext{H}}}igg)$$

$$\hat{P}(1|2) = \Phiigg(rac{-K - rac{1}{2}D_{\scriptscriptstyle \mathrm{H}}^2}{D_{\scriptscriptstyle \mathrm{H}}}igg)$$

$$\Phi(y) = rac{1}{\sqrt{2\pi}}\int\limits_{-\infty}^{y}e^{-rac{t^2}{2}}dt$$

$$K=lnigg(rac{q_2c(1|2)}{q_1c(2|1)}igg)$$

Где c(1|2), c(2|1) - стоимости ошибочной классификации

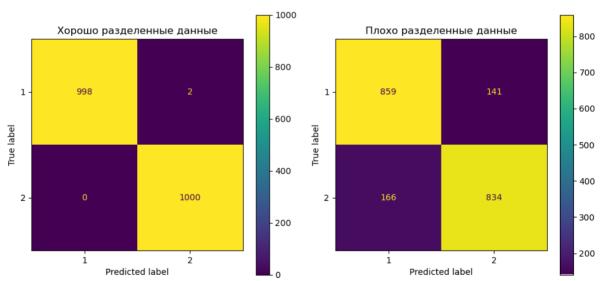
В нашем случае $q_1=q_2=0.5$, а c(1|2)=c(2|1) так как задача не предполагает выделения важности конкретной ошибки. Следовательно K=0.

Также посчитаем вероятность ошибочной классификации, которая минимизируется в ходе Байесовской процедуры:

$$q_1\cdot\hat{P}(2|1)+q_2\cdot\hat{P}(1|2)$$

```
In [11]:
          cm good = confusion matrix(true good, predict good)
          cm bad = confusion matrix(true bad, predict bad)
          confusion_matrix_report(cm_good, cm_bad, suptitle='Обучающие данные',
                                   err name='Oценка вероятности ошибочной классификации', R g
          confusion matrix report(cm good test, cm bad test, suptitle='Тестовые данные',
                                    err name='Эмпирическая вероятность ошибочной классификации'
          print()
          for header, research in zip(["Хорошо разделенные данные:", "Плохо разделенные данны
                                        [R good, R bad]):
              print(header)
              makh = research.makhalanobis(unbiased=True)
              errors = research.calc errors(makh)
              print(f"\tHесмещенная оценка расстояния Maxaлaнобисa: {round(makh, 3)}", )
              print(f"\tOценки ошибочной классификации: P(2|1) = {round(errors['p21'], 3)}
              print(f"Вероятность ошибочной классификации: {round(research.q1 * errors['p21
```

Обучающие данные



Оценка вероятности ошибочной классификации:

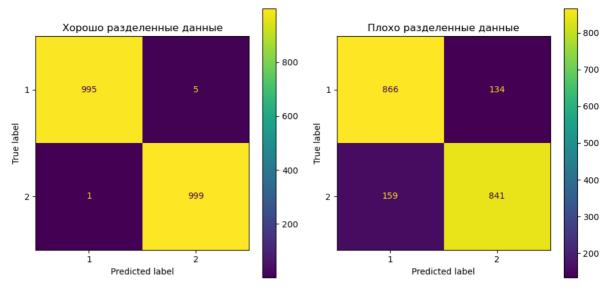
Хорошо разделенные данные:

$$P(1|2) = 0.0, P(2|1) = 0.002$$

Плохо разделенные данные:

$$P(1|2) = 0.166, P(2|1) = 0.141$$

Тестовые данные



Эмпирическая вероятность ошибочной классификации:

Хорошо разделенные данные:

$$P(1|2) = 0.001$$
, $P(2|1) = 0.005$
Плохо разделенные данные:
 $P(1|2) = 0.159$, $P(2|1) = 0.134$

Хорошо разделенные данные:

Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: 5.984

Оценки ошибочной классификации: P(2|1) = 0.001 P(1|2) = 0.001

Вероятность ошибочной классификации: 0.001

Плохо разделенные данные:

Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: 2.102

Оценки ошибочной классификации: Р(2 | 1) = 0.147

P(1|2) = 0.147

Вероятность ошибочной классификации: 0.147

Сравнительный анализ

Заметим, что и для тестовой выборки, и для обучающих данных, классикация хорошо разделенных данных получается качественнее - эмипирическая вероятность ошибочной классификации и ее оценка в обоих случаях ниже нежели в случае плохо разделенных данных.

