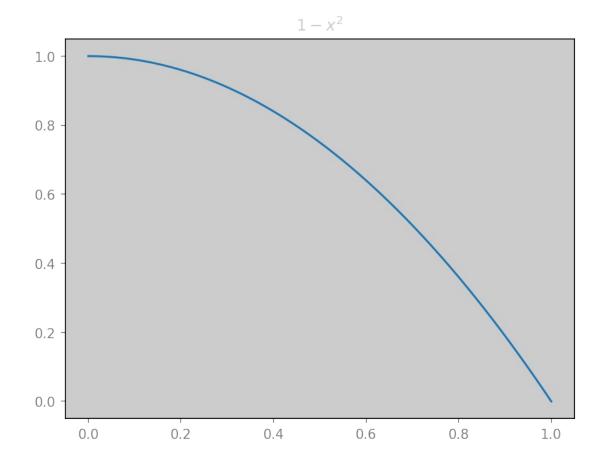
## Exercício avaliativo 1

## Introdução a Física Estatística e Computacional

```
Luís Felipe Ramos Ferreira - 2019022553
Igor Lacerda Faria da Silva - 2020041973
Gabriel Rocha Martins - 2019006639
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
from typing import Callable
ITERATIONS = 1000
SIZES = [10**2, 10**3, 10**4]
errors: list[float] = []
def calculo erro(values: np.ndarray, mean: float) -> float:
    variancia = np.square(values - mean).mean()
    desvio = np.sqrt(variancia)
    return desvio / np.sqrt(values.size)
def first method(inf: float, sup: float, funct, size: int, y max:
int):
    inside = 0
    for i in range(size):
        x = np.random.uniform(inf, sup, 1)
        y = np.random.uniform(0, y max, 1)
        expected y = funct(x)
        if expected_y > y:
            inside += 1
    return inside / size * y max * (sup - inf)
def second method(inf: float, sup: float, funct, size: int):
    mutiplier = (sup - inf) / size
    x = np.random.uniform(inf, sup, size)
    v = funct(x)
    return mutiplier * np.sum(y)
def choose_method(inf: float, sup: float, funct, size: int, y):
    if y is not None:
        return first method(inf, sup, funct, size, y)
    else:
        return second method(inf, sup, funct, size)
def plot hist iterate method(
    iterations: int, inf: float, sup: float, funct, size: int, y
```

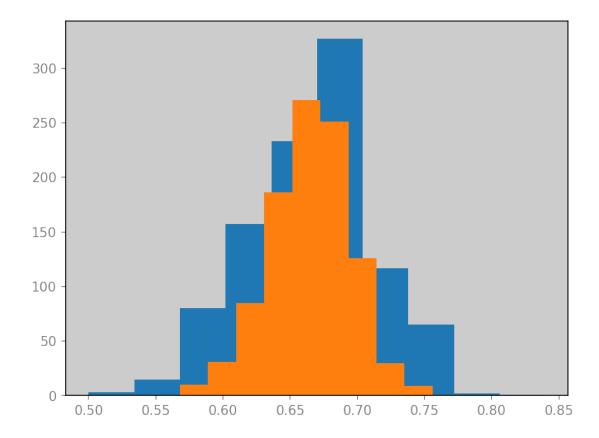
```
):
    data: np.ndarray = np.zeros(iterations)
    for i in range(iterations):
        data[i] = choose method(inf, sup, funct, size, y)
    plt.hist(data)
    return calculo_erro(data, data.mean())
def plot all(inf: float, sup: float, funct: Callable, y: float |
None):
    for size in SIZES:
        errors.append(plot hist iterate method(ITERATIONS, inf, sup,
funct, size, y))
        errors.append(plot_hist_iterate_method(ITERATIONS, inf, sup,
funct, size, None))
        plt.show()
Função 1
def plot 1():
    x = np.linspace(0, 1, 100)
    y = 1 - x**2
    plt.title("$1 - x^2$")
    plt.plot(x, y)
plot 1()
```

