|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| ONTOLOGY | ID | Description | GeneRatio | BgRatio | pvalue | p.adjust | qvalue | geneID | Count |
| BP | GO:1903034 | regulation of response to wounding | 5月19日 | 160/18493 | 4.80E-07 | 0.000470002 | 0.00025116 | PLAU/ANXA1/ANXA2/SPP1/AGER | 5 |
| BP | GO:1903035 | negative regulation of response to wounding | 4月19日 | 84/18493 | 1.46E-06 | 0.000599066 | 0.000320129 | PLAU/ANXA2/SPP1/AGER | 4 |
| BP | GO:0031639 | plasminogen activation | 3月19日 | 24/18493 | 1.84E-06 | 0.000599066 | 0.000320129 | PLAU/ANXA2/PGK1 | 3 |
| BP | GO:0061041 | regulation of wound healing | 4月19日 | 134/18493 | 9.39E-06 | 0.002297853 | 0.001227927 | PLAU/ANXA1/ANXA2/AGER | 4 |
| BP | GO:0031638 | zymogen activation | 3月19日 | 52/18493 | 1.97E-05 | 0.003854011 | 0.002059506 | PLAU/ANXA2/PGK1 | 3 |
| BP | GO:0061045 | negative regulation of wound healing | 3月19日 | 72/18493 | 5.24E-05 | 0.007650435 | 0.004088239 | PLAU/ANXA2/AGER | 3 |
| BP | GO:0031340 | positive regulation of vesicle fusion | 2月19日 | 11/18493 | 5.47E-05 | 0.007650435 | 0.004088239 | ANXA1/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0006090 | pyruvate metabolic process | 3月19日 | 113/18493 | 0.000200437 | 0.018609009 | 0.00994428 | SLC16A3/PGK1/PKM | 3 |
| BP | GO:0001666 | response to hypoxia | 4月19日 | 314/18493 | 0.000258369 | 0.018609009 | 0.00994428 | PLAU/AGER/PGK1/PKM | 4 |
| BP | GO:0036293 | response to decreased oxygen levels | 4月19日 | 325/18493 | 0.000294591 | 0.018609009 | 0.00994428 | PLAU/AGER/PGK1/PKM | 4 |
| BP | GO:0006735 | NADH regeneration | 2月19日 | 25/18493 | 0.000295825 | 0.018609009 | 0.00994428 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0061621 | canonical glycolysis | 2月19日 | 25/18493 | 0.000295825 | 0.018609009 | 0.00994428 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0061718 | glucose catabolic process to pyruvate | 2月19日 | 25/18493 | 0.000295825 | 0.018609009 | 0.00994428 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0032102 | negative regulation of response to external stimulus | 4月19日 | 329/18493 | 0.000308627 | 0.018609009 | 0.00994428 | PLAU/ANXA2/SPP1/AGER | 4 |
| BP | GO:0061615 | glycolytic process through fructose-6-phosphate | 2月19日 | 26/18493 | 0.000320281 | 0.018609009 | 0.00994428 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0061620 | glycolytic process through glucose-6-phosphate | 2月19日 | 26/18493 | 0.000320281 | 0.018609009 | 0.00994428 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0051251 | positive regulation of lymphocyte activation | 4月19日 | 333/18493 | 0.000323139 | 0.018609009 | 0.00994428 | ANXA1/IGHA2/LGALS1/AGER | 4 |
| BP | GO:0042730 | fibrinolysis | 2月19日 | 28/18493 | 0.000372055 | 0.01890127 | 0.010100458 | PLAU/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0030198 | extracellular matrix organization | 4月19日 | 348/18493 | 0.000381958 | 0.01890127 | 0.010100458 | MFAP4/ANXA2/SPP1/FSCN1 | 4 |
| BP | GO:0070482 | response to oxygen levels | 4月19日 | 349/18493 | 0.000386134 | 0.01890127 | 0.010100458 | PLAU/AGER/PGK1/PKM | 4 |
| BP | GO:0031338 | regulation of vesicle fusion | 2月19日 | 30/18493 | 0.000427634 | 0.019935895 | 0.010653341 | ANXA1/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0006007 | glucose catabolic process | 2月19日 | 32/18493 | 0.000487004 | 0.020922021 | 0.011180307 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0002696 | positive regulation of leukocyte activation | 4月19日 | 372/18493 | 0.000491529 | 0.020922021 | 0.011180307 | ANXA1/IGHA2/LGALS1/AGER | 4 |
| BP | GO:0043403 | skeletal muscle tissue regeneration | 2月19日 | 34/18493 | 0.000550151 | 0.021695017 | 0.01159338 | ANXA1/PKM | 2 |
| BP | GO:0050867 | positive regulation of cell activation | 4月19日 | 384/18493 | 0.00055401 | 0.021695017 | 0.01159338 | ANXA1/IGHA2/LGALS1/AGER | 4 |
| BP | GO:0043062 | extracellular structure organization | 4月19日 | 402/18493 | 0.000658103 | 0.024045587 | 0.012849478 | MFAP4/ANXA2/SPP1/FSCN1 | 4 |
| BP | GO:0048771 | tissue remodeling | 3月19日 | 170/18493 | 0.000663643 | 0.024045587 | 0.012849478 | ANXA1/SPP1/AGER | 3 |
| BP | GO:0006734 | NADH metabolic process | 2月19日 | 38/18493 | 0.000687719 | 0.024045587 | 0.012849478 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0060249 | anatomical structure homeostasis | 4月19日 | 425/18493 | 0.000810529 | 0.027362339 | 0.014621883 | IGHA2/SPP1/DKC1/PGK1 | 4 |
| BP | GO:0031099 | regeneration | 3月19日 | 188/18493 | 0.000888644 | 0.02899941 | 0.015496701 | ANXA1/SPP1/PKM | 3 |
| BP | GO:0050870 | positive regulation of T cell activation | 3月19日 | 202/18493 | 0.001093569 | 0.034535628 | 0.018455144 | ANXA1/LGALS1/AGER | 3 |
| BP | GO:0051249 | regulation of lymphocyte activation | 4月19日 | 472/18493 | 0.001197414 | 0.03611855 | 0.019301026 | ANXA1/IGHA2/LGALS1/AGER | 4 |
| BP | GO:0030195 | negative regulation of blood coagulation | 2月19日 | 52/18493 | 0.001286107 | 0.03611855 | 0.019301026 | PLAU/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:1900047 | negative regulation of hemostasis | 2月19日 | 52/18493 | 0.001286107 | 0.03611855 | 0.019301026 | PLAU/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:1903039 | positive regulation of leukocyte cell-cell adhesion | 3月19日 | 214/18493 | 0.001291266 | 0.03611855 | 0.019301026 | ANXA1/LGALS1/AGER | 3 |
| BP | GO:0009435 | NAD biosynthetic process | 2月19日 | 53/18493 | 0.001335725 | 0.036324288 | 0.019410968 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0019320 | hexose catabolic process | 2月19日 | 54/18493 | 0.00138625 | 0.036679426 | 0.019600747 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0050819 | negative regulation of coagulation | 2月19日 | 56/18493 | 0.001490017 | 0.038387536 | 0.020513527 | PLAU/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:2000514 | regulation of CD4-positive, alpha-beta T cell activation | 2月19日 | 57/18493 | 0.001543255 | 0.038739647 | 0.020701687 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0032370 | positive regulation of lipid transport | 2月19日 | 59/18493 | 0.001652431 | 0.040443241 | 0.021612054 | ANXA2/SPP1 | 2 |
| BP | GO:1903902 | positive regulation of viral life cycle | 2月19日 | 60/18493 | 0.001708366 | 0.040792435 | 0.021798656 | LGALS1/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0046365 | monosaccharide catabolic process | 2月19日 | 64/18493 | 0.001941044 | 0.045244805 | 0.024177913 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0042246 | tissue regeneration | 2月19日 | 65/18493 | 0.00200144 | 0.045352453 | 0.024235438 | ANXA1/PKM | 2 |
| BP | GO:0022409 | positive regulation of cell-cell adhesion | 3月19日 | 251/18493 | 0.002038313 | 0.045352453 | 0.024235438 | ANXA1/LGALS1/AGER | 3 |
| BP | GO:1903672 | positive regulation of sprouting angiogenesis | 2月19日 | 67/18493 | 0.002124891 | 0.045378445 | 0.024249328 | ANXA1/PKM | 2 |
| BP | GO:0015850 | organic hydroxy compound transport | 3月19日 | 255/18493 | 0.002132184 | 0.045378445 | 0.024249328 | ANXA2/SPP1/SLC16A3 | 3 |
| BP | GO:0048678 | response to axon injury | 2月19日 | 70/18493 | 0.002316691 | 0.048256183 | 0.025787133 | LGALS1/SPP1 | 2 |
| BP | GO:0019674 | NAD metabolic process | 2月19日 | 71/18493 | 0.002382384 | 0.04859071 | 0.025965897 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0006096 | glycolytic process | 2月19日 | 74/18493 | 0.002584718 | 0.05164162 | 0.027596242 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0006757 | ATP generation from ADP | 2月19日 | 75/18493 | 0.002653909 | 0.051963546 | 0.027768273 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0030193 | regulation of blood coagulation | 2月19日 | 77/18493 | 0.0027949 | 0.052619375 | 0.028118735 | PLAU/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:1900046 | regulation of hemostasis | 2月19日 | 77/18493 | 0.0027949 | 0.052619375 | 0.028118735 | PLAU/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0042866 | pyruvate biosynthetic process | 2月19日 | 78/18493 | 0.002866697 | 0.052952765 | 0.028296892 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:1905954 | positive regulation of lipid localization | 2月19日 | 79/18493 | 0.002939359 | 0.053289494 | 0.028476833 | ANXA2/SPP1 | 2 |
| BP | GO:0072330 | monocarboxylic acid biosynthetic process | 3月19日 | 293/18493 | 0.003160564 | 0.054317676 | 0.029026273 | ANXA1/PGK1/PKM | 3 |
| BP | GO:1903037 | regulation of leukocyte cell-cell adhesion | 3月19日 | 293/18493 | 0.003160564 | 0.054317676 | 0.029026273 | ANXA1/LGALS1/AGER | 3 |
| BP | GO:0050818 | regulation of coagulation | 2月19日 | 82/18493 | 0.00316252 | 0.054317676 | 0.029026273 | PLAU/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0034103 | regulation of tissue remodeling | 2月19日 | 84/18493 | 0.003315591 | 0.055016326 | 0.029399617 | SPP1/AGER | 2 |
