# 计算机科学与技术学院2018机器学习一实验报告

课程名称: 机器学习 课程类型: 选修

• 实验题目: K-Means聚类和GMM模型

学号: 1160100626 姓名: 单心茹

## 实验目的

实现一个k-means算法和混合高斯模型,并且用EM算法估计模型中的参数。

## 实验要求求及实验环境

### 实验要求

用高斯分布产生k个高斯分布的数据(不同均值和方差)(其中参数自己设定)。

- 用k-means聚类,测试效果;
- 用混合高斯模型和你实现的EM算法估计参数,看看每次迭代后似然值变化情况,考察EM算法是否可以获得正确的结果(与你设定的结果比较)。

应用:可以UCI上找一个简单问题数据,用你实现的GMM进行聚类。

## 实验环境

Win10 + 8GB RAM + python 3.6

## 设计思想与实现

#### **K-Means**

K-means算法是很典型的基于距离的聚类算法,采用距离作为相似性的评价指标,即认为两个对象的距离越近,其相似度就越大。**K-Means**是一种**无监督学习**聚类算法,该算法的目标是在给定数据中查找簇。

Algorithm:

- 1. Initialize cluster centroids  $\mu_1, \mu_2, \dots, \mu_k \in \mathbb{R}^n$  randomly.
- 2. Repeat until convergence: {

For every i, set

$$c^{(i)} := \arg\min_{j} ||x^{(i)} - \mu_j||^2.$$

For each j, set

$$\mu_j := \frac{\sum_{i=1}^m 1\{c^{(i)} = j\}x^{(i)}}{\sum_{i=1}^m 1\{c^{(i)} = j\}}.$$

}

#### 循环内执行两个步骤:

- 1. 为样本归类:对每一个样本计算它到各个中心的距离,并将其归类为距离最近的类。
- 2. 更新中心位置:对每个中心,将其调整到该类样本点位置的均值处。

#### 代价函数为:

$$J(c,\mu) = \sum_{i=1}^m \left|\left|x^i - \mu_{c^{(i)}}
ight|
ight|^2$$

所以,K-means的实质优化对象是**样本到中心的距离**。

但是,J是非凸函数,所以K-means不能保证全局收敛,可能会得到局部最优解</mark>,要避免陷入局部优化,可以S次运行K-means,使用不同的初始中心,使得J最小。

其中K-Means的核心实现部分如下:

```
def k_means(self):
1
2
3
        clustering and update centroids
        :return: clustering result
4
5
6
        centroids = self.random_centroids()
        count = 0
        for i in range(0, self.loop_max):
8
9
            count += 1
10
            self.get_labels() # 更新样本的类别
11
            former_centroids = centroids
            # 更新中心的位置
12
            centroids = self.update_centroids()
13
14
            diff = centroids - former_centroids
15
            if diff.any() < self.epsilon:</pre>
16
17
                break
18
         return self.labels
```

#### **GMM**

高斯混合模型也是一种无监督学习算法,在聚类问题中各个类别的尺寸不同,聚类间有相关关系时,使用GMM较为合适,是多个高斯模型的线性叠加。

高斯混合模型的概率分布模型如下:

$$P(x) = \sum_{k=1}^K lpha_k \phi(x; \mu_k, \Sigma_k)$$

GMM的似然函数为:

$$\sum_{i=1}^{N} log(\sum_{k=1}^{K} lpha_k \phi(x; \mu_k, \Sigma_k))$$

其中,K表示模型的个数, $\alpha_k$ 是第k个模型的系数,为该模型的概率, $\phi(x;\mu_k,\Sigma_k)$ 是第k个高斯模型的概率分布。假定现有的数据是由GMM生成出来的,那么只需要根据数据推出GMM的概率分布,则可以调用EM算法来迭代求出GMM的概率分布。

GMM的核心实现部分如下(采用EM算法):

```
def qmm_em(self):
1
2
3
       GMM algorithm, estimate mu, cov, alpha of GMM
4
       :return: estimate of mu, cov, alpha
5
       self.x = self.scaling()
6
       oldlikelyhood = 1
8
       for i in range(0, self.loop_max):
           gamma, likelyhood = self.e_step(self.mu, self.cov, self.alpha) # e-step
9
           self.mu, self.cov, self.alpha = self.m_step(gamma) # m-step
10
           if np.abs(np.sum(likelyhood-oldlikelyhood)) < self.epsilon:</pre>
11
12
               print(i)
13
               break
14
           else:
               oldlikelyhood = likelyhood
15
       print('-----')
16
17
       print("mu:", self.mu)
18
       print("cov:", self.cov)
       print("alpha:", self.alpha)
19
       print('-----
20
       return self.mu, self.cov, self.alpha
21
```