Что и требовалось ожидать - расстояние Махалонобиса меньше, а оценки вероятностей ошибочной классификации больше в случае плохо разделенных данных.

б) выборка из данных репозитория

Построение дискриминантной функции по обучающей выборке, классификация тестовой выборки

Исследуем качество классификации на данных датасета *german-numeric*. Размер датасета - 1000, 700 из них принадлежит классу №1, 300 - №2. Число признаков - 24.

```
In [14]: class CreditClassificator:
    def __init__(self, x, y, train_coef):
```

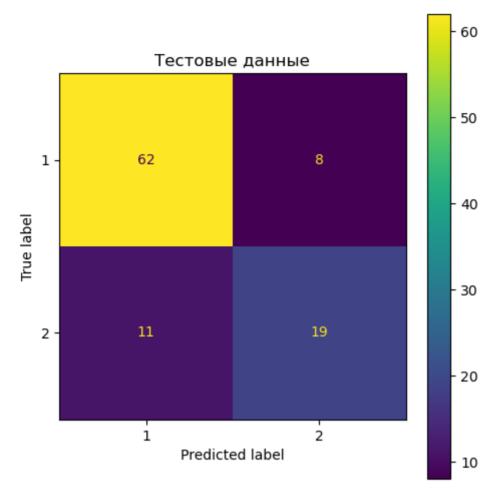
```
logging = True
        self.X = x
        self.Y = y
        self.sample1 = self.X[self.Y == 1]
        self.sample2 = self.X[self.Y == 2]
        size1 = len(self.sample1)
        size2 = len(self.sample2)
        if logging:
                print(f"Всего данных: \t\t1: {size1} \t2: {size2}")
        self.train1 = self.sample1[:int(train coef * size1)]
        self.train2 = self.sample2[:int(train coef * size2)]
        self.train trueY = np.hstack([np.ones(len(self.train1)), np.full(len
        self.train set = np.vstack([self.train1, self.train2])
        self.train_n1 = len(self.train1)
        self.train_n2 = len(self.train2)
        self.test1 = self.sample1[int(train coef * size1):]
        self.test2 = self.sample2[int(train coef * size2):]
        # true targets
        self.test trueY = np.hstack([np.ones(len(self.test1)), np.full(len(s
        self.test_set = np.vstack([self.test1, self.test2])
        self.test n1 = len(self.test1)
        self.test n2 = len(self.test2)
        if logging:
                print(f"Тренировочные данные: \t1: {len(self.train1)} \t2: {len(sel
                print(f"Тестовые данные: \t1: {len(self.test1)} \t2: {len(self.tes
        self.q1 = len(self.train1) / (len(self.train1) + len(self.train2))
        self.q2 = 1 - self.q1
        if logging:
                print(f"q1 = {self.q1}, \tq2 = {round(self.q2, 2)}")
def calc estimates(self):
        #
                          samples mean
        self.m1 = np.mean(self.train1, axis=0)
        self.m2 = np.mean(self.train2, axis=0)
                           specify covariance matrix for samples
                          assuming that cov1 approximately equal cov2
        self.cov = ((len(self.train1) - 1) * np.cov(self.train1.T) + (len(s
                self.train2.T)) / (len(self.train1) + len(self.train2) - 2)
        self.alpha = np.linalg.inv(self.cov_) @ (self.m1_ - self.m2_)
                         mean of discriminant function
        self.mz1 = np.dot(self.alpha, self.m1)
        self.mz2_ = np.dot(self.alpha, self.m2 )
                           variance of discriminant function
        self.z_var = self.alpha @ self.cov_ @ self.alpha
def makhalanobis(self, unbiased=False):
       makh = (self.mz1_ - self.mz2_) ** 2 / self.z_var
        if unbiased:
                p = len(self.m1)
               n1 = self.train n1
               n2 = self.train n2
                makh = ((n1 + n2 - p - 3) / (n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * makh - p * (1 / n1 + n2 - 2) * (1
        return makh
def calc errors(self, D):
```

```
K = np.log(self.q2 / self.q1)
    F = lambda x: norm.cdf(x)
    return {"p21": F((K - 0.5 * D ** 2) / D), "p12": F((-K - 0.5 * D **
def predict(self, predict_test_set=True):
    if predict test set:
        predict set = self.test set
    else:
        predict set = self.train set
    threshold = (self.mz1_ + self.mz2_) / 2
    lnq1q2 = np.log(self.q2 / self.q1)
    threshold += lnq1q2
    predict = []
    for instance in predict set:
        if np.dot(self.alpha, instance) >= threshold:
            predict.append(1)
        else:
            predict.append(2)
    return predict
```