| BP | GO:0046031 | ADP metabolic process | 2月19日 | 84/18493 | 0.003315591 | 0.055016326 | 0.029399617 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0048524 | positive regulation of viral process | 2月19日 | 86/18493 | 0.003472082 | 0.056081018 | 0.029968567 | LGALS1/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0050863 | regulation of T cell activation | 3月19日 | 305/18493 | 0.003538797 | 0.056081018 | 0.029968567 | ANXA1/LGALS1/AGER | 3 |
| BP | GO:0035710 | CD4-positive, alpha-beta T cell activation | 2月19日 | 87/18493 | 0.003551607 | 0.056081018 | 0.029968567 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0016485 | protein processing | 3月19日 | 310/18493 | 0.00370426 | 0.056800445 | 0.030353014 | PLAU/ANXA2/PGK1 | 3 |
| BP | GO:0006906 | vesicle fusion | 2月19日 | 89/18493 | 0.003713206 | 0.056800445 | 0.030353014 | ANXA1/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0046634 | regulation of alpha-beta T cell activation | 2月19日 | 91/18493 | 0.003878193 | 0.058411555 | 0.031213959 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0006165 | nucleoside diphosphate phosphorylation | 2月19日 | 92/18493 | 0.003961953 | 0.058541484 | 0.031283391 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0046939 | nucleotide phosphorylation | 2月19日 | 94/18493 | 0.004131999 | 0.058541484 | 0.031283391 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0060191 | regulation of lipase activity | 2月19日 | 95/18493 | 0.004218281 | 0.058541484 | 0.031283391 | ANXA1/RHOC | 2 |
| BP | GO:0090174 | organelle membrane fusion | 2月19日 | 95/18493 | 0.004218281 | 0.058541484 | 0.031283391 | ANXA1/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0007159 | leukocyte cell-cell adhesion | 3月19日 | 327/18493 | 0.004302185 | 0.058541484 | 0.031283391 | ANXA1/LGALS1/AGER | 3 |
| BP | GO:0009135 | purine nucleoside diphosphate metabolic process | 2月19日 | 96/18493 | 0.0043054 | 0.058541484 | 0.031283391 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0009179 | purine ribonucleoside diphosphate metabolic process | 2月19日 | 96/18493 | 0.0043054 | 0.058541484 | 0.031283391 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0042102 | positive regulation of T cell proliferation | 2月19日 | 97/18493 | 0.004393355 | 0.058919107 | 0.031485185 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0009185 | ribonucleoside diphosphate metabolic process | 2月19日 | 98/18493 | 0.004482144 | 0.059297559 | 0.031687422 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0014812 | muscle cell migration | 2月19日 | 103/18493 | 0.004938544 | 0.064464464 | 0.034448512 | PLAU/ANXA1 | 2 |
| BP | GO:0006898 | receptor-mediated endocytosis | 3月19日 | 346/18493 | 0.005036637 | 0.064879842 | 0.034670482 | IGHA2/ANXA2/AGER | 3 |
| BP | GO:0019359 | nicotinamide nucleotide biosynthetic process | 2月19日 | 106/18493 | 0.00522229 | 0.065546429 | 0.035026692 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0019363 | pyridine nucleotide biosynthetic process | 2月19日 | 106/18493 | 0.00522229 | 0.065546429 | 0.035026692 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0002460 | adaptive immune response based on somatic recombination of immune receptors built from immunoglobulin superfamily domains | 3月19日 | 354/18493 | 0.005367274 | 0.066513433 | 0.03554344 | ANXA1/IGHA2/AGER | 3 |
| BP | GO:0072525 | pyridine-containing compound biosynthetic process | 2月19日 | 109/18493 | 0.005513411 | 0.067447808 | 0.036042751 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0006869 | lipid transport | 3月19日 | 359/18493 | 0.005580462 | 0.067447808 | 0.036042751 | ANXA1/ANXA2/SPP1 | 3 |
| BP | GO:0051817 | modification of morphology or physiology of other organism involved in symbiotic interaction | 2月19日 | 112/18493 | 0.005811865 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA2/KPNA2 | 2 |
| BP | GO:0006754 | ATP biosynthetic process | 2月19日 | 116/18493 | 0.006221136 | 0.0693003 | 0.037032686 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0009132 | nucleoside diphosphate metabolic process | 2月19日 | 116/18493 | 0.006221136 | 0.0693003 | 0.037032686 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0051604 | protein maturation | 3月19日 | 378/18493 | 0.006437139 | 0.0693003 | 0.037032686 | PLAU/ANXA2/PGK1 | 3 |
| BP | GO:0048284 | organelle fusion | 2月19日 | 119/18493 | 0.006536533 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0045765 | regulation of angiogenesis | 3月19日 | 381/18493 | 0.006579222 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/PGK1/PKM | 3 |
| BP | GO:0032368 | regulation of lipid transport | 2月19日 | 122/18493 | 0.006859121 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA2/SPP1 | 2 |
| BP | GO:0022407 | regulation of cell-cell adhesion | 3月19日 | 388/18493 | 0.006918069 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/LGALS1/AGER | 3 |
| BP | GO:0007043 | cell-cell junction assembly | 2月19日 | 123/18493 | 0.00696824 | 0.0693003 | 0.037032686 | FSCN1/RHOC | 2 |
| BP | GO:0010876 | lipid localization | 3月19日 | 393/18493 | 0.007166413 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/ANXA2/SPP1 | 3 |
| BP | GO:0045785 | positive regulation of cell adhesion | 3月19日 | 397/18493 | 0.007368897 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/LGALS1/AGER | 3 |
| BP | GO:0009206 | purine ribonucleoside triphosphate biosynthetic process | 2月19日 | 127/18493 | 0.007412629 | 0.0693003 | 0.037032686 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0032355 | response to estradiol | 2月19日 | 127/18493 | 0.007412629 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/H2AFZ | 2 |
| BP | GO:0071333 | cellular response to glucose stimulus | 2月19日 | 127/18493 | 0.007412629 | 0.0693003 | 0.037032686 | LGALS1/AGER | 2 |
| BP | GO:0009145 | purine nucleoside triphosphate biosynthetic process | 2月19日 | 128/18493 | 0.007525696 | 0.0693003 | 0.037032686 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0071331 | cellular response to hexose stimulus | 2月19日 | 129/18493 | 0.007639548 | 0.0693003 | 0.037032686 | LGALS1/AGER | 2 |
| BP | GO:0071326 | cellular response to monosaccharide stimulus | 2月19日 | 130/18493 | 0.007754183 | 0.0693003 | 0.037032686 | LGALS1/AGER | 2 |
| BP | GO:0050671 | positive regulation of lymphocyte proliferation | 2月19日 | 132/18493 | 0.007985796 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0009201 | ribonucleoside triphosphate biosynthetic process | 2月19日 | 133/18493 | 0.008102772 | 0.0693003 | 0.037032686 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0032946 | positive regulation of mononuclear cell proliferation | 2月19日 | 133/18493 | 0.008102772 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0046394 | carboxylic acid biosynthetic process | 3月19日 | 412/18493 | 0.008158637 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/PGK1/PKM | 3 |
| BP | GO:0016053 | organic acid biosynthetic process | 3月19日 | 413/18493 | 0.008213006 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/PGK1/PKM | 3 |
| BP | GO:0046631 | alpha-beta T cell activation | 2月19日 | 134/18493 | 0.008220524 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0001889 | liver development | 2月19日 | 137/18493 | 0.008578428 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/PKM | 2 |
| BP | GO:1901342 | regulation of vasculature development | 3月19日 | 421/18493 | 0.008655761 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/PGK1/PKM | 3 |
| BP | GO:0071322 | cellular response to carbohydrate stimulus | 2月19日 | 138/18493 | 0.008699274 | 0.0693003 | 0.037032686 | LGALS1/AGER | 2 |
| BP | GO:0070665 | positive regulation of leukocyte proliferation | 2月19日 | 139/18493 | 0.008820888 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0009166 | nucleotide catabolic process | 2月19日 | 140/18493 | 0.008943271 | 0.0693003 | 0.037032686 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0061008 | hepaticobiliary system development | 2月19日 | 140/18493 | 0.008943271 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/PKM | 2 |
| BP | GO:1903900 | regulation of viral life cycle | 2月19日 | 140/18493 | 0.008943271 | 0.0693003 | 0.037032686 | LGALS1/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0048608 | reproductive structure development | 3月19日 | 428/18493 | 0.009054607 | 0.0693003 | 0.037032686 | KRT19/ANXA1/SPP1 | 3 |
| BP | GO:0009127 | purine nucleoside monophosphate biosynthetic process | 2月19日 | 141/18493 | 0.009066419 | 0.0693003 | 0.037032686 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0009168 | purine ribonucleoside monophosphate biosynthetic process | 2月19日 | 141/18493 | 0.009066419 | 0.0693003 | 0.037032686 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0001678 | cellular glucose homeostasis | 2月19日 | 142/18493 | 0.009190333 | 0.0693003 | 0.037032686 | LGALS1/AGER | 2 |
