

Les graphes

Plus courts chemins

Shortest Paths

Correction

1 La star des algos

Solution 1.1 (Dijkstra)

4. (b) *Application de ce principe au graphe de la figure 1 pour trouver le plus court chemin de 1 à 8 :*
Les sommets sont traités dans l'ordre suivant :
1, 2, 4, 3, 7, 5, 6, 8, 9

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
<i>dist</i>	0	4	7	1	9	4	5	11	$+\infty$	$+\infty$	$+\infty$	$+\infty$	$+\infty$
<i>pere</i>	1	6	2	1	7	4	2	5					

Le plus court chemin entre les sommets 1 et 8 est donc : 1, 4, 6, 2, 7, 5, 8 de coût 11.

Si seul le vecteur des pères est donné en résultat (suffisant), alors il faut initialiser celui-ci (par exemple à -1), afin de repérer les sommets non atteints depuis la source.

(c) **Spécifications :**

La procédure Dijkstra (*t_graph_dyn* G , entier s , *t_vect_entiers* $dist$, $pere$) recherche les plus courts chemins du sommet s vers tous les autres sommets du graphe G à coûts positifs : le vecteur $dist$ contient les coûts des chemins représentés par le vecteur $pere$.

```

algorithme procedure Dijkstra
  parametres locaux
    t_graph_dyn      G
    entier            source
  parametres globaux
    t_vect_entiers    dist, pere

  variables
    entier           i, imin, x, y
    t_liste           L          /* contient des pointeurs sur sommets */
    t_listsom         ps, ps2
    t_listadj         pa

  debut
    /* initialisations */

    pour i  $\leftarrow$  1 jusqu'à G.ordre faire
      dist[i]  $\leftarrow$   $+\infty$ 
      pere[i]  $\leftarrow$  -1
    fin pour
    dist[source]  $\leftarrow$  0
    pere[source]  $\leftarrow$  source /* pas nécessaire... */

    L.elts[1]  $\leftarrow$  recherche (source, G)
    L.longueur  $\leftarrow$  1

```

```

faire
  ps ← L.elts[1]           /* recherche du minimum de la liste */
  imin ← 1
  pour i ← 2 jusqu'à L.longueur faire
    ps2 ← L.elts[i]
    si dist[ps2↑.som] < dist[ps↑.som] alors
      ps ← ps2
      imin ← i
    fin si
  fin pour
  /* suppression du minimum */
  L.elts[imin] ← L.elts[L.longueur]
  L.longueur ← L.longueur - 1

  x ← ps↑.som              /* parcours des successeurs de x */
  pa ← ps↑.succ
  tant que pa <> NUL faire
    y ← pa↑.vsom↑.som
    si dist[x] + pa↑.cout < dist [y] alors      /* relâchement arc (x, y) */
      si dist[y] = +∞ alors
        L.longueur ← L.longueur + 1
        L.elts[L.longueur] ← pa↑.vsom
      fin si
      dist[y] ← dist[x] + pa↑.cout
      pere[y] ← x
    fin si
    pa ← pa↑.suiv
  fin tant que
tant que L.longueur <> 0
fin algorithme procedure Dijkstra

```

Solution 1.2 (L'aller, puis le retour ...)

3. Spécifications :

La procédure pccAR (G , scr , dst , $pereA$, $pereB$) trouve un chemin aller-retour de src à dst , les deux chemins sont donnés dans $pereA$ et $pereR$. Le graphe G est tel qu'il existe forcément un chemin aller-retour de src à dst .

```

algorithme procedure pccAR
  parametres locaux
    t_graph_dyn      G
    entier            src, dst
  parametres globaux
    t_vect_entiers    pereA, pereR
  variables
    entier            i
    t_vect_booleens   M
  debut
    pour i ← 1 jusqu'à G.ordre faire
      M[i] ← faux
    fin pour
    dijkstra (G, src, dst, M, pereA)
    i ← dst
    tant que i <> src faire
      M[i] ← vrai
      i ← pereA[i]
    fin tant que
    dijkstra (G, dst, src, M, pereR)
fin algorithme procedure pccAR

```

Spécifications :