Для обучения берем 90% данных датасета. 630 от 1-го класса, 270 от 2-го.

```
In [15]: x = []
         Y = []
         with open("german.data-numeric") as data:
             for string in data:
                  string = string.split()
                  x, y = string[:-1], string[-1]
                  X.append(np.array(list(map(lambda elem: float(elem), x))))
                  Y.append(int(y))
         X = np.array(X)
         Y = np.array(Y)
         repo classificator = CreditClassificator(X, Y, 0.9)
         repo classificator.calc estimates()
         Всего данных:
                                  1: 700 2: 300
         Тренировочные данные:
                                  1: 630 2: 270
         Тестовые данные: 1: 70 2: 30
         q1 = 0.7,
                         q2 = 0.3
```

|Найдем эмпирическую вероятность ошибочной классификации.



Эмпирические вероятности ошибочной классификации: P(1|2) = 0.367, P(2|1) = 0.114

Исследование классификации исходной обучающей выборки из репозитория

Вычислим оценки вероятностей ошибочной классификации, а также несмещенную оценку расстояние Махаланобиса, оценки вероятностей ошибочной классификации и вероятность совокупной ошибки классфикации по ранее упомянутым формулам 17-22.

Также для удобства сравнения выведем рядом четырехпольную таблицу сопряженности и эмпирические вероятности по итогам классификации тестовой выборки.

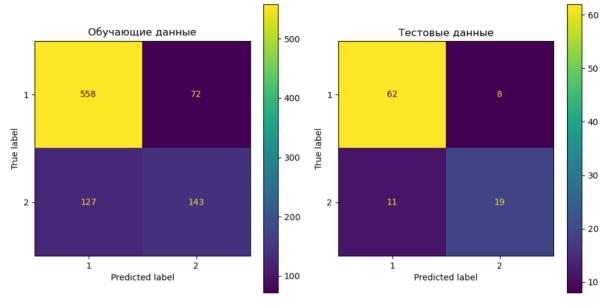
```
In [17]: predict = repo_classificator.predict(predict_test_set=False)

cm = confusion_matrix(repo_classificator.train_trueY, predict)

fig, ax = plt.subplots(1, 2, figsize=(10, 5))
ConfusionMatrixDisplay(cm, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[0])
ax[0].set_title("Обучающие данные")
ConfusionMatrixDisplay(cm_test, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[1])
ax[1].set_title("Тестовые данные")
fig.tight_layout()
plt.show()

_, m21, m12, _ = cm.ravel()
```

```
print(
    f"Oценки вероятностей ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {round(m12 / repo_
makh = repo_classificator.makhalanobis(unbiased=True)
errors = repo_classificator.calc_errors(makh)
print(f"Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: {round(makh, 3)}")
print(f"Oценки ошибочной классификации: P(1|2) = {round(errors['p12'], 3)} \t P(
print(
    f"Вероятность ошибочной классификации: {round(repo_classificator.q1 * errors[
print()
print(f"Эмпирические вероятности ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {p12_test},
```



```
Оценки вероятностей ошибочной классификации:
```

P(1|2) = 0.47, P(2|1) = 0.114Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: 1.198 Оценки ошибочной классификации: P(1|2) = 0.543Вероятность ошибочной классификации: 0.23

P(2|1) = 0.096

Эмпирические вероятности ошибочной классификации: P(1|2) = 0.367, P(2|1) = 0.114

Чтобы сразу перейти к отчету по классификации после понижения размерности нажмите **здесь**

Метод главных компонент

Исследование классификации тестовой выборки из репозитория с уменьшенной размерностью данных (РСА)

Попробуем предобработать данные. Сократим число признаков с помощью метода главных компонент.