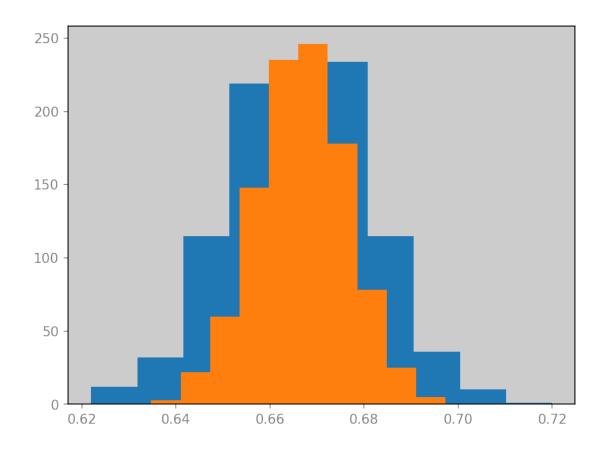


```
def funct_1(x: float) -> float:
    return 1 - x**2

INF_1 = 0
SUP_1 = 1
Y_MAX_1 = 1

plot_all(INF_1, SUP_1, funct_1, Y_MAX_1)
```



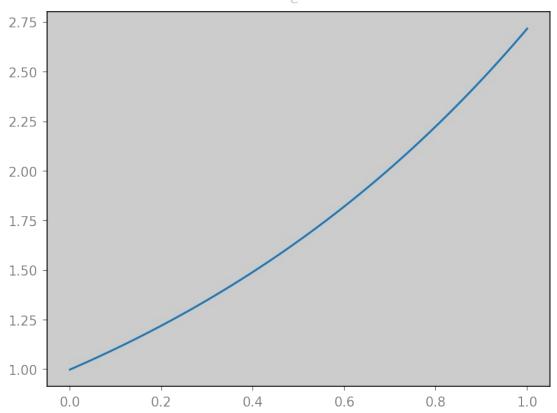


# Função 2

```
def plot_2():
    x = np.linspace(0, 1, 100)
    y = np.e**x
    plt.title("$e^x$")
    plt.plot(x, y)
```

plot\_2()

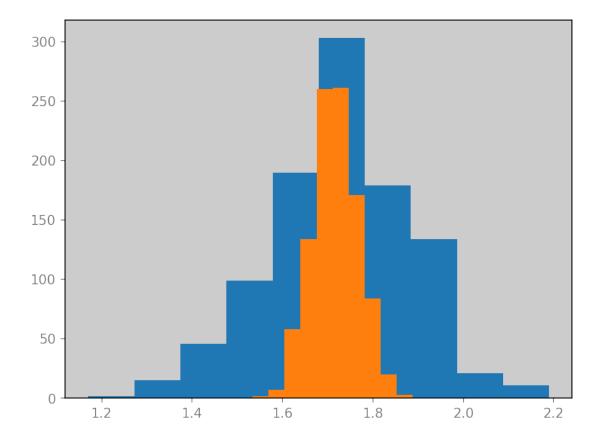


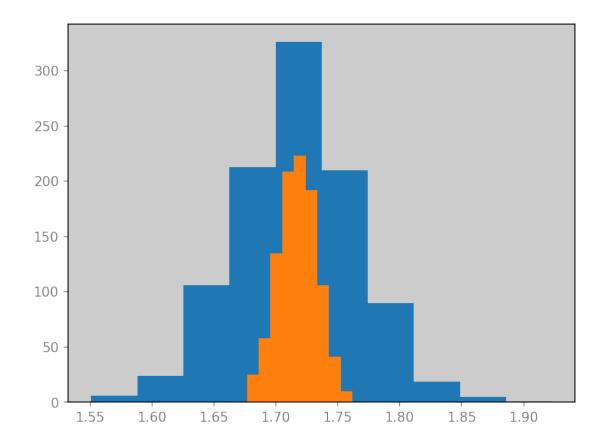


```
def funct_2(x: float) -> float:
    return np.e**x

INF_2 = 0
SUP_2 = 1
Y_MAX_2 = 3

plot_all(INF_2, SUP_2, funct_2, Y_MAX_2)
```