La procédure `dijkstra` (G , src , dst , M , $pere$) trouve un plus court chemin de src à dst ne passant pas par les sommets marqués par le vecteur de booléens M , **le chemin existe forcément** et est donné dans le vecteur d'entiers $pere$.

```

algorithme procedure dijkstra
  parametres locaux
    t_graph_dyn      G
    entier            src, dst
    t_vect_booleens   M
  parametres globaux
    t_vect_entiers    pere

  variables
    entier            i
    t_vect_reels      dist
    t_tas              T      /* contient des couples (pointeur,valeur de tri) */
    t_listsom         ps
    t_listadj          pa

  debut
    pour i ← 1 jusqu'à G.ordre faire
      pere[i] ← -1
      dist[i] ← +∞
    fin pour
    pere[src] ← src
    dist[src] ← 0
    ps ← recherche (src, G)
    init_tas (T)
    tant que src <> dst faire
      pa ← ps↑.succ
      tant que (pa <> NUL) faire
        i ← pa↑.vsom↑.som
        si non M[i] et (dist[i] > dist[src] + pa↑.cout) alors
          pere[i] ← src
          dist[i] ← dist[src] + pa↑.cout
          maj_tas (pa↑.vsom, dist[i], T)
        fin si
        pa ← pa↑.suiv
      fin tant que
      ps ← supp_min (T)
      src ← ps↑.som
    fin tant que
  fin algorithme procedure dijkstra

```

Cet algorithme suppose que le chemin cherché existe : Il est donc inutile ici de tester si le tas est vide avant de choisir un sommet, on arrête dès que l'on tombe sur la destination.

Attention : le choix du sommet ne peut pas être placé en fin de boucle dans une version où l'existence du chemin n'est pas garantie. En effet, le tas peut être temporairement vide après en avoir supprimé le minimum alors qu'il reste des sommets à traiter.

Solution 1.4 (Et l'Astar dans tout ça ?)

1. *Le but* : On cherche à trouver le plus court chemin dans un 1–graphe orienté valué à coûts positifs en traitant un minimum de sommets inintéressants.

Principe de l'algorithme A^ :*

La différence avec les algorithmes de plus courts chemins classiques est que l'on utilise l'estimation donnée par une heuristique pour le choix des sommets à traiter : à chaque itération on choisit le sommet dont la **somme** du chemin parcouru avec l'estimation du devin est la **plus petite**. Il faut de plus éviter les circuits, donc on ne traitera pas à nouveau les sommets déjà traités : ces sommets sont dits "fermés", ceux non encore traités sont "ouverts".

L'heuristique : estime la distance à parcourir depuis le sommet vers la destination. L'estimation ne tient pas compte du chemin parcouru pour atteindre le sommet.

2. Résultat avec l'heuristique donnée

s	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
$H(s)$	3	2	3	1	3	6	4	3	2	0

Les sommets traités (dans l'ordre) : 1 3 2 4 10

Le résultat :

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
$dist$	0	4	1	6	5	2	∞	∞	∞	7
$pere$	-1	1	1	2	2	3	-1	-1	-1	5

Résultat avec Dijkstra

Les sommets traités (dans l'ordre) : 1 3 6 7 2 8 5 9 4 10

Le résultat :

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
$dist$	0	4	1	6	5	2	3	4	5	6
$pere$	-1	1	1	2	2	3	6	7	8	5

À la 3^{ème} itération, A^* ne choisit pas le sommet 6 (trop loin de la destination). De plus après 4, 10 est choisi et donc l'algo s'arrête : le chemin donné n'est pas le plus court (distance 7 au lieu de 6), mais est trouvé plus rapidement.

En plus l’algorithme :

Spécifications :

La procédure **Asterix** (*t_graph_dyn* *G*, entier *source*, *destination*, *t_vect_entiers* *pere*) remplit le vecteur *pere* qui permettra de retrouver le chemin entre le sommet *source* et le sommet *destination*. On supposera que le chemin existe toujours.