| BP | GO:1902107 | positive regulation of leukocyte differentiation | 2月19日 | 142/18493 | 0.009190333 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0061458 | reproductive system development | 3月19日 | 431/18493 | 0.009228827 | 0.0693003 | 0.037032686 | KRT19/ANXA1/SPP1 | 3 |
| BP | GO:1903670 | regulation of sprouting angiogenesis | 2月19日 | 143/18493 | 0.009315009 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/PKM | 2 |
| BP | GO:0002822 | regulation of adaptive immune response based on somatic recombination of immune receptors built from immunoglobulin superfamily domains | 2月19日 | 144/18493 | 0.009440448 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0009142 | nucleoside triphosphate biosynthetic process | 2月19日 | 145/18493 | 0.009566646 | 0.0693003 | 0.037032686 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0019362 | pyridine nucleotide metabolic process | 2月19日 | 145/18493 | 0.009566646 | 0.0693003 | 0.037032686 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0046496 | nicotinamide nucleotide metabolic process | 2月19日 | 145/18493 | 0.009566646 | 0.0693003 | 0.037032686 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:1901292 | nucleoside phosphate catabolic process | 2月19日 | 146/18493 | 0.009693603 | 0.0693003 | 0.037032686 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0010977 | negative regulation of neuron projection development | 2月19日 | 148/18493 | 0.009949787 | 0.0693003 | 0.037032686 | LGALS1/SPP1 | 2 |
| BP | GO:0001890 | placenta development | 2月19日 | 149/18493 | 0.010079011 | 0.0693003 | 0.037032686 | KRT19/SPP1 | 2 |
| BP | GO:0061025 | membrane fusion | 2月19日 | 149/18493 | 0.010079011 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0031214 | biomineral tissue development | 2月19日 | 150/18493 | 0.010208988 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA2/SPP1 | 2 |
| BP | GO:0072524 | pyridine-containing compound metabolic process | 2月19日 | 150/18493 | 0.010208988 | 0.0693003 | 0.037032686 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0032464 | positive regulation of protein homooligomerization | 1月19日 | 10/18493 | 0.010229264 | 0.0693003 | 0.037032686 | RHOC | 1 |
| BP | GO:0044359 | modulation of molecular function in other organism | 1月19日 | 10/18493 | 0.010229264 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0045625 | regulation of T-helper 1 cell differentiation | 1月19日 | 10/18493 | 0.010229264 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0052205 | modulation of molecular function in other organism involved in symbiotic interaction | 1月19日 | 10/18493 | 0.010229264 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0090594 | inflammatory response to wounding | 1月19日 | 10/18493 | 0.010229264 | 0.0693003 | 0.037032686 | AGER | 1 |
| BP | GO:1900122 | positive regulation of receptor binding | 1月19日 | 10/18493 | 0.010229264 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:1900272 | negative regulation of long-term synaptic potentiation | 1月19日 | 10/18493 | 0.010229264 | 0.0693003 | 0.037032686 | AGER | 1 |
| BP | GO:1903405 | protein localization to nuclear body | 1月19日 | 10/18493 | 0.010229264 | 0.0693003 | 0.037032686 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:1904851 | positive regulation of establishment of protein localization to telomere | 1月19日 | 10/18493 | 0.010229264 | 0.0693003 | 0.037032686 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:1904867 | protein localization to Cajal body | 1月19日 | 10/18493 | 0.010229264 | 0.0693003 | 0.037032686 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:2000644 | regulation of receptor catabolic process | 1月19日 | 10/18493 | 0.010229264 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:2001198 | regulation of dendritic cell differentiation | 1月19日 | 10/18493 | 0.010229264 | 0.0693003 | 0.037032686 | AGER | 1 |
| BP | GO:0008360 | regulation of cell shape | 2月19日 | 151/18493 | 0.010339715 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/RHOC | 2 |
| BP | GO:0051017 | actin filament bundle assembly | 2月19日 | 151/18493 | 0.010339715 | 0.0693003 | 0.037032686 | FSCN1/RHOC | 2 |
| BP | GO:0042110 | T cell activation | 3月19日 | 451/18493 | 0.010441109 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/LGALS1/AGER | 3 |
| BP | GO:0016052 | carbohydrate catabolic process | 2月19日 | 152/18493 | 0.010471192 | 0.0693003 | 0.037032686 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:1905952 | regulation of lipid localization | 2月19日 | 152/18493 | 0.010471192 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA2/SPP1 | 2 |
| BP | GO:0042129 | regulation of T cell proliferation | 2月19日 | 153/18493 | 0.010603417 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0051262 | protein tetramerization | 2月19日 | 153/18493 | 0.010603417 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA2/PKM | 2 |
| BP | GO:0009156 | ribonucleoside monophosphate biosynthetic process | 2月19日 | 155/18493 | 0.010870106 | 0.0693003 | 0.037032686 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0045216 | cell-cell junction organization | 2月19日 | 155/18493 | 0.010870106 | 0.0693003 | 0.037032686 | FSCN1/RHOC | 2 |
| BP | GO:0061572 | actin filament bundle organization | 2月19日 | 155/18493 | 0.010870106 | 0.0693003 | 0.037032686 | FSCN1/RHOC | 2 |
| BP | GO:0002819 | regulation of adaptive immune response | 2月19日 | 157/18493 | 0.011139768 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0001765 | membrane raft assembly | 1月19日 | 11/18493 | 0.011246721 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0009629 | response to gravity | 1月19日 | 11/18493 | 0.011246721 | 0.0693003 | 0.037032686 | PKM | 1 |
| BP | GO:0014870 | response to muscle inactivity | 1月19日 | 11/18493 | 0.011246721 | 0.0693003 | 0.037032686 | PKM | 1 |
| BP | GO:0045628 | regulation of T-helper 2 cell differentiation | 1月19日 | 11/18493 | 0.011246721 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0070203 | regulation of establishment of protein localization to telomere | 1月19日 | 11/18493 | 0.011246721 | 0.0693003 | 0.037032686 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0071639 | positive regulation of monocyte chemotactic protein-1 production | 1月19日 | 11/18493 | 0.011246721 | 0.0693003 | 0.037032686 | AGER | 1 |
| BP | GO:0071803 | positive regulation of podosome assembly | 1月19日 | 11/18493 | 0.011246721 | 0.0693003 | 0.037032686 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:0015718 | monocarboxylic acid transport | 2月19日 | 158/18493 | 0.011275711 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/SLC16A3 | 2 |
| BP | GO:0035821 | modification of morphology or physiology of other organism | 2月19日 | 161/18493 | 0.011687967 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA2/KPNA2 | 2 |
| BP | GO:0048871 | multicellular organismal homeostasis | 3月19日 | 471/18493 | 0.011742787 | 0.0693003 | 0.037032686 | IGHA2/SPP1/G0S2 | 3 |
| BP | GO:0006733 | oxidoreduction coenzyme metabolic process | 2月19日 | 162/18493 | 0.011826857 | 0.0693003 | 0.037032686 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0043902 | positive regulation of multi-organism process | 2月19日 | 162/18493 | 0.011826857 | 0.0693003 | 0.037032686 | LGALS1/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0022604 | regulation of cell morphogenesis | 3月19日 | 474/18493 | 0.011945831 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/SPP1/RHOC | 3 |
| BP | GO:0050900 | leukocyte migration | 3月19日 | 478/18493 | 0.012219738 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/IGHA2/SLC16A3 | 3 |
| BP | GO:0010986 | positive regulation of lipoprotein particle clearance | 1月19日 | 12/18493 | 0.012263186 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0030950 | establishment or maintenance of actin cytoskeleton polarity | 1月19日 | 12/18493 | 0.012263186 | 0.0693003 | 0.037032686 | RHOC | 1 |
| BP | GO:0031126 | snoRNA 3'-end processing | 1月19日 | 12/18493 | 0.012263186 | 0.0693003 | 0.037032686 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0032429 | regulation of phospholipase A2 activity | 1月19日 | 12/18493 | 0.012263186 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0048681 | negative regulation of axon regeneration | 1月19日 | 12/18493 | 0.012263186 | 0.0693003 | 0.037032686 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:0070202 | regulation of establishment of protein localization to chromosome | 1月19日 | 12/18493 | 0.012263186 | 0.0693003 | 0.037032686 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:1904816 | positive regulation of protein localization to chromosome, telomeric region | 1月19日 | 12/18493 | 0.012263186 | 0.0693003 | 0.037032686 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:1990173 | protein localization to nucleoplasm | 1月19日 | 12/18493 | 0.012263186 | 0.0693003 | 0.037032686 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:1901652 | response to peptide | 3月19日 | 481/18493 | 0.012427559 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/AGER/PKM | 3 |