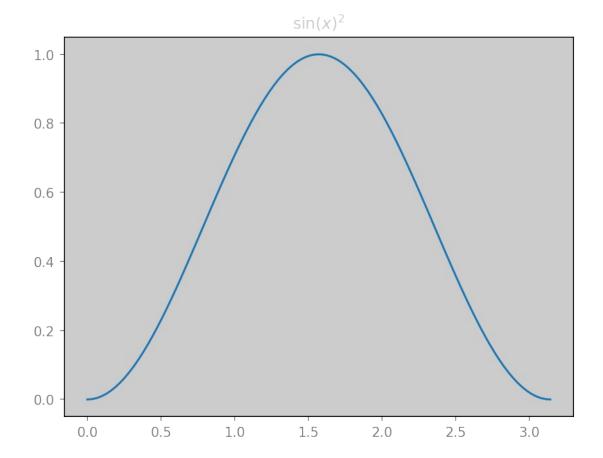




# Função 3

```
def plot_3():
    x = np.linspace(INF_3, SUP_3, 100)
    y = np.sin(x) ** 2
    plt.title("$\sin(x)^2$")
    plt.plot(x, y)
```

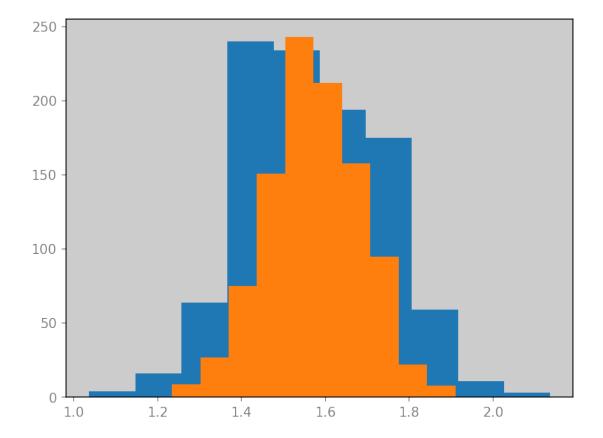
plot\_3()

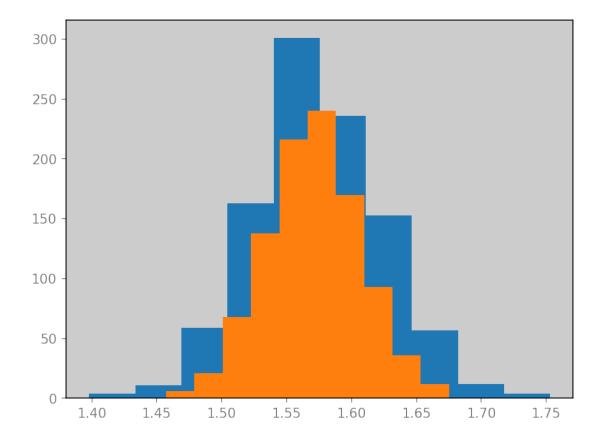


```
def funct_3(x: float) -> float:
    return np.sin(x) ** 2

INF_3 = 0
SUP_3 = np.pi
Y_MAX_3 = 1

plot_all(INF_3, SUP_3, funct_3, Y_MAX_3)
```





Em primeiro lugar, como esperado pelo Teorema do Limite Central, a distribuição dos valores gerados nos histogramas se aproxima de uma distribuição normal, com a média muito próxima do valor analítico. Além disso, em todos os casos, o método 2 apresentou um conjunto de resultados cujos valores possuem um desvio padrão menor do que os gerados pelo método 1, o que nos leva a inferir que ele teve um desempenho mais promissor na estimativa das integrais. Entretanto, devemos tentar entender o porque disso.

As funções testadas com o método 1, de amostragem de pontos abaixo da curva, possuem "uma camada de aleatoriedade maior" do que as testadas com o método 2, uma vez que devemos gerar pontos aleatórios, sendo que estes possuem coordenadas x e y. O método de Monte Carlo, utilizando o valor médio, seleciona aleatoriamente apenas o valor de x, tornando sua distribuição de valores menos incerta. Assim, o desvio padrão do segundo método se mostra menor.