La fonction **heuristix** (*G*, *src*, *dst*) calcule une estimation du coup d’un chemin entre *src* et *dst* dans le graphe *G*.

```

algorithme procedure Astar
  parametres locaux
    t_graph_dyn    G
    entier          src, dest    /* on suppose src <> dest ! */
  parametres globaux
    t_vect_entiers  pere

  variables
    t_listsom      ps
    t_listadj       pa
    entier          s, sadj
    t_vect_reels    dist
    t_vect_bouleens ferme
    t_tas           T

  debut
    /* initialisations */

    pour s ← 1 jusqu’à G.ordre faire
      dist[s] ← ∞
      pere[s] ← -1
      ferme[s] ← faux
    fin pour
    dist[src] ← 0

    ps ← recherche (src, G)
    init_tas (T)

    faire
      s ← ps↑.som
      ferme[s] ← vrai

      pa ← ps↑.succ          /* parcours des successeurs de s */
      tant que pa <> NUL faire
        sadj ← pa↑.vsom↑.som    /* relâchement arc (s,sadj) */
        si non ferme[sadj] et (dist[s] + pa↑.cout < dist [sadj]) alors
          dist[sadj] ← dist[s] + pa↑.cout
          pere[sadj] ← s
          maj (T, pa↑.vsom, dist[sadj] + heuristique (G, sadj, dest))
        fin si
        pa ← pa↑.suiv
      fin tant que

      ps ← supp_min (T)

    tant que ps^.som <> dest

  fin algorithme procedure Astar

```

2 C'est négatif

Solution 2.2 (Plus court chemin et parcours profondeur)

1. Tri topologique et élimination des circuits :

- (c) **Spécifications :** La procédure `prof_pour_Bellman` ($G, src, tri, suff$) effectue un parcours profondeur de G à partir du sommet src , uniquement sur les sommets atteignables. Elle empile les sommets rencontrés en suffixe dans la pile tri et donne dans $suff$ l'ordre de rencontre des sommets en suffixe.

/ algo récursif */*

```

algorithme procedure pprof_rec
  parametres locaux
    t_listsom      ps
  parametres globaux
    t_vect_booleens M
    entier          cpt
    t_vect_entiers  os
    t_pile          p

  variables
    t_listadj      pa
    entier          s, sa
debut
  s ← ps↑.som
  M[s] ← vrai
  pa ← ps↑.succ
  tant que pa <> NUL faire
    sa ← pa↑.vsom↑.som
    si non M[sa] alors
      pprof_rec (pa↑.vsom, M, cpt, os, p)
    fin si
    pa ← pa↑.suiv
  fin tant que
  cpt ← cpt + 1
  os[s] ← cpt
  p ← empiler(ps, p)
fin algorithme procedure pprof_rec

```

/ algo d'appel */*

```

algorithme procedure prof_pour_Bellman
  parametres locaux
    t_graph_dyn G
    entier      src
  parametres globaux
    t_pile  tri  /* contient des t_listsom */
    t_vect_entiers suff

  variables
    entier i
    t_vect_booleens M
debut
  pour i ← 1 jusqu'à G.ordre faire
    M[i] ← faux
  fin pour
  tri ← pile_vide ()
  i ← 0
  pprof_rec (recherche (src,G), M, i, suff, tri)
fin algorithme procedure prof_pour_Bellman

```

2. Plus courts chemins :

(b) Spécifications :

La procédure `Bellman_prof` (G , src , $pere$, $dist$) calcule les plus courts chemins depuis le sommet src dans G . L'algorithme remplit le vecteur de pères ($pere$) et le vecteur de distances ($dist$) avec les chemins calculés.

```

algorithme procedure bellman_prof
  parametres locaux
    t_graph_dyn      G
    entier            src
  parametres globaux
    t_vect_entiers    pere
    t_vect_reels       dist

  variables
    t_vect_entiers    os
    t_pile            tri
    t_listsom         ps
    t_listadj         pa
    entier            s, sa

  debut
    prof_pour_Bellman (G, src, tri, os)
    pour s ← 1 jusqu'à G.ordre faire
      pere[s] ← 0
      dist[s] ← +∞
    fin pour
    pere[src] ← src
    dist[src] ← 0
    ps ← depiler(tri)      /* forcément la source */
    tant que non est_vide (tri) faire
      s ← ps↑.som
      pa ← ps↑.succ
      tant que pa <> NUL faire
        sa ← pa↑.vsom↑.som
        si non os[s] < os[sa] alors
          si dist[sa] > dist[s] + pa↑.cout alors
            dist[sa] ← dist[s] + pa↑.cout
            pere[sa] ← s
          fin si
        fin si
        pa ← pa↑.suiv
      fin tant que
      ps ← depiler(tri)    /* inutile de voir les successeurs du dernier ! */
    fin tant que
  fin algorithme procedure bellman_prof

```

Solution 2.3 (Construction)

1. Modélisation du projet sous forme de graphe.

Les sommets sont les tâches. Il existe un arc (t_i, t_j) si la tâche t_i doit être terminée avant de pouvoir commencer la tâche t_j . Le coût de l'arc (t_i, t_j) est la durée de la tâche t_i .