#### **EM**

EM算法首先需要给出初始化的模型参数,然后通过不断迭代来求得最佳参数。初始化每个模型的 $\mu$ 为随机值, $\Sigma$ 单位矩阵, $\alpha$ 为 $\frac{1}{K}$ ,即为每个模型初始时都是等概率出现的。其中需要先把样本进行归一化处理。

#### Algorithm:

E-step: 根据当前模型参数,计算模型k对观测数据 $x_i$ 的响应度\gamma\_{i}^{k}:

$$\gamma_i^k = rac{lpha_k \phi(x_i; \mu_k, \Sigma_k)}{\sum_{k=1}^K \phi(x_i; \mu_k, \Sigma_k)}$$

M-step: 计算新一轮迭代的模型参数:

$$egin{aligned} \mu_k &= rac{\sum_{i=1}^N \gamma_{ik} x_i}{\sum_{i=1}^N \gamma_{ik}} \ \Sigma_k &= rac{\sum_{i=1}^N \gamma_{ik} (x_i - \mu_k)^2}{\sum_{i=1}^N \gamma_{ik}} \ lpha_k &= rac{\sum_{i=1}^N \gamma_{ik}}{N} \end{aligned}$$

重复E-step和M-step直到算法收敛。

E-step实现如下:

```
1
    def e_step(self, mu, cov, alpha):
2
3
        e-step of EM algorithm
4
        :param mu: mean
5
        :param cov: Covariance matrix
        :param alpha: probability of each model
6
7
        :return: responsibility for each sample
8
9
        # gamma为响应度矩阵,行代表样本,列表示对第k个模型
10
        gamma = np.mat(np.zeros((self.sample, self.k)))
11
        probility = np.zeros((self.sample, self.k))
12
        # 计算k个模型中, 样本的概率
13
        for k in range(0, self.k):
14
            probility[:, k] = self.phi(self.x, mu[k], cov[k])
15
        probility = np.mat(probility)
16
        # 计算响应度矩阵
        for k in range(0, self.k):
17
18
            gamma[:, k] = alpha[k] * probility[:, k]
        for i in range(0, self.sample):
19
            gamma[i, :] = gamma[i, :] / np.sum(gamma[i, :])
20
21
        return gamma
```

#### M-step实现如下:

```
def m_step(self, gamma):
    """

m-step of EM algorithm
    :param gamma: responsibility for each sample
    :return: the update mu, cov, alpha
    """

mu = np.zeros((self.k, self.dimension))
```

```
8
        alpha = np.zeros(self.k)
9
        cov = []
10
        for k in range(self.k):
11
12
            gamma_sum = np.sum(gamma[:, k]) # 计算响应度之和
13
            # 更新mu
14
            for d in range(self.dimension):
15
                mu[k, d] = np.sum(np.multiply(gamma[:, k], self.x[:, d])) / gamma_sum
            # 更新cov
16
17
            cov_k = np.mat(np.zeros((self.dimension, self.dimension)))
18
            for i in range(self.sample):
                cov_k += gamma[i, k] * (self.x[i] - mu[k]).T * (self.x[i] - mu[k]) /
19
    qamma_sum
20
            cov.append(cov_k)
21
            # 更新 alpha
            alpha[k] = gamma_sum / self.sample
22
23
        cov = np.array(cov)
24
        return mu, cov, alpha
```