| BP | GO:0009124 | nucleoside monophosphate biosynthetic process | 2月19日 | 167/18493 | 0.012532273 | 0.0693003 | 0.037032686 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0043312 | neutrophil degranulation | 3月19日 | 485/18493 | 0.01270785 | 0.0693003 | 0.037032686 | PLAU/ANXA2/PKM | 3 |
| BP | GO:0002283 | neutrophil activation involved in immune response | 3月19日 | 488/18493 | 0.012920469 | 0.0693003 | 0.037032686 | PLAU/ANXA2/PKM | 3 |
| BP | GO:0003157 | endocardium development | 1月19日 | 13/18493 | 0.013278661 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0009650 | UV protection | 1月19日 | 13/18493 | 0.013278661 | 0.0693003 | 0.037032686 | MFAP4 | 1 |
| BP | GO:0032530 | regulation of microvillus organization | 1月19日 | 13/18493 | 0.013278661 | 0.0693003 | 0.037032686 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:0044090 | positive regulation of vacuole organization | 1月19日 | 13/18493 | 0.013278661 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0051451 | myoblast migration | 1月19日 | 13/18493 | 0.013278661 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:1900452 | regulation of long-term synaptic depression | 1月19日 | 13/18493 | 0.013278661 | 0.0693003 | 0.037032686 | AGER | 1 |
| BP | GO:0002285 | lymphocyte activation involved in immune response | 2月19日 | 174/18493 | 0.013550292 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/LGALS1 | 2 |
| BP | GO:0042119 | neutrophil activation | 3月19日 | 498/18493 | 0.013644115 | 0.0693003 | 0.037032686 | PLAU/ANXA2/PKM | 3 |
| BP | GO:0002446 | neutrophil mediated immunity | 3月19日 | 499/18493 | 0.013717744 | 0.0693003 | 0.037032686 | PLAU/ANXA2/PKM | 3 |
| BP | GO:0050792 | regulation of viral process | 2月19日 | 177/18493 | 0.013997345 | 0.0693003 | 0.037032686 | LGALS1/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0042098 | T cell proliferation | 2月19日 | 178/18493 | 0.014147787 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0002829 | negative regulation of type 2 immune response | 1月19日 | 14/18493 | 0.014293147 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0010755 | regulation of plasminogen activation | 1月19日 | 14/18493 | 0.014293147 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0014854 | response to inactivity | 1月19日 | 14/18493 | 0.014293147 | 0.0693003 | 0.037032686 | PKM | 1 |
| BP | GO:0032802 | low-density lipoprotein particle receptor catabolic process | 1月19日 | 14/18493 | 0.014293147 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0043144 | snoRNA processing | 1月19日 | 14/18493 | 0.014293147 | 0.0693003 | 0.037032686 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0045064 | T-helper 2 cell differentiation | 1月19日 | 14/18493 | 0.014293147 | 0.0693003 | 0.037032686 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0048143 | astrocyte activation | 1月19日 | 14/18493 | 0.014293147 | 0.0693003 | 0.037032686 | AGER | 1 |
| BP | GO:0048711 | positive regulation of astrocyte differentiation | 1月19日 | 14/18493 | 0.014293147 | 0.0693003 | 0.037032686 | AGER | 1 |
| BP | GO:0050930 | induction of positive chemotaxis | 1月19日 | 14/18493 | 0.014293147 | 0.0693003 | 0.037032686 | AGER | 1 |
| BP | GO:0060263 | regulation of respiratory burst | 1月19日 | 14/18493 | 0.014293147 | 0.0693003 | 0.037032686 | IGHA2 | 1 |
| BP | GO:0070571 | negative regulation of neuron projection regeneration | 1月19日 | 14/18493 | 0.014293147 | 0.0693003 | 0.037032686 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:0150078 | positive regulation of neuroinflammatory response | 1月19日 | 14/18493 | 0.014293147 | 0.0693003 | 0.037032686 | AGER | 1 |
| BP | GO:1904814 | regulation of protein localization to chromosome, telomeric region | 1月19日 | 14/18493 | 0.014293147 | 0.0693003 | 0.037032686 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0031345 | negative regulation of cell projection organization | 2月19日 | 179/18493 | 0.014298938 | 0.0693003 | 0.037032686 | LGALS1/SPP1 | 2 |
| BP | GO:0043123 | positive regulation of I-kappaB kinase/NF-kappaB signaling | 2月19日 | 181/18493 | 0.014603364 | 0.070427059 | 0.037634803 | LGALS1/RHOC | 2 |
| BP | GO:1903708 | positive regulation of hemopoiesis | 2月19日 | 183/18493 | 0.01491061 | 0.070684934 | 0.037772606 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0034404 | nucleobase-containing small molecule biosynthetic process | 2月19日 | 184/18493 | 0.015065287 | 0.070684934 | 0.037772606 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0001921 | positive regulation of receptor recycling | 1月19日 | 15/18493 | 0.015306646 | 0.070684934 | 0.037772606 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0010715 | regulation of extracellular matrix disassembly | 1月19日 | 15/18493 | 0.015306646 | 0.070684934 | 0.037772606 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:0042447 | hormone catabolic process | 1月19日 | 15/18493 | 0.015306646 | 0.070684934 | 0.037772606 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:0044794 | positive regulation by host of viral process | 1月19日 | 15/18493 | 0.015306646 | 0.070684934 | 0.037772606 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0070365 | hepatocyte differentiation | 1月19日 | 15/18493 | 0.015306646 | 0.070684934 | 0.037772606 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0071801 | regulation of podosome assembly | 1月19日 | 15/18493 | 0.015306646 | 0.070684934 | 0.037772606 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:1904874 | positive regulation of telomerase RNA localization to Cajal body | 1月19日 | 15/18493 | 0.015306646 | 0.070684934 | 0.037772606 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0002040 | sprouting angiogenesis | 2月19日 | 189/18493 | 0.015849156 | 0.072291647 | 0.038631201 | ANXA1/PKM | 2 |
| BP | GO:0031032 | actomyosin structure organization | 2月19日 | 189/18493 | 0.015849156 | 0.072291647 | 0.038631201 | KRT19/RHOC | 2 |
| BP | GO:0009749 | response to glucose | 2月19日 | 191/18493 | 0.016167569 | 0.072291647 | 0.038631201 | LGALS1/AGER | 2 |
| BP | GO:0001780 | neutrophil homeostasis | 1月19日 | 16/18493 | 0.016319156 | 0.072291647 | 0.038631201 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0030033 | microvillus assembly | 1月19日 | 16/18493 | 0.016319156 | 0.072291647 | 0.038631201 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:0030952 | establishment or maintenance of cytoskeleton polarity | 1月19日 | 16/18493 | 0.016319156 | 0.072291647 | 0.038631201 | RHOC | 1 |
| BP | GO:0045623 | negative regulation of T-helper cell differentiation | 1月19日 | 16/18493 | 0.016319156 | 0.072291647 | 0.038631201 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0070200 | establishment of protein localization to telomere | 1月19日 | 16/18493 | 0.016319156 | 0.072291647 | 0.038631201 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:1905203 | regulation of connective tissue replacement | 1月19日 | 16/18493 | 0.016319156 | 0.072291647 | 0.038631201 | AGER | 1 |
| BP | GO:0009746 | response to hexose | 2月19日 | 196/18493 | 0.016975665 | 0.073768419 | 0.039420358 | LGALS1/AGER | 2 |
| BP | GO:0001522 | pseudouridine synthesis | 1月19日 | 17/18493 | 0.017330681 | 0.073768419 | 0.039420358 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0032693 | negative regulation of interleukin-10 production | 1月19日 | 17/18493 | 0.017330681 | 0.073768419 | 0.039420358 | AGER | 1 |
| BP | GO:0045780 | positive regulation of bone resorption | 1月19日 | 17/18493 | 0.017330681 | 0.073768419 | 0.039420358 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:0046852 | positive regulation of bone remodeling | 1月19日 | 17/18493 | 0.017330681 | 0.073768419 | 0.039420358 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:0060192 | negative regulation of lipase activity | 1月19日 | 17/18493 | 0.017330681 | 0.073768419 | 0.039420358 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0071605 | monocyte chemotactic protein-1 production | 1月19日 | 17/18493 | 0.017330681 | 0.073768419 | 0.039420358 | AGER | 1 |
| BP | GO:0071637 | regulation of monocyte chemotactic protein-1 production | 1月19日 | 17/18493 | 0.017330681 | 0.073768419 | 0.039420358 | AGER | 1 |
| BP | GO:1903978 | regulation of microglial cell activation | 1月19日 | 17/18493 | 0.017330681 | 0.073768419 | 0.039420358 | AGER | 1 |
| BP | GO:0007163 | establishment or maintenance of cell polarity | 2月19日 | 199/18493 | 0.017468738 | 0.073886211 | 0.039483304 | FSCN1/RHOC | 2 |
| BP | GO:0045766 | positive regulation of angiogenesis | 2月19日 | 200/18493 | 0.017634456 | 0.073886211 | 0.039483304 | ANXA1/PKM | 2 |
| BP | GO:0034284 | response to monosaccharide | 2月19日 | 201/18493 | 0.017800852 | 0.073886211 | 0.039483304 | LGALS1/AGER | 2 |