On ajoute deux tâches supplémentaires :

- la tâche *début* est liée à toutes les tâches n'ayant aucun prédécesseur par des arcs de coût nul ;
- chaque tâche sans successeur contient un arc sortant vers la tâche de *fin* avec pour coût sa durée.

Voir la figure 1

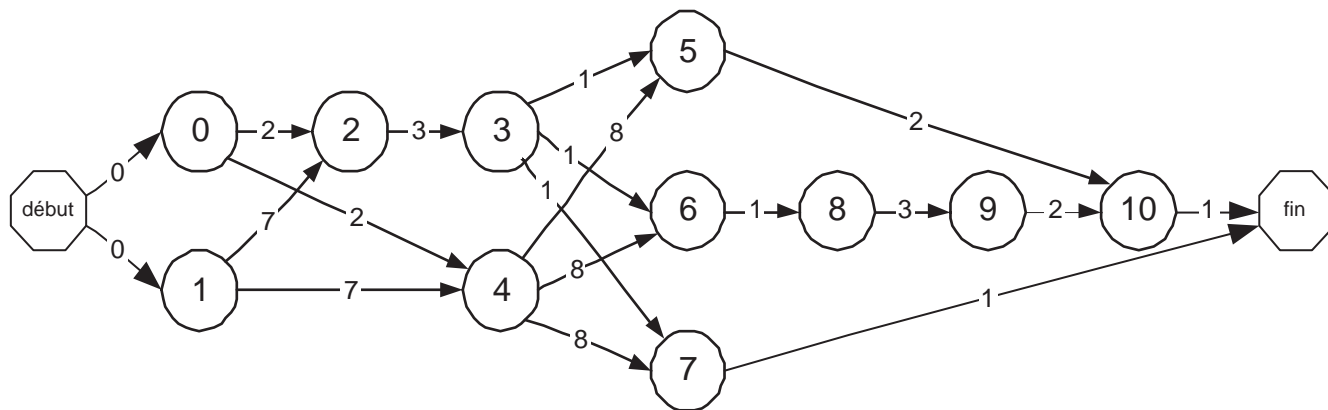


FIGURE 1 – Le graphe du projet

2. Durée minimale du projet : 22 semaines.

Pour obtenir cette durée, il faut calculer la longueur du plus long chemin de la tâche de *début* jusqu'à celle de *fin*.

3. On se ramène à un problème de plus court chemin en inversant les coûts du graphes. Ceux-ci étant maintenant négatifs, mais le graphe sans circuit, on peut utiliser une solution de tri topologique comme ordre de sommets dont on relâche les arcs sortants.

L'application de cette méthode sur le graphe auquel on a inversé les coûts, en prenant pour solution de tri topologique les sommets en ordre croissant (*début*, et *fin*, à leurs places respectives!), donne :

	<i>début</i>	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	<i>fin</i>
<i>dist</i>	0	0	0	-7	-10	-7	-15	-15	-15	-16	-19	-21	-22
<i>pere</i>		<i>début</i>	<i>début</i>	1	2	1	4	4	4	6	8	9	10

Remarque : Le vecteur *pere* n'est pas nécessaire pour obtenir la durée minimale du projet.

4. On modifie l'algorithme de Bellman : les coûts sont positifs, on utilise donc les opposés (à noter qu'on aurait pu directement maximiser le chemin). Le vecteur *pere* n'est pas utile ici.

C'est la version avec mise à jour des demi-degrés intérieurs qui est utilisée ici : on utilise la procédure `calcul_ddi` (G, ddi) qui remplit le vecteur *ddi* avec les degrés entrants de tous les sommets du graphe (à noter que dans le cas de notre projet, tous les sommets sont atteignables depuis la source).