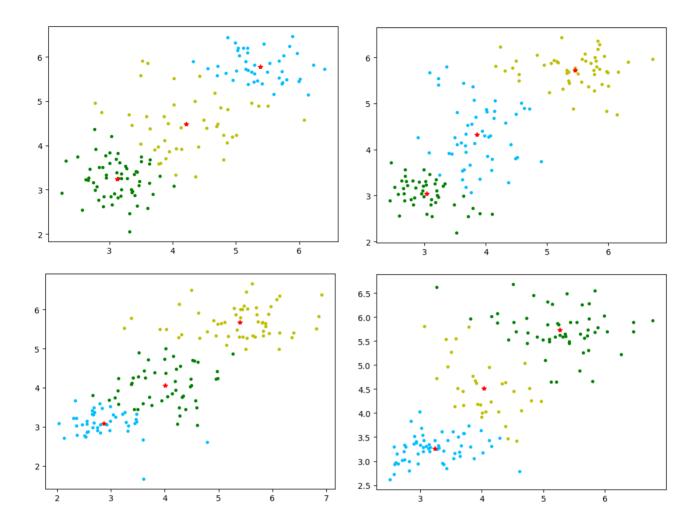
## 实验结果与分析

#### **K-Means**

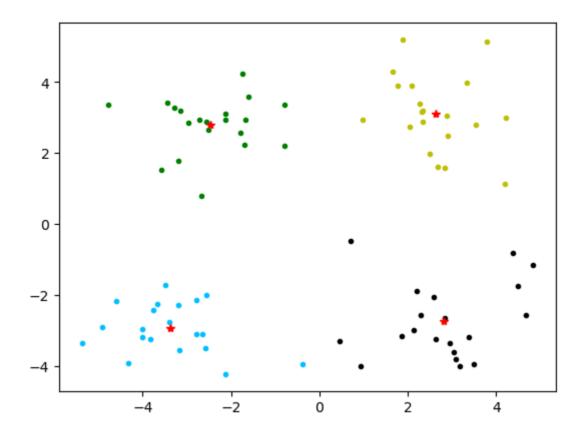
• 利用高斯分布生成3类数据,两个特征,自定义高斯分布实现如下:

```
1
    def create_data():
2
        np.random.seed()
3
        s1 = np.random.normal(3, 0.4, 50)
4
        s2 = np.random.normal(3.2, 0.3, 50)
        s3 = np.random.normal(4, 0.5, 50)
5
6
        s4 = np.random.normal(4.3, 0.8, 50)
7
        s5 = np.random.normal(6, 1, 50)
        s6 = np.random.normal(5.7, 0.8, 50)
8
9
        with open('testGaussian.txt', 'w') as f:
            for i in range(0, len(s1)):
10
                f.write(str(s1[i]) + ' ' + str(s2[i]) + '\n')
11
                f.write(str(s3[i]) + ' ' + str(s4[i]) + '\n')
12
                f.write(str(s5[i]) + ' ' + str(s6[i]) + '\n')
13
            f.close()
14
```

下图是几次分类情况,由于高斯分布样本的产生具有随机性,每次运行结果也具有很大的随机性:

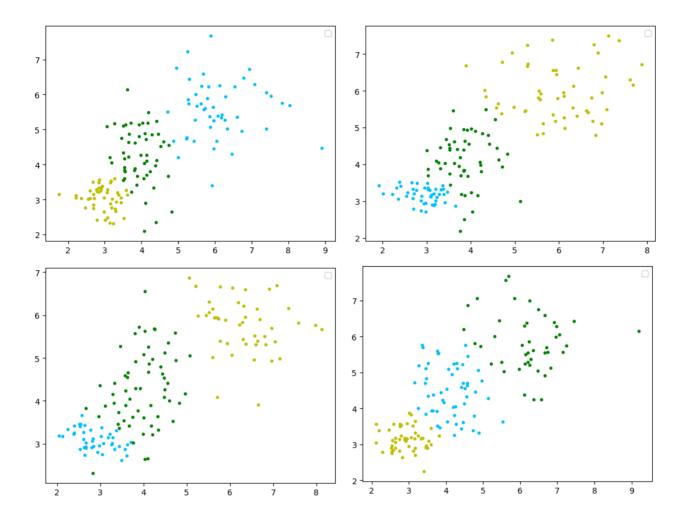


• 利用test.txt测试分类情况如下:

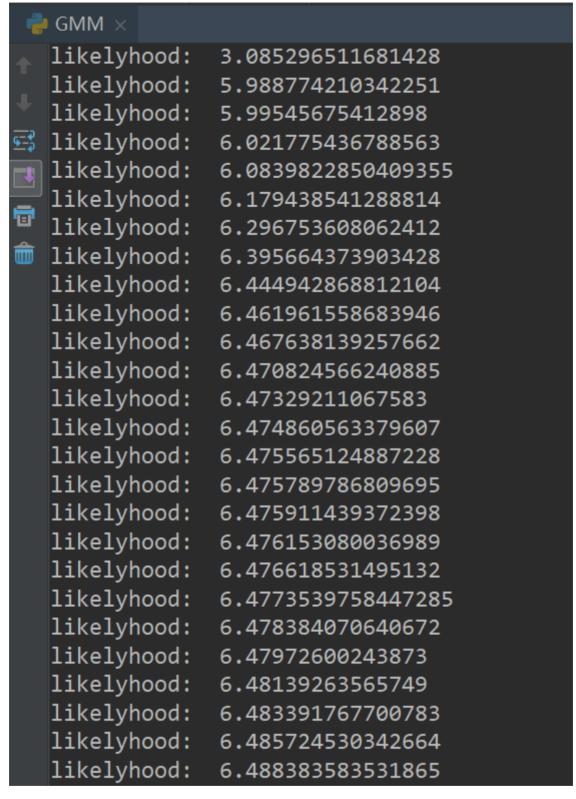


## GMM

• 利用**高斯分布**生成3类数据,两个特征,自定义高斯分布实现同KMeans,结果如下:



• 在利用Guassin生成的数据时观察似然函数的变化,可以看到似然函数增大,且最后保证收敛性:



#### • UCI数据测试:

#### seeds Data Set

Download: Data Folder, Data Set Description

Abstract: Measurements of geometrical properties of kernels belonging to three different varieties of wheat. A soft X-ray technique and GRAINS package were used to construct all seven, real-valued attributes.