| BP | GO:0043903 | regulation of symbiosis, encompassing mutualism through parasitism | 2月19日 | 203/18493 | 0.018135673 | 0.073886211 | 0.039483304 | LGALS1/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0046434 | organophosphate catabolic process | 2月19日 | 203/18493 | 0.018135673 | 0.073886211 | 0.039483304 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0006006 | glucose metabolic process | 2月19日 | 204/18493 | 0.018304095 | 0.073886211 | 0.039483304 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0010224 | response to UV-B | 1月19日 | 18/18493 | 0.01834122 | 0.073886211 | 0.039483304 | MFAP4 | 1 |
| BP | GO:0032717 | negative regulation of interleukin-8 production | 1月19日 | 18/18493 | 0.01834122 | 0.073886211 | 0.039483304 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0035089 | establishment of apical/basal cell polarity | 1月19日 | 18/18493 | 0.01834122 | 0.073886211 | 0.039483304 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:0045063 | T-helper 1 cell differentiation | 1月19日 | 18/18493 | 0.01834122 | 0.073886211 | 0.039483304 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:1904872 | regulation of telomerase RNA localization to Cajal body | 1月19日 | 18/18493 | 0.01834122 | 0.073886211 | 0.039483304 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0050670 | regulation of lymphocyte proliferation | 2月19日 | 205/18493 | 0.018473189 | 0.073886211 | 0.039483304 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0032944 | regulation of mononuclear cell proliferation | 2月19日 | 206/18493 | 0.018642954 | 0.073886211 | 0.039483304 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0010810 | regulation of cell-substrate adhesion | 2月19日 | 209/18493 | 0.019156261 | 0.073886211 | 0.039483304 | PLAU/LGALS1 | 2 |
| BP | GO:0051701 | interaction with host | 2月19日 | 209/18493 | 0.019156261 | 0.073886211 | 0.039483304 | LGALS1/KPNA2 | 2 |
| BP | GO:0002313 | mature B cell differentiation involved in immune response | 1月19日 | 19/18493 | 0.019350774 | 0.073886211 | 0.039483304 | LGALS1 | 1 |
| BP | GO:0003094 | glomerular filtration | 1月19日 | 19/18493 | 0.019350774 | 0.073886211 | 0.039483304 | IGHA2 | 1 |
| BP | GO:0016074 | snoRNA metabolic process | 1月19日 | 19/18493 | 0.019350774 | 0.073886211 | 0.039483304 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0034104 | negative regulation of tissue remodeling | 1月19日 | 19/18493 | 0.019350774 | 0.073886211 | 0.039483304 | AGER | 1 |
| BP | GO:0036035 | osteoclast development | 1月19日 | 19/18493 | 0.019350774 | 0.073886211 | 0.039483304 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0048670 | regulation of collateral sprouting | 1月19日 | 19/18493 | 0.019350774 | 0.073886211 | 0.039483304 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:0071800 | podosome assembly | 1月19日 | 19/18493 | 0.019350774 | 0.073886211 | 0.039483304 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:0090670 | RNA localization to Cajal body | 1月19日 | 19/18493 | 0.019350774 | 0.073886211 | 0.039483304 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0090671 | telomerase RNA localization to Cajal body | 1月19日 | 19/18493 | 0.019350774 | 0.073886211 | 0.039483304 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0090672 | telomerase RNA localization | 1月19日 | 19/18493 | 0.019350774 | 0.073886211 | 0.039483304 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0090685 | RNA localization to nucleus | 1月19日 | 19/18493 | 0.019350774 | 0.073886211 | 0.039483304 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0002827 | positive regulation of T-helper 1 type immune response | 1月19日 | 20/18493 | 0.020359345 | 0.073886211 | 0.039483304 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0010592 | positive regulation of lamellipodium assembly | 1月19日 | 20/18493 | 0.020359345 | 0.073886211 | 0.039483304 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:0031579 | membrane raft organization | 1月19日 | 20/18493 | 0.020359345 | 0.073886211 | 0.039483304 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0032462 | regulation of protein homooligomerization | 1月19日 | 20/18493 | 0.020359345 | 0.073886211 | 0.039483304 | RHOC | 1 |
| BP | GO:0043371 | negative regulation of CD4-positive, alpha-beta T cell differentiation | 1月19日 | 20/18493 | 0.020359345 | 0.073886211 | 0.039483304 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0045723 | positive regulation of fatty acid biosynthetic process | 1月19日 | 20/18493 | 0.020359345 | 0.073886211 | 0.039483304 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0046697 | decidualization | 1月19日 | 20/18493 | 0.020359345 | 0.073886211 | 0.039483304 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:0046716 | muscle cell cellular homeostasis | 1月19日 | 20/18493 | 0.020359345 | 0.073886211 | 0.039483304 | PGK1 | 1 |
| BP | GO:0061162 | establishment of monopolar cell polarity | 1月19日 | 20/18493 | 0.020359345 | 0.073886211 | 0.039483304 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:0097205 | renal filtration | 1月19日 | 20/18493 | 0.020359345 | 0.073886211 | 0.039483304 | IGHA2 | 1 |
| BP | GO:0097242 | amyloid-beta clearance | 1月19日 | 20/18493 | 0.020359345 | 0.073886211 | 0.039483304 | AGER | 1 |
| BP | GO:1903055 | positive regulation of extracellular matrix organization | 1月19日 | 20/18493 | 0.020359345 | 0.073886211 | 0.039483304 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:0007584 | response to nutrient | 2月19日 | 216/18493 | 0.020377198 | 0.073886211 | 0.039483304 | SPP1/PKM | 2 |
| BP | GO:0070663 | regulation of leukocyte proliferation | 2月19日 | 216/18493 | 0.020377198 | 0.073886211 | 0.039483304 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0009108 | coenzyme biosynthetic process | 2月19日 | 217/18493 | 0.020554251 | 0.073980192 | 0.039533525 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0045665 | negative regulation of neuron differentiation | 2月19日 | 217/18493 | 0.020554251 | 0.073980192 | 0.039533525 | LGALS1/SPP1 | 2 |
| BP | GO:0001894 | tissue homeostasis | 2月19日 | 221/18493 | 0.021268993 | 0.075517065 | 0.0403548 | IGHA2/SPP1 | 2 |
| BP | GO:0016556 | mRNA modification | 1月19日 | 21/18493 | 0.021366933 | 0.075517065 | 0.0403548 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0032332 | positive regulation of chondrocyte differentiation | 1月19日 | 21/18493 | 0.021366933 | 0.075517065 | 0.0403548 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0061339 | establishment or maintenance of monopolar cell polarity | 1月19日 | 21/18493 | 0.021366933 | 0.075517065 | 0.0403548 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:0097709 | connective tissue replacement | 1月19日 | 21/18493 | 0.021366933 | 0.075517065 | 0.0403548 | AGER | 1 |
| BP | GO:0009743 | response to carbohydrate | 2月19日 | 223/18493 | 0.021630261 | 0.076172755 | 0.040705187 | LGALS1/AGER | 2 |
| BP | GO:0043122 | regulation of I-kappaB kinase/NF-kappaB signaling | 2月19日 | 226/18493 | 0.022177006 | 0.077398213 | 0.041360047 | LGALS1/RHOC | 2 |
| BP | GO:0006925 | inflammatory cell apoptotic process | 1月19日 | 22/18493 | 0.022373539 | 0.077398213 | 0.041360047 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0032373 | positive regulation of sterol transport | 1月19日 | 22/18493 | 0.022373539 | 0.077398213 | 0.041360047 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0032376 | positive regulation of cholesterol transport | 1月19日 | 22/18493 | 0.022373539 | 0.077398213 | 0.041360047 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0045624 | positive regulation of T-helper cell differentiation | 1月19日 | 22/18493 | 0.022373539 | 0.077398213 | 0.041360047 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:1904018 | positive regulation of vasculature development | 2月19日 | 228/18493 | 0.022544714 | 0.077715756 | 0.041529736 | ANXA1/PKM | 2 |
| BP | GO:0002335 | mature B cell differentiation | 1月19日 | 23/18493 | 0.023379164 | 0.079197929 | 0.042321779 | LGALS1 | 1 |
| BP | GO:0010988 | regulation of low-density lipoprotein particle clearance | 1月19日 | 23/18493 | 0.023379164 | 0.079197929 | 0.042321779 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0032366 | intracellular sterol transport | 1月19日 | 23/18493 | 0.023379164 | 0.079197929 | 0.042321779 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0032367 | intracellular cholesterol transport | 1月19日 | 23/18493 | 0.023379164 | 0.079197929 | 0.042321779 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0032799 | low-density lipoprotein receptor particle metabolic process | 1月19日 | 23/18493 | 0.023379164 | 0.079197929 | 0.042321779 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0042593 | glucose homeostasis | 2月19日 | 233/18493 | 0.023475145 | 0.079248852 | 0.042348992 | LGALS1/AGER | 2 |
| BP | GO:0033500 | carbohydrate homeostasis | 2月19日 | 234/18493 | 0.023663134 | 0.079430357 | 0.042445984 | LGALS1/AGER | 2 |