Optimisation : plutôt que de rechercher à chaque fois dans tout le tableau *ddi*, une valeur nulle, on conserve (dans une file par exemple) les sommets dès que leurs degrés entrants passent à 0.

Au départ, la file ne contient que la source. L'algorithme s'arrête dès que la file est vide !

Spécifications :

La fonction `duree_minimale` ($G, source, fin$) calcule la longueur du plus long chemin (la durée minimale du projet) dans le graphe G , entre les tâches *source* et *fin*.

Le graphe G est sans circuit. Le sommet *fin* est atteignable depuis la source !


```

algorithme fonction duree_minimale : reel
  parametres locaux
    t_graph_dyn      G
    entier            s, f

  variables
    t_list_som        ps
    t_list_adj         pa
    t_vect_entiers     ddi
    t_vect_reels       dist
    t_file             prochain /* contient les pointeurs vers les sommets de ddi nul */
    entier            sadj

  debut
    pour a ← 1 jusqu'à G.ordre faire /* init */
      dist[a] ← +∞
    fin tant que
    dist[s] ← 0
    calcul_ddi (G, ddi)

    prochain ← file-vide ()
    prochain ← enfiler (recherche (s,g), prochain)
    faire
      ps ← defiler(prochain)
      s ← ps↑.som
      pa ← ps↑.succ
      tant que pa <> NUL faire
        sadj ← pa↑.vsom↑.som
        si dist[s] -1 pa↑.cout < dist [sadj] alors /* relâchement arc sortant (s,a) */
          dist[sadj] ← dist[s] - pa↑.cout
        fin si
        ddi[sadj] ← ddi[sadj]-1 /* et màj ddi[sadj] */
        si ddi[sadj] = 0 alors
          prochain ← enfiler(pa↑.vsom, prochain)
        fin si
        pa ← pa↑.suiv
      fin tant que
    tant que non est-vide (prochain)
      retourne (-dist[f])
  fin algorithme fonction duree_minimale

```

Remarque : on peut aussi directement maximiser la somme des coûts.

5. Le tableau de distances obtenu lors de la recherche du plus long chemin contient les **dates au plus tôt** (en négatif ici) : c'est la durée minimale avant de pouvoir commencer chaque tâche. Pour obtenir les **dates au plus tard**, il faut considérer le graphe inverse (où l'on inverse le sens des arcs!) et rechercher les plus longs chemins depuis la tâche de fin (Dans l'algorithme ci-dessus, il suffit de parcourir les listes de prédécesseurs, à la place des successeurs!) : la date au plus tôt d'une tâche est la différence entre la durée minimale du projet et la longueur du chemin obtenu. Les tâches constituant le plus long chemin obtenu lors du calcul de la durée minimale du projet sont des tâches critiques (voir le tableau *pere*). Mais cela ne suffit pas pour les obtenir toutes. En effet, il peut y avoir plusieurs chemins de même longueur !

6. Les dates au plus tôt, au plus tard pour chaque tâche :

	début	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	fin
<i>Dates au plus tôt</i>	0	0	0	7	10	7	15	15	15	16	19	21	22
<i>Dates au plus tard</i>	0	5	0	11	14	7	19	15	21	16	19	21	22

Les tâches critiques : 1, 4, 6, 8, 9, 10

1. Les coûts sont considérés positifs.

Solution 2.4 (Floyd revisité – Partiel 2013)

1. La modification est simple. Un circuit absorbant va renvoyer un coût négatif sur la distance calculée d'un sommet x à ce même sommet x (circuit et absorbant). Il suffit donc de tester, lorsque le sommet $x = y$, si la valeur de distance calculée est négative. Si c'est le cas, on provoque le débranchement de la procédure.
2. Là encore l'utilisation n'est pas très compliquée. On utilise la matrice renvoyant les plus petites distances pour chaque couple de sommets (x, y) du graphe. Pour chaque sommet x de 1 à n , on calcule sa valeur d'excentricité en conservant sa plus grande valeur de distance avec les autres sommets (le max de ses plus petites distances). Il ne reste plus alors qu'à comparer les n excentricités calculées (une pour chaque sommet) et de déterminer la plus petite. Le sommet auquel est appartient est le centre du graphe.

Solution 2.5 (Et le sourire...)