Стандартизуем данные, вычислим несмещенную оценку матрицы ковариаций. Вычислим собственные значения и векторы. Отберем наиболее значимые признаки, домножив матрицу признаков на матрицу состоящую из собственных векторов, собственные числа которых удовлетворяют неравенству (правило Кайзера):

07.03.2023, 12:36

$$\lambda_i: rac{\lambda_i}{\sum\limits_{j=1}^{p=24} D[x_j]} = rac{\lambda_i}{trace(S)} > rac{1}{24}$$

Так как данные были стандартизированы, то отбор собственных чисел становится следующим:

$$\lambda_i:\lambda_i>1$$

```
In [18]: X = [1]
         Y = []
         with open("german.data-numeric") as data:
             for string in data:
                  string = string.split()
                  x, y = string[:-1], string[-1]
                  X.append(np.array(list(map(lambda elem: float(elem), x))))
                  Y.append(int(y))
         X = np.array(X)
         Y = np.array(Y)
         mean = np.mean(X, axis=0)
         covariance = np.cov(X.T)
         X centered = X - mean
         X stand = X centered / np.sqrt(np.diagonal(covariance))
         covariance = np.cov(X stand.T)
         eiges = np.linalg.eig(covariance)
         values, vectors = eiges
         eiges = sorted(list(zip(values, vectors.T)), key=lambda x: x[0], reverse=Tru
         vals = values[values > 1]
         print(f"Отобрали следующие {len(vals)} собственных чисел: {vals}")
         Отобрали следующие 10 собственных чисел: [2.51828975 2.12147659 1.85393992 1.703
         97873 1.63217357 1.32147521
          1.21521006 1.15970619 1.12146973 1.01054463]
```

Далее произведем перемножение матриц:

$$X[1000, 24] \cdot Transform[24, 10] = X_{new}[1000, 10]$$

Числа в скобках отображают размерности матриц. Матрица Transform[24,10] состоит из собственных векторов, соответствующих отобранным собственным значениям.

```
In [30]: transform_ = np.vstack(list([eiges[i][1] for i in range(10)]))
X_new = X_stand @ transform_.T + mean @ transform_.T

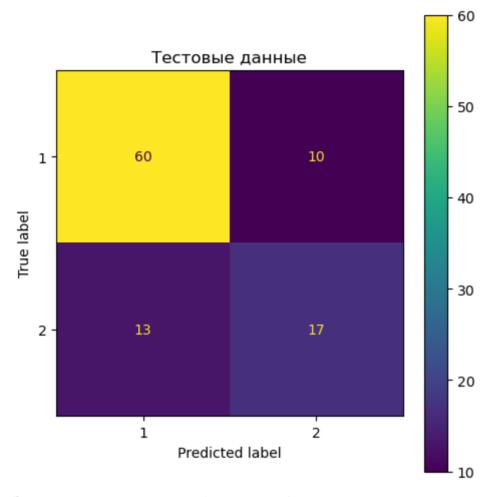
In [31]: credit_classificator_PCA = CreditClassificator(X_new, Y, 0.9)
credit_classificator_PCA.calc_estimates()

Всего данных: 1: 700 2: 300
Тренировочные данные: 1: 630 2: 270
Тестовые данные: 1: 70 2: 30
q1 = 0.7, q2 = 0.3

In [32]: predict = credit_classificator_PCA.predict(predict_test_set=True)
```

```
cm_test_pca = confusion_matrix(credit_classificator_PCA.test_trueY, predict)
fig, ax = plt.subplots(1, 1, figsize=(5, 5))
ConfusionMatrixDisplay(cm_test_pca, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax)
ax.set_title("Tecroвые данные")
fig.tight_layout()
plt.show()

_, m21, m12, _ = cm_test_pca.ravel()
p12_test_pca, p21_test_pca = round(m12 / credit_classificator_PCA.test_n2, 3
print(f"Эмпирические вероятности ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {p12_test_pc
```