| BP | GO:0001516 | prostaglandin biosynthetic process | 1月19日 | 24/18493 | 0.024383809 | 0.079430357 | 0.042445984 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0001919 | regulation of receptor recycling | 1月19日 | 24/18493 | 0.024383809 | 0.079430357 | 0.042445984 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0032528 | microvillus organization | 1月19日 | 24/18493 | 0.024383809 | 0.079430357 | 0.042445984 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:0034110 | regulation of homotypic cell-cell adhesion | 1月19日 | 24/18493 | 0.024383809 | 0.079430357 | 0.042445984 | LGALS1 | 1 |
| BP | GO:0046457 | prostanoid biosynthetic process | 1月19日 | 24/18493 | 0.024383809 | 0.079430357 | 0.042445984 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0046639 | negative regulation of alpha-beta T cell differentiation | 1月19日 | 24/18493 | 0.024383809 | 0.079430357 | 0.042445984 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0048679 | regulation of axon regeneration | 1月19日 | 24/18493 | 0.024383809 | 0.079430357 | 0.042445984 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:1900120 | regulation of receptor binding | 1月19日 | 24/18493 | 0.024383809 | 0.079430357 | 0.042445984 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:2000482 | regulation of interleukin-8 secretion | 1月19日 | 24/18493 | 0.024383809 | 0.079430357 | 0.042445984 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0034329 | cell junction assembly | 2月19日 | 238/18493 | 0.024421387 | 0.079430357 | 0.042445984 | FSCN1/RHOC | 2 |
| BP | GO:0009152 | purine ribonucleotide biosynthetic process | 2月19日 | 239/18493 | 0.024612517 | 0.079786935 | 0.042636532 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0019054 | modulation by virus of host process | 1月19日 | 25/18493 | 0.025387475 | 0.080695903 | 0.043122266 | KPNA2 | 1 |
| BP | GO:0032461 | positive regulation of protein oligomerization | 1月19日 | 25/18493 | 0.025387475 | 0.080695903 | 0.043122266 | RHOC | 1 |
| BP | GO:0050927 | positive regulation of positive chemotaxis | 1月19日 | 25/18493 | 0.025387475 | 0.080695903 | 0.043122266 | AGER | 1 |
| BP | GO:0070199 | establishment of protein localization to chromosome | 1月19日 | 25/18493 | 0.025387475 | 0.080695903 | 0.043122266 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0085029 | extracellular matrix assembly | 1月19日 | 25/18493 | 0.025387475 | 0.080695903 | 0.043122266 | MFAP4 | 1 |
| BP | GO:0150077 | regulation of neuroinflammatory response | 1月19日 | 25/18493 | 0.025387475 | 0.080695903 | 0.043122266 | AGER | 1 |
| BP | GO:0019318 | hexose metabolic process | 2月19日 | 244/18493 | 0.025577509 | 0.081036831 | 0.043304452 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0031330 | negative regulation of cellular catabolic process | 2月19日 | 245/18493 | 0.025772365 | 0.081390792 | 0.043493601 | ANXA2/DKC1 | 2 |
| BP | GO:0043032 | positive regulation of macrophage activation | 1月19日 | 26/18493 | 0.026390163 | 0.082280157 | 0.04396886 | AGER | 1 |
| BP | GO:0048668 | collateral sprouting | 1月19日 | 26/18493 | 0.026390163 | 0.082280157 | 0.04396886 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:0050926 | regulation of positive chemotaxis | 1月19日 | 26/18493 | 0.026390163 | 0.082280157 | 0.04396886 | AGER | 1 |
| BP | GO:0060706 | cell differentiation involved in embryonic placenta development | 1月19日 | 26/18493 | 0.026390163 | 0.082280157 | 0.04396886 | KRT19 | 1 |
| BP | GO:0046034 | ATP metabolic process | 2月19日 | 250/18493 | 0.026755866 | 0.08276742 | 0.044229243 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0009260 | ribonucleotide biosynthetic process | 2月19日 | 253/18493 | 0.027353294 | 0.08276742 | 0.044229243 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0002825 | regulation of T-helper 1 type immune response | 1月19日 | 27/18493 | 0.027391873 | 0.08276742 | 0.044229243 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0006607 | NLS-bearing protein import into nucleus | 1月19日 | 27/18493 | 0.027391873 | 0.08276742 | 0.044229243 | KPNA2 | 1 |
| BP | GO:0006706 | steroid catabolic process | 1月19日 | 27/18493 | 0.027391873 | 0.08276742 | 0.044229243 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:0042104 | positive regulation of activated T cell proliferation | 1月19日 | 27/18493 | 0.027391873 | 0.08276742 | 0.044229243 | AGER | 1 |
| BP | GO:0044788 | modulation by host of viral process | 1月19日 | 27/18493 | 0.027391873 | 0.08276742 | 0.044229243 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0048710 | regulation of astrocyte differentiation | 1月19日 | 27/18493 | 0.027391873 | 0.08276742 | 0.044229243 | AGER | 1 |
| BP | GO:0097066 | response to thyroid hormone | 1月19日 | 27/18493 | 0.027391873 | 0.08276742 | 0.044229243 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:2000515 | negative regulation of CD4-positive, alpha-beta T cell activation | 1月19日 | 27/18493 | 0.027391873 | 0.08276742 | 0.044229243 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0001818 | negative regulation of cytokine production | 2月19日 | 256/18493 | 0.027956173 | 0.083222642 | 0.044472505 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0006164 | purine nucleotide biosynthetic process | 2月19日 | 258/18493 | 0.028361104 | 0.083222642 | 0.044472505 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0007249 | I-kappaB kinase/NF-kappaB signaling | 2月19日 | 258/18493 | 0.028361104 | 0.083222642 | 0.044472505 | LGALS1/RHOC | 2 |
| BP | GO:0008209 | androgen metabolic process | 1月19日 | 28/18493 | 0.028392607 | 0.083222642 | 0.044472505 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:0070198 | protein localization to chromosome, telomeric region | 1月19日 | 28/18493 | 0.028392607 | 0.083222642 | 0.044472505 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0070570 | regulation of neuron projection regeneration | 1月19日 | 28/18493 | 0.028392607 | 0.083222642 | 0.044472505 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:0072606 | interleukin-8 secretion | 1月19日 | 28/18493 | 0.028392607 | 0.083222642 | 0.044472505 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:1902745 | positive regulation of lamellipodium organization | 1月19日 | 28/18493 | 0.028392607 | 0.083222642 | 0.044472505 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:1904646 | cellular response to amyloid-beta | 1月19日 | 28/18493 | 0.028392607 | 0.083222642 | 0.044472505 | AGER | 1 |
| BP | GO:2000108 | positive regulation of leukocyte apoptotic process | 1月19日 | 28/18493 | 0.028392607 | 0.083222642 | 0.044472505 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0031334 | positive regulation of protein complex assembly | 2月19日 | 259/18493 | 0.028564468 | 0.08322802 | 0.044475379 | FSCN1/RHOC | 2 |
| BP | GO:0046390 | ribose phosphate biosynthetic process | 2月19日 | 259/18493 | 0.028564468 | 0.08322802 | 0.044475379 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0046883 | regulation of hormone secretion | 2月19日 | 261/18493 | 0.028972991 | 0.084167827 | 0.044977593 | ANXA1/SPP1 | 2 |
| BP | GO:0033032 | regulation of myeloid cell apoptotic process | 1月19日 | 29/18493 | 0.029392366 | 0.084285936 | 0.045040708 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0044068 | modulation by symbiont of host cellular process | 1月19日 | 29/18493 | 0.029392366 | 0.084285936 | 0.045040708 | KPNA2 | 1 |
| BP | GO:0060292 | long-term synaptic depression | 1月19日 | 29/18493 | 0.029392366 | 0.084285936 | 0.045040708 | AGER | 1 |
| BP | GO:0046651 | lymphocyte proliferation | 2月19日 | 264/18493 | 0.029590235 | 0.084285936 | 0.045040708 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:1902105 | regulation of leukocyte differentiation | 2月19日 | 265/18493 | 0.029797168 | 0.084285936 | 0.045040708 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0032943 | mononuclear cell proliferation | 2月19日 | 266/18493 | 0.030004691 | 0.084285936 | 0.045040708 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0042063 | gliogenesis | 2月19日 | 266/18493 | 0.030004691 | 0.084285936 | 0.045040708 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0002828 | regulation of type 2 immune response | 1月19日 | 30/18493 | 0.03039115 | 0.084285936 | 0.045040708 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0010165 | response to X-ray | 1月19日 | 30/18493 | 0.03039115 | 0.084285936 | 0.045040708 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0032743 | positive regulation of interleukin-2 production | 1月19日 | 30/18493 | 0.03039115 | 0.084285936 | 0.045040708 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0043372 | positive regulation of CD4-positive, alpha-beta T cell differentiation | 1月19日 | 30/18493 | 0.03039115 | 0.084285936 | 0.045040708 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0046596 | regulation of viral entry into host cell | 1月19日 | 30/18493 | 0.03039115 | 0.084285936 | 0.045040708 | LGALS1 | 1 |