1. Représentation du graphe sous forme de matrice d'adjacence :

	PB	B	A	S	I	F	E
PB		-13	-1				
B	17		11			24	
A	9	-7		8		19	
S			-2		-13	10	
I				17		14	
F		-8	-11	0	-2		1
E						11	

TABLE 1 – Coûts de passage = $T + C - A$

La recherche du plus court chemin entre deux sommets donnera le meilleur coût d'exportation.

2. A première vue, le chemin P-B, B, A, S, I, F, E de coût 8 semble le meilleur.
En réalité, le chemin P-B, B, A, S, I, F, **A, S, I, F**, E est encore meilleur (de coût 6), et on peut tourner sur le circuit A, S, I, F, A, de coût -2, indéfiniment !
3. **Principe de recherche des plus courts chemins d'un sommet s donné vers tous les autres sommets dans un graphe à coûts négatifs avec circuits :**

L'algorithme de Bellman-Ford relâche chaque arc $N - 1$ fois (un plus court chemin ne peut contenir plus de $N - 1$ arcs avec N l'ordre du graphe). Il est inutile de tenter de relâcher les arcs sortants d'un sommet dont la distance est encore égale à $+\infty$.

4. *Comment repérer les circuits absorbants ?*

Après avoir relâché tous les arcs $N - 1$ fois, on effectue un nouveau test de relâchement pour chaque arc : si une amélioration est encore possible, alors le graphe contient un circuit absorbant.

Et s'il n'y a plus de circuit absorbant ?

Si lors d'une itération, le relâchement de tous les arcs ne provoque aucune amélioration des distances déjà trouvées, l'algorithme peut s'interrompre.

5. La fonction `Bellman_Ford` (`t_graph_dyn` G , entier s , `t_vect_entiers` $dist$, $pere$) : `booléen` calcule les plus courts chemins de s à tous les autres sommets du graphe G . Elle retourne *vrai* si elle détecte un circuit absorbant, *faux* sinon.

```

algorithme fonction Bellman_Ford : booléen
  parametres locaux
    t_graph_dyn      G
    entier            s
  parametres globaux
    t_vect_entiers    dist, pere

  variables
    t_listsom        ps
    t_list_adj        pa
    entier            i, j, cout
    booléen           modif

  debut
    pour i ← 1 jusqu'à G.ordre
      pere[i] ← -1
      dist[i] ← +∞
    fin pour
    modif ← vrai
    dist[s] ← 0
    i ← 1
    tant que (i ≤ G.ordre) et modif faire
      modif ← faux
      ps ← G.lsom
      tant que ps <> NUL faire
        cout ← dist[ps↑.som]
        si cout <> +∞ alors
          pa ← ps↑.succ
          tant que pa <> NUL faire
            j ← pa↑.vsom↑.som
            si cout + pa↑.cout < dist[j] alors
              dist[j] ← cout + pa↑.cout
              pere[j] ← ps↑.som
              modif ← vrai
            fin si
          pa ← pa↑.suiv
        fin tant que
      fin si
      ps ← ps↑.suiv
    fin tant que
    i ← i+1
  fin tant que
  retourne modif
fin algorithme fonction Bellman_Ford

```

Optimisation ?

On pourrait optimiser un peu cet algorithme en ne traitant, à chaque itération, que les sommets dont la distance a été modifiée à l'itération précédente. On pourrait, par exemple, enfiler les sommets dès que leur distance est modifiée (en faisant attention de ne pas enfiler un sommet déjà présent dans la file !). Si le graphe ne contient pas de circuit absorbant, l'algorithme s'arrêtera lorsque la file sera vide. Dans le cas contraire, il faut conserver le compteur d'itérations (en insérant une "marque de changement de niveau" comme dans le parcours largeur) : si en sortant de la boucle la file n'est pas vide, c'est qu'il y a au moins un circuit absorbant.

Chemin de longueur défini : Une modification de cet algorithme permet d'obtenir des chemins de longueur (en nombre d'arcs) définie. Il suffit pour cela de prendre en compte les distances obtenues à l'itération précédente (et pas celles en cours de calcul, voir l'exemple ici si on prend les sommets dans l'ordre), en utilisant par exemple une matrice : chaque ligne i contient les plus courts chemins de i arcs, calculés à la i ème itération. Les distances sont à chaque itération calculées à partir des distances de la précédente (la ligne du dessus!).