Matrizen

Matrizen in R

- Matrizen sind die Erweiterung von Vektoren auf zwei Dimensionen
- Wie Vektoren, können Matrizen nur einen *atomaren* Datentyp speichern (ansonsten erfolgt wie bei Vektoren eine *coercion*)
- Matrizen sind wiederum ein Spezialfall von Arrays (mehr als zwei Dimensionen)
- Zum Erstellen von Matrizen gibt es den Befehl matrix
- Beim Erstellen werden Matrizen per Default nach Spalten befüllt

Matrizen in R

```
m \leftarrow matrix(1:4) \# nrow = 1, ncol = 1 by default
m
## \[ \int, 1 \]
## \lceil 1, \rceil  1
## [2,] 2
## [3,] 3
## [4,] 4
m2 <- matrix(1:4, nrow = 2)</pre>
m2
## [,1] [,2]
## [1,] 1 3
## [2,] 2 4
m3 <- matrix(1:4, nrow = 2, byrow = TRUE)
m3
## [,1] [,2]
## [1,] 1 2
## [2,] 3 4
sapply(list(m, m2, m3), typeof)
## [1] "integer" "integer" "integer"
```

Beispiel 'exams'

Beispiel: Speichern der Punkte aus 5 Hausarbeiten einer Übungsmappe für 3 Studierende

```
s1 <- c(10, 19, 19, 15, 18) # Ergebnisse der 5 Hausarbeiten a 10, und 4x20 Punkte
s2 <- c(9, 20, 17, 14, 18)
s3 <- c(5, 10, 13, 20, 13)
exams <- matrix(c(s1, s2, s3), nrow = 3, byrow = TRUE) # Eine Reihe pro Student
exams
## [,1] [,2] [,3] [,4] [,5]
## [1,] 10 19 19 15 18
## [2,] 9 20 17 14 18
## [3,] 5 10 13 20 13
str(exams)
## num [1:3, 1:5] 10 9 5 19 20 10 19 17 13 15 ...</pre>
```

Operationen auf Spalten/Zeilen

- apply: Wie lapply/sapply aber arbeitet auf Matrizen (man muss zwischen Zeilen oder Spalten wählen)
- Spezialisierte Funktionen für Spalten-/Zeilen Summen bzw. Mittelwerte

```
# Berechne zeilenweise die Summe
apply(exams, 1, sum) # Summe Punkte pro Student
## [1] 81 78 61

# Berechne spaltenweise den Mittelwert
apply(exams, 2, mean) # Mittlere Punktezahl aller Studenten pro Hausarbeit
## [1] 8.00000 16.33333 16.33333 16.33333 16.33333

rowSums(exams) # colSums auch möglich, aber hier nicht sinnvoll
## [1] 81 78 61
colMeans(exams) # rowMeans auch möglich, aber hier nicht sinnvoll
## [1] 8.00000 16.33333 16.33333 16.33333 16.33333
```

- Wenn Zeilen-Summen / Mittelwerte gebraucht werden, nutze colSums, rowSums, colMeans und rowMeans (sehr effizient/schnell)
- apply allgemeiner und kann mit beliebigen Funktionen verwendet werden

Namensgebung von Matrizen

- Wie Vektoren/Listen, können Matrizen Namen haben
- Weil Sie zweidimensional sind, gibt es Zeilen- und Spaltennamen

```
rownames(exams) # keine Zeilennamen
## NUI I
colnames(exams) # keine Spaltennamen
## NUI I
rownames(exams) <- paste0("student", seq_len(nrow(exams)))</pre>
rownames(exams)
## [1] "student1" "student2" "student3"
colnames(exams) <- paste0("exam", seq_len(ncol(exams)))</pre>
colnames(exams)
## [1] "exam1" "exam2" "exam3" "exam4" "exam5"
exams
   exam1 exam2 exam3 exam4 exam5
## student1 10 19 19 15
                                    18
## student2 9 20 17 14 18
## student3 5 10 13 20 13
```

Indizierung

- Auch bei Matrizen erfolgt die Indizierung (Zugreifen auf einzelne Elemente) über [] eckige Klammern
- Für Matrizen übernimmt die Indizierungsfunktion zwei Argumente (Zeilen und Spalten)

```
exams[, 2] # Punkte bei der zweiten Hausarbeit
## student1 student2 student3
  19 20 10
exams[2, ] # Punkte des zweiten Studierenden
## exam1 exam2 exam3 exam4 exam5
   9 20 17 14 18
exams[, 2, drop = FALSE] # Matrix-Struktur erhalten
## exam2
## student1
## student2
## student3
exams[2, , drop = FALSE] # Matrix-Struktur erhalten
   exam1 exam2 exam3 exam4 exam5
## student2
          9 20 17 14 18
exams[3, 4] # Punkte des dritten Studierenden bei der 4ten Hausarbeit
## [17 20
exams[2:3, 1:2] # Zeilen 2,3 Spalten 1, 2
## exam1 exam2
## student2
## student3
          5 10
exams[[10]] # 10. Element der Matrix
## [1] 15
```