Data Set Characteristics:	Multivariate	Number of Instances:	210	Area:	Life
Attribute Characteristics:	Real	Number of Attributes:	7	Date Donated	2012-09-29
Associated Tasks:	Classification, Clustering	Missing Values?	N/A	Number of Web Hits:	203783

#### **Attribute Information:**

To construct the data, seven geometric parameters of wheat kernels were measured:

- 1. area A,
- 2. perimeter P,
- 3. compactness  $C = 4*pi*A/P^2$ ,
- 4. length of kernel,
- 5. width of kernel,
- 6. asymmetry coefficient
- 7. length of kernel groove.

All of these parameters were real-valued continuous.

#### 由于多特征数据不适合采用画图进行直观呈现,故只呈现计算结果,在GMM中运行结果如下:

#### 均值μ:

#### 协方差矩阵 $\Sigma$ :

```
cov:
1.29535971e-02 -2.61052827e-04 1.23964885e-021
1.05793611e-02 3.12392858e-05 1.31770933e-02]
[ 2.75798693e-03 -1.10433279e-03 1.82522381e-02 -6.20671317e-03
 9.38783489e-03 -2.09872106e-03 -5.66511317e-031
8.68912568e-03 -7.55730328e-04 1.81496222e-02]
1.40382610e-02 4.16350094e-04 5.97919232e-031
[-2.61052827e-04 3.12392858e-05 -2.09872106e-03 -7.55730328e-04
 4.16350094e-04 2.35651284e-02 -7.34676281e-04]
5.97919232e-03 -7.34676281e-04 1.69118971e-02]]
[[ 2.94556948e-02  2.53358229e-02  4.53853993e-02  1.58963871e-02
 3.61933004e-02 -3.05552742e-02 5.32109455e-03]
[ 2.53358229e-02  2.23496319e-02  3.62920387e-02  1.46394964e-02
 2.99658543e-02 -2.59339600e-02 6.39769064e-03]
[ 4.53853993e-02 3.62920387e-02 8.43035198e-02 1.94478880e-02
 6.18034497e-02 -4.85880313e-02 -1.33604186e-03]
1.73386033e-02 -1.31654050e-02 7.81956620e-03]
[ 3.61933004e-02 2.99658543e-02 6.18034497e-02 1.73386033e-02
 4.72620207e-02 -3.82141320e-02 2.25966261e-03]
[-3.05552742e-02 -2.59339600e-02 -4.85880313e-02 -1.31654050e-02
-3.82141320e-02 4.71269345e-02 2.10340364e-031
[ 5.32109455e-03 6.39769064e-03 -1.33604186e-03 7.81956620e-03
 2.25966261e-03 2.10340364e-03 1.20856266e-0211
1.68737329e-02 -9.17279569e-03 1.17422065e-03]
1.50643886e-02 -8.61156057e-03 2.94782981e-03]
2.55226027e-02 -1.16838305e-02 -8.90982975e-03]
9.07066338e-03 -5.57971748e-03 5.76779792e-03]
2.28494675e-02 -1.06706421e-02 -2.35365014e-03]
[-9.17279569e-03 -8.61156057e-03 -1.16838305e-02 -5.57971748e-03
 -1.06706421e-02 4.28938608e-02 4.53255976e-03]
-2.35365014e-03 4.53255976e-03 9.54436930e-03]]]
```

#### 概率 $\alpha$ :

## alpha:

[0.33352659 0.12054896 0.54592446]

# 结论

- K-Means 往往迭代次数较少,但容易陷入局部最优,或者结果受到初值的影响。
- GMM-EM迭代次数较多,GMM实质上与K-Means有很多相同之处,优点在于EM算法最大化似然函数,可以保证收敛性。

## 参考文献

斯坦福机器学习课程K-Means, GMM

李航《统计学习方法》

K-Means Clustering in Python

斯坦福ML公开课笔记12——K-Means、混合高斯分布、EM算法

GMM的EM算法实现

高斯混合模型 EM 算法的 Python 实现

附录:源代码

详见压缩包内k-means.py, GMM.py