Эмпирические вероятности ошибочной классификации: P(1|2) = 0.433, P(2|1) = 0.143

Исследование классификации исходной обучающей выборки из репозитория с уменьшенной размерностью данных (PCA)

```
In [33]: predict = credit_classificator_PCA.predict(predict_test_set=False)

cm = confusion_matrix(credit_classificator_PCA.train_trueY, predict)

fig, ax = plt.subplots(1, 2, figsize=(10, 5))

ConfusionMatrixDisplay(cm, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[0])

ax[0].set_title("Обучающие данные")

ConfusionMatrixDisplay(cm_test_pca, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[1]

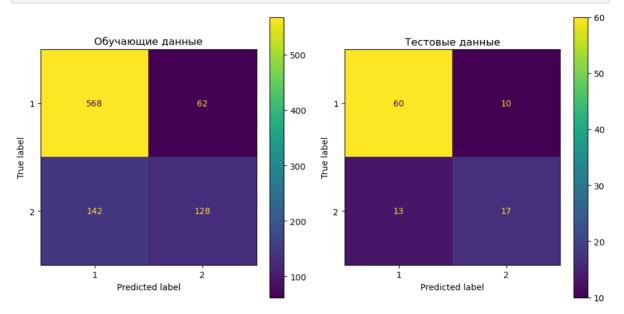
ax[1].set_title("Тестовые данные")

fig.tight_layout()

plt.show()

_, m21, m12, _ = cm.ravel()
```

```
print(
    f"Оценки вероятностей ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {round(m12 / credi
print(f"Эмпирические вероятности ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {p12_test_pc
```



```
Оценки вероятностей ошибочной классификации: P(1 \mid 2) = 0.526, \ P(2 \mid 1) = 0.098 Эмпирические вероятности ошибочной классификации: P(1 \mid 2) = 0.433, \ P(2 \mid 1) = 0.143
```

```
In [34]: makh = credit_classificator_PCA.makhalanobis(unbiased=True)
errors = credit_classificator_PCA.calc_errors(makh)
print(f"\tHесмещенная оценка расстояния Махаланобиса: {round(makh, 3)}")
print(f"\tOценки ошибочной классификации: P(1|2) = {round(errors['p12'], 3)} \t
print(
f"\tBероятность ошибочной классификации: {round(credit_classificator_PCA.q1 *
```

```
Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: 1.14 
Оценки ошибочной классификации: P(1|2) = 0.569 P(2|1) = 0.095 
Вероятность ошибочной классификации: 0.237
```

Выводы по РСА

Понижение размерности может уменьшить сложность вычислений, также можно использовать его для экономии трафика (если мы передаем эти признаки от клиента к серверу). Но уменьшив число признаков более чем в два раза, пришлось пожертвовать точностью разделения объектов по классам.

В данном случае вероятность ошибки второго класса приближается к 0.5, что создает сомнения в смысле использования такого классификатора - случайный выбор мог определять второй класс с тем же успехом.

Опираясь на совокупную вероятность ошибочной классификации, можем сделать вывод, что наш классификатор все же работает лучше случайной классификации. Вероятность ошибочной классификации, вычисленная по формулам 17-23, в случае исходных обучающих данных составляет 0.23, после понижения размерности ошибка незначительно возросла и стала равной 0.237.

Отметим, что $P_{\scriptscriptstyle \ni}(2|1)$, и $\hat{P}(2|1)$ маленькие, если в контексте задачи критически важным было бы не допускать ошибку отнесения 1го класса к 2му, то наш

классификатор бы хорошо справимся (например, 1 класс - наличие опухоли, а 2 - отсутствие, лучше перестраховаться и сказать, что опухоль есть, чтобы снимок посмотрел врач).

Заключение

- Убедились, что при плохо разделенных данных классификация с помощью дискриминантного анализа работает хуже
- Создали классификаторы на основе разных выборок, и подсчитали вероятности ошибочной классификации
- Понизили размерность векторов признаков с помощью метода главных компонент, несущественно потеряв в точности