| BP | GO:0050482 | arachidonic acid secretion | 1月19日 | 30/18493 | 0.03039115 | 0.084285936 | 0.045040708 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0051491 | positive regulation of filopodium assembly | 1月19日 | 30/18493 | 0.03039115 | 0.084285936 | 0.045040708 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:0071709 | membrane assembly | 1月19日 | 30/18493 | 0.03039115 | 0.084285936 | 0.045040708 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:1903963 | arachidonate transport | 1月19日 | 30/18493 | 0.03039115 | 0.084285936 | 0.045040708 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0034504 | protein localization to nucleus | 2月19日 | 269/18493 | 0.030630787 | 0.084710567 | 0.045267622 | DKC1/KPNA2 | 2 |
| BP | GO:0072522 | purine-containing compound biosynthetic process | 2月19日 | 271/18493 | 0.031051112 | 0.085360532 | 0.04561495 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0001893 | maternal placenta development | 1月19日 | 31/18493 | 0.03138896 | 0.085360532 | 0.04561495 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:0044319 | wound healing, spreading of cells | 1月19日 | 31/18493 | 0.03138896 | 0.085360532 | 0.04561495 | RHOC | 1 |
| BP | GO:0090505 | epiboly involved in wound healing | 1月19日 | 31/18493 | 0.03138896 | 0.085360532 | 0.04561495 | RHOC | 1 |
| BP | GO:1900745 | positive regulation of p38MAPK cascade | 1月19日 | 31/18493 | 0.03138896 | 0.085360532 | 0.04561495 | AGER | 1 |
| BP | GO:1904645 | response to amyloid-beta | 1月19日 | 31/18493 | 0.03138896 | 0.085360532 | 0.04561495 | AGER | 1 |
| BP | GO:0007162 | negative regulation of cell adhesion | 2月19日 | 276/18493 | 0.032112092 | 0.08639154 | 0.0461659 | ANXA1/LGALS1 | 2 |
| BP | GO:0051146 | striated muscle cell differentiation | 2月19日 | 277/18493 | 0.032326022 | 0.08639154 | 0.0461659 | KRT19/PGK1 | 2 |
| BP | GO:0014002 | astrocyte development | 1月19日 | 32/18493 | 0.032385797 | 0.08639154 | 0.0461659 | AGER | 1 |
| BP | GO:0032735 | positive regulation of interleukin-12 production | 1月19日 | 32/18493 | 0.032385797 | 0.08639154 | 0.0461659 | AGER | 1 |
| BP | GO:0045920 | negative regulation of exocytosis | 1月19日 | 32/18493 | 0.032385797 | 0.08639154 | 0.0461659 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0061036 | positive regulation of cartilage development | 1月19日 | 32/18493 | 0.032385797 | 0.08639154 | 0.0461659 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0090504 | epiboly | 1月19日 | 32/18493 | 0.032385797 | 0.08639154 | 0.0461659 | RHOC | 1 |
| BP | GO:0050768 | negative regulation of neurogenesis | 2月19日 | 279/18493 | 0.032755603 | 0.086818213 | 0.046393905 | LGALS1/SPP1 | 2 |
| BP | GO:0051188 | cofactor biosynthetic process | 2月19日 | 279/18493 | 0.032755603 | 0.086818213 | 0.046393905 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0009205 | purine ribonucleoside triphosphate metabolic process | 2月19日 | 280/18493 | 0.032971253 | 0.086818213 | 0.046393905 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0001774 | microglial cell activation | 1月19日 | 33/18493 | 0.033381662 | 0.086818213 | 0.046393905 | AGER | 1 |
| BP | GO:0001914 | regulation of T cell mediated cytotoxicity | 1月19日 | 33/18493 | 0.033381662 | 0.086818213 | 0.046393905 | AGER | 1 |
| BP | GO:0002269 | leukocyte activation involved in inflammatory response | 1月19日 | 33/18493 | 0.033381662 | 0.086818213 | 0.046393905 | AGER | 1 |
| BP | GO:0033028 | myeloid cell apoptotic process | 1月19日 | 33/18493 | 0.033381662 | 0.086818213 | 0.046393905 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0045730 | respiratory burst | 1月19日 | 33/18493 | 0.033381662 | 0.086818213 | 0.046393905 | IGHA2 | 1 |
| BP | GO:0098751 | bone cell development | 1月19日 | 33/18493 | 0.033381662 | 0.086818213 | 0.046393905 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0070661 | leukocyte proliferation | 2月19日 | 283/18493 | 0.033621622 | 0.086818213 | 0.046393905 | ANXA1/AGER | 2 |
| BP | GO:0009167 | purine ribonucleoside monophosphate metabolic process | 2月19日 | 286/18493 | 0.034277096 | 0.086818213 | 0.046393905 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0009199 | ribonucleoside triphosphate metabolic process | 2月19日 | 286/18493 | 0.034277096 | 0.086818213 | 0.046393905 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0001881 | receptor recycling | 1月19日 | 34/18493 | 0.034376557 | 0.086818213 | 0.046393905 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0032212 | positive regulation of telomere maintenance via telomerase | 1月19日 | 34/18493 | 0.034376557 | 0.086818213 | 0.046393905 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0032801 | receptor catabolic process | 1月19日 | 34/18493 | 0.034376557 | 0.086818213 | 0.046393905 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0071392 | cellular response to estradiol stimulus | 1月19日 | 34/18493 | 0.034376557 | 0.086818213 | 0.046393905 | H2AFZ | 1 |
| BP | GO:2000516 | positive regulation of CD4-positive, alpha-beta T cell activation | 1月19日 | 34/18493 | 0.034376557 | 0.086818213 | 0.046393905 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0005996 | monosaccharide metabolic process | 2月19日 | 287/18493 | 0.034496716 | 0.086818213 | 0.046393905 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0009126 | purine nucleoside monophosphate metabolic process | 2月19日 | 287/18493 | 0.034496716 | 0.086818213 | 0.046393905 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0009144 | purine nucleoside triphosphate metabolic process | 2月19日 | 287/18493 | 0.034496716 | 0.086818213 | 0.046393905 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0009895 | negative regulation of catabolic process | 2月19日 | 287/18493 | 0.034496716 | 0.086818213 | 0.046393905 | ANXA2/DKC1 | 2 |
| BP | GO:0034330 | cell junction organization | 2月19日 | 287/18493 | 0.034496716 | 0.086818213 | 0.046393905 | FSCN1/RHOC | 2 |
| BP | GO:0019058 | viral life cycle | 2月19日 | 289/18493 | 0.03493764 | 0.087443689 | 0.046728147 | LGALS1/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0000154 | rRNA modification | 1月19日 | 35/18493 | 0.035370481 | 0.087443689 | 0.046728147 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0032365 | intracellular lipid transport | 1月19日 | 35/18493 | 0.035370481 | 0.087443689 | 0.046728147 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0033280 | response to vitamin D | 1月19日 | 35/18493 | 0.035370481 | 0.087443689 | 0.046728147 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:0044091 | membrane biogenesis | 1月19日 | 35/18493 | 0.035370481 | 0.087443689 | 0.046728147 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0045622 | regulation of T-helper cell differentiation | 1月19日 | 35/18493 | 0.035370481 | 0.087443689 | 0.046728147 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0045923 | positive regulation of fatty acid metabolic process | 1月19日 | 35/18493 | 0.035370481 | 0.087443689 | 0.046728147 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0003417 | growth plate cartilage development | 1月19日 | 36/18493 | 0.036363436 | 0.088336981 | 0.047205505 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0006692 | prostanoid metabolic process | 1月19日 | 36/18493 | 0.036363436 | 0.088336981 | 0.047205505 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0006693 | prostaglandin metabolic process | 1月19日 | 36/18493 | 0.036363436 | 0.088336981 | 0.047205505 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0010591 | regulation of lamellipodium assembly | 1月19日 | 36/18493 | 0.036363436 | 0.088336981 | 0.047205505 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:0042092 | type 2 immune response | 1月19日 | 36/18493 | 0.036363436 | 0.088336981 | 0.047205505 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0051973 | positive regulation of telomerase activity | 1月19日 | 36/18493 | 0.036363436 | 0.088336981 | 0.047205505 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:1900271 | regulation of long-term synaptic potentiation | 1月19日 | 36/18493 | 0.036363436 | 0.088336981 | 0.047205505 | AGER | 1 |
| BP | GO:0051961 | negative regulation of nervous system development | 2月19日 | 298/18493 | 0.036949357 | 0.08952816 | 0.047842047 | LGALS1/SPP1 | 2 |
| BP | GO:0030216 | keratinocyte differentiation | 2月19日 | 299/18493 | 0.03717564 | 0.08952816 | 0.047842047 | KRT19/ANXA1 | 2 |
| BP | GO:0010984 | regulation of lipoprotein particle clearance | 1月19日 | 37/18493 | 0.037355422 | 0.08952816 | 0.047842047 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0046636 | negative regulation of alpha-beta T cell activation | 1月19日 | 37/18493 | 0.037355422 | 0.08952816 | 0.047842047 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:1904358 | positive regulation of telomere maintenance via telomere lengthening | 1月19日 | 37/18493 | 0.037355422 | 0.08952816 | 0.047842047 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0009161 | ribonucleoside monophosphate metabolic process | 2月19日 | 300/18493 | 0.037402469 | 0.08952816 | 0.047842047 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0042113 | B cell activation | 2月19日 | 303/18493 | 0.03808623 | 0.090679145 | 0.04845711 | IGHA2/LGALS1 | 2 |