Indizierung über logische Abfragen

```
exams[exams >= 15]
## [1] 19 20 19 17 15 20 18 18
which(exams >= 15) # An welcher Stelle stehen Elemente >= 27 (wenn exams ein Vektor wäre)
## [1] 4 5 7 8 10 12 13 14
which(exams >= 15, arr.ind = TRUE) # gibt Zeile + Spalte der ausgefählten Elemente
## row col
## student1 1 2
## student2 2 2
## student1 1 3
## student2 2 3
## student1 1 4
## student3 3 4
## student1 1 5
## student2 2 5
```

Indizierung über Namen

Benamte Matrizen können auch über Zeilen-/Spaltennamen indiziert werden

Indizierung

Wie bei Vektoren, führt die Indizierung außerhalb der "Grenzen" zu einem Fehler

```
exams[5, 8]
## Error in exams[5, 8]: subscript out of bounds

exams["student10", ]
## Error in exams["student10", ]: subscript out of bounds

exams[[100]]
## Error in exams[[100]]: subscript out of bounds

exams[100]
## [1] NA
```

Das Erzeugen von NAs bei Indizierung außerhalb der Grenzen kann manchmal genutzt werden, um Vektoren unterschiedlicher Länge zu vereinheitlichen. Siehe z.B. hier

Hinzufügen, Löschen, Ändern

• Funktioniert wie bei Vektoren, nicht wie bei Listen

```
# Hinzufügen
exams[, ncol(exams) + 1] <- c(3, 5, 20, 20, 27) # won't work -> see rbind and cbind
## Error in (-)(*tmp*), ncol(exams) + 1, value = c(3, 5, 20, 20, 27)): subscript out of bounds
# Löschen
exams[1, ] <- NULL # won't work for matrices
## Error in exams[1, ] <- NULL: number of items to replace is not a multiple of replacement length
exams2 <- exams[-1,]
# Ändern
exams[3, 1] < -10
exams
## exam1 exam2 exam3 exam4 exam5
## student1 10 19 19 15 18
## student2 9 20 17 14 18
## student3 10 10 13 20 13
```

Hinzufügen von Spalten/Zeilen

- Hinzufügen von Spalten mit cbind (column bind)
- Hinzufügen von Zeilen mit rbind (row bind)

```
# Ergebnisse von eines weiteren Studierenden werden eingetragen
exams <- rbind(exams, c(1, 2, 17, 5, 20)) # Länge 5 weil 5 Hausarbeiten
exams
  exam1 exam2 exam3 exam4 exam5
## student1 10 19 19 15
                           18
## student2 9 20 17 14 18
## student3 10 10 13 20 13
  1 2 17 5 20
# Ergebnisse der 6ten Hausarbeit (für max. 30 Punkte) werden für alle Studierenden eingetragen
exams <- cbind(exams, c(30, 27, 29, 19)) # Länge 4, weil 4 Studierende
exams
  exam1 exam2 exam3 exam4 exam5
## student2 9 20 17 14 18 27
## student3 10 10 13 20 13 29
##
     1 2 17 5 20 19
```

Anteil erreichter Punkte

```
as.vector(exams)
## [1] 10 9 10 1 19 20 10 2 19 17 13 17 15 14 20 5 18 18 13 20 30 27 29 19

exams / rep(c(10, 20, 20, 20, 30), each = nrow(exams))
## exam1 exam2 exam3 exam4 exam5
## student1 1.0 0.95 0.95 0.75 0.90 1.0000000
## student2 0.9 1.00 0.85 0.70 0.90 0.9000000
## student3 1.0 0.50 0.65 1.00 0.65 0.9666667
## 0.1 0.10 0.85 0.25 1.00 0.6333333
```

Type conversion

Wie bei Vektoren, führt das Zusammenfügen von Matrizen/Vektoren unterschiedlicher Datentypen zu *type conversion*:

Helpful functions

```
nrow(exams)
## [1] 4
ncol(exams)
## [17 6
length(exams) # number of elements in a matrix = nrow * ncol
## [1] 24
dim(exams)
## [1] 4 6
str(exams)
## num [1:4, 1:6] 10 9 10 1 19 20 10 2 19 17 ...
## - attr(*, "dimnames")=List of 2
## ..$: chr [1:4] "student1" "student2" "student3" ""
## ..$: chr [1:6] "exam1" "exam2" "exam3" "exam4" ...
head(exams, 2) # ersten Zeilen
## exam1 exam2 exam3 exam4 exam5
## student2 9 20 17 14 18 27
tail(exams, 2) # letzte Zeilen
   exam1 exam2 exam3 exam4 exam5
## student3 10 10 13 20
                               13 29
                      17 5
                                20 19
```