#### errors

- [0.0014529965932513398,
- 0.000958959655707058,
- 0.00046545579811621204,
- 0.00030452231875829965,

```
0.004893638768850843,
0.0015889015744777585,
0.0015323730743523245,
0.0004927274046957432,
0.0049835577493283125,
0.003568028373584547,
0.0015647162467785592,
0.0011427551381058805]
```

#### **Erros**

O cálculo dos erros estimativos seguiram o que era esperado: quanto maior o número de valores gerados para estimar a integral, menor será a diferença entre a estimativa e o valor analítico. É importante salientar que os erros foram calculados considerando que não há correlação entre os valores gerados, ou seja, assumimos que o gerador de números aleatórios é perfeito. Na prática esse pode não ser o caso, mas o gerador de números aleatório da biblioteca Numpy garante um alto nível de independência entre os números gerados.

## Exercício 4

Neste exercício utilizaremos o método 2 de Monte Carlo para aproximar o valor de um integral em 9 dimensões

```
def funct_4(x: list):
    return 1 / ((x[0] + x[1]) * x[2] + (x[3] + x[4]) * x[5] + (x[6] +
x[7]) * x[8])
```

Criando função que generaliza a aplicação do método 2 (MonteCarlo) para esse caso

```
def MonteCarlo_9d(N, funct: Callable):
    acumulador = 0
    for i in range(N):
        acumulador = acumulador + funct(np.random.uniform(0, 1, 9))
    return acumulador / N
```

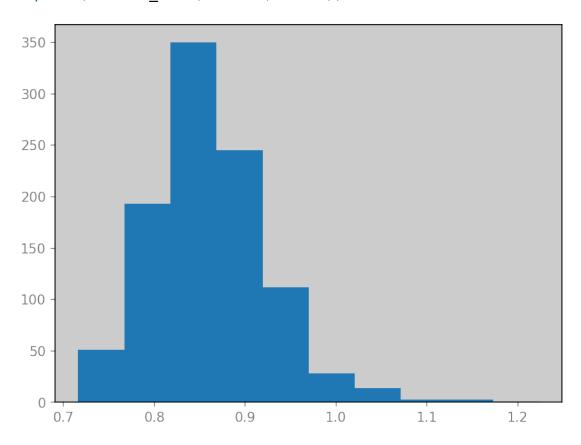
Usando função para criar 1000 amostras com N=100 e aproximar o valor dessa integral

```
ITERATIONS_4 = 1000
SIZES_4 = [10**2, 10**3, 10**4]

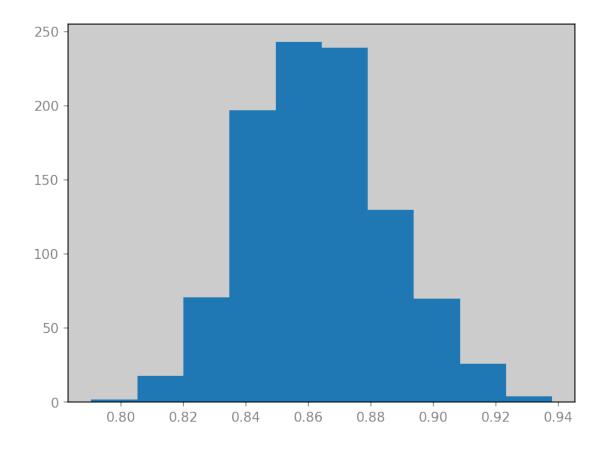
def carlao(size: float):
    amostra = np.zeros(ITERATIONS_4)
    for i in range(ITERATIONS_4):
        amostra[i] = MonteCarlo_9d(size, funct_4)
    return amostra.mean(), amostra

for size in SIZES_4:
    media, amostra = carlao(size)
    plt.hist(amostra)
```

plt.show()
print(calculo\_erro(amostra, media))



## 0.002025993831516101



### 0.00070883487910488

O cálculo da integral da função de 9 variáveis se comportou como esperado, dado que com o aumento no tamanho da amostra para fazer essa aproximação, o desvio padrão diminuiu. Além disso, é possível notar que a aproximação utilizando o método 2 apresenta um desempenho melhor do que o esperado, dado que mesmo com o aumento de números aleatórios criados houve uma certa manutenção no tempo de execução.