| BP | GO:0019048 | modulation by virus of host morphology or physiology | 1月19日 | 38/18493 | 0.038346441 | 0.090679145 | 0.04845711 | KPNA2 | 1 |
| BP | GO:0045124 | regulation of bone resorption | 1月19日 | 38/18493 | 0.038346441 | 0.090679145 | 0.04845711 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:0045687 | positive regulation of glial cell differentiation | 1月19日 | 38/18493 | 0.038346441 | 0.090679145 | 0.04845711 | AGER | 1 |
| BP | GO:0090050 | positive regulation of cell migration involved in sprouting angiogenesis | 1月19日 | 38/18493 | 0.038346441 | 0.090679145 | 0.04845711 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0046879 | hormone secretion | 2月19日 | 306/18493 | 0.038774871 | 0.091471323 | 0.048880434 | ANXA1/SPP1 | 2 |
| BP | GO:0009141 | nucleoside triphosphate metabolic process | 2月19日 | 307/18493 | 0.039005497 | 0.091794187 | 0.049052966 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0044088 | regulation of vacuole organization | 1月19日 | 39/18493 | 0.039336494 | 0.092130209 | 0.049232529 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:1903053 | regulation of extracellular matrix organization | 1月19日 | 39/18493 | 0.039336494 | 0.092130209 | 0.049232529 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:0007520 | myoblast fusion | 1月19日 | 40/18493 | 0.04032558 | 0.093551524 | 0.049992051 | PGK1 | 1 |
| BP | GO:0046006 | regulation of activated T cell proliferation | 1月19日 | 40/18493 | 0.04032558 | 0.093551524 | 0.049992051 | AGER | 1 |
| BP | GO:0061900 | glial cell activation | 1月19日 | 40/18493 | 0.04032558 | 0.093551524 | 0.049992051 | AGER | 1 |
| BP | GO:0097028 | dendritic cell differentiation | 1月19日 | 40/18493 | 0.04032558 | 0.093551524 | 0.049992051 | AGER | 1 |
| BP | GO:0016050 | vesicle organization | 2月19日 | 314/18493 | 0.040634857 | 0.094046159 | 0.050256374 | ANXA1/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0009914 | hormone transport | 2月19日 | 316/18493 | 0.041105167 | 0.094060731 | 0.050264162 | ANXA1/SPP1 | 2 |
| BP | GO:0015849 | organic acid transport | 2月19日 | 316/18493 | 0.041105167 | 0.094060731 | 0.050264162 | ANXA1/SLC16A3 | 2 |
| BP | GO:0046942 | carboxylic acid transport | 2月19日 | 316/18493 | 0.041105167 | 0.094060731 | 0.050264162 | ANXA1/SLC16A3 | 2 |
| BP | GO:0033574 | response to testosterone | 1月19日 | 41/18493 | 0.041313702 | 0.094060731 | 0.050264162 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:0035088 | establishment or maintenance of apical/basal cell polarity | 1月19日 | 41/18493 | 0.041313702 | 0.094060731 | 0.050264162 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:0043489 | RNA stabilization | 1月19日 | 41/18493 | 0.041313702 | 0.094060731 | 0.050264162 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0061245 | establishment or maintenance of bipolar cell polarity | 1月19日 | 41/18493 | 0.041313702 | 0.094060731 | 0.050264162 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:0032459 | regulation of protein oligomerization | 1月19日 | 42/18493 | 0.04230086 | 0.095640975 | 0.051108612 | RHOC | 1 |
| BP | GO:0042088 | T-helper 1 type immune response | 1月19日 | 42/18493 | 0.04230086 | 0.095640975 | 0.051108612 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0045581 | negative regulation of T cell differentiation | 1月19日 | 42/18493 | 0.04230086 | 0.095640975 | 0.051108612 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0009123 | nucleoside monophosphate metabolic process | 2月19日 | 322/18493 | 0.042528693 | 0.095934541 | 0.051265488 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0003416 | endochondral bone growth | 1月19日 | 43/18493 | 0.043287055 | 0.09697489 | 0.05182143 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0051489 | regulation of filopodium assembly | 1月19日 | 43/18493 | 0.043287055 | 0.09697489 | 0.05182143 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:1900087 | positive regulation of G1/S transition of mitotic cell cycle | 1月19日 | 43/18493 | 0.043287055 | 0.09697489 | 0.05182143 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0010721 | negative regulation of cell development | 2月19日 | 326/18493 | 0.043488113 | 0.097202882 | 0.051943264 | LGALS1/SPP1 | 2 |
| BP | GO:0051260 | protein homooligomerization | 2月19日 | 328/18493 | 0.043970914 | 0.097618401 | 0.052165309 | PKM/RHOC | 2 |
| BP | GO:0032309 | icosanoid secretion | 1月19日 | 44/18493 | 0.044272288 | 0.097618401 | 0.052165309 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0033628 | regulation of cell adhesion mediated by integrin | 1月19日 | 44/18493 | 0.044272288 | 0.097618401 | 0.052165309 | PLAU | 1 |
| BP | GO:0034105 | positive regulation of tissue remodeling | 1月19日 | 44/18493 | 0.044272288 | 0.097618401 | 0.052165309 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:0046850 | regulation of bone remodeling | 1月19日 | 44/18493 | 0.044272288 | 0.097618401 | 0.052165309 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:0050798 | activated T cell proliferation | 1月19日 | 44/18493 | 0.044272288 | 0.097618401 | 0.052165309 | AGER | 1 |
| BP | GO:0032956 | regulation of actin cytoskeleton organization | 2月19日 | 331/18493 | 0.044698955 | 0.098337701 | 0.052549688 | FSCN1/RHOC | 2 |
| BP | GO:0031018 | endocrine pancreas development | 1月19日 | 45/18493 | 0.04525656 | 0.098677443 | 0.052731239 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0032653 | regulation of interleukin-10 production | 1月19日 | 45/18493 | 0.04525656 | 0.098677443 | 0.052731239 | AGER | 1 |
| BP | GO:0034383 | low-density lipoprotein particle clearance | 1月19日 | 45/18493 | 0.04525656 | 0.098677443 | 0.052731239 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0098868 | bone growth | 1月19日 | 45/18493 | 0.04525656 | 0.098677443 | 0.052731239 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0007596 | blood coagulation | 2月19日 | 334/18493 | 0.045431574 | 0.098783239 | 0.052787775 | PLAU/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0031103 | axon regeneration | 1月19日 | 46/18493 | 0.046239871 | 0.098783239 | 0.052787775 | SPP1 | 1 |
| BP | GO:0044003 | modification by symbiont of host morphology or physiology | 1月19日 | 46/18493 | 0.046239871 | 0.098783239 | 0.052787775 | KPNA2 | 1 |
| BP | GO:0045214 | sarcomere organization | 1月19日 | 46/18493 | 0.046239871 | 0.098783239 | 0.052787775 | KRT19 | 1 |
| BP | GO:0060351 | cartilage development involved in endochondral bone morphogenesis | 1月19日 | 46/18493 | 0.046239871 | 0.098783239 | 0.052787775 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0071715 | icosanoid transport | 1月19日 | 46/18493 | 0.046239871 | 0.098783239 | 0.052787775 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:1900744 | regulation of p38MAPK cascade | 1月19日 | 46/18493 | 0.046239871 | 0.098783239 | 0.052787775 | AGER | 1 |
| BP | GO:1901571 | fatty acid derivative transport | 1月19日 | 46/18493 | 0.046239871 | 0.098783239 | 0.052787775 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0031589 | cell-substrate adhesion | 2月19日 | 338/18493 | 0.046415464 | 0.098783239 | 0.052787775 | PLAU/LGALS1 | 2 |
| BP | GO:0007599 | hemostasis | 2月19日 | 339/18493 | 0.04666269 | 0.098783239 | 0.052787775 | PLAU/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0050817 | coagulation | 2月19日 | 340/18493 | 0.046910416 | 0.098783239 | 0.052787775 | PLAU/ANXA2 | 2 |
| BP | GO:0006636 | unsaturated fatty acid biosynthetic process | 1月19日 | 47/18493 | 0.047222223 | 0.098783239 | 0.052787775 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0019731 | antibacterial humoral response | 1月19日 | 47/18493 | 0.047222223 | 0.098783239 | 0.052787775 | IGHA2 | 1 |
| BP | GO:0030850 | prostate gland development | 1月19日 | 47/18493 | 0.047222223 | 0.098783239 | 0.052787775 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0032613 | interleukin-10 production | 1月19日 | 47/18493 | 0.047222223 | 0.098783239 | 0.052787775 | AGER | 1 |
| BP | GO:0035722 | interleukin-12-mediated signaling pathway | 1月19日 | 47/18493 | 0.047222223 | 0.098783239 | 0.052787775 | ANXA2 | 1 |
| BP | GO:0043370 | regulation of CD4-positive, alpha-beta T cell differentiation | 1月19日 | 47/18493 | 0.047222223 | 0.098783239 | 0.052787775 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0046638 | positive regulation of alpha-beta T cell differentiation | 1月19日 | 47/18493 | 0.047222223 | 0.098783239 | 0.052787775 | ANXA1 | 1 |
| BP | GO:0150076 | neuroinflammatory response | 1月19日 | 47/18493 | 0.047222223 | 0.098783239 | 0.052787775 | AGER | 1 |
| BP | GO:0006909 | phagocytosis | 2月19日 | 342/18493 | 0.047407361 | 0.098959075 | 0.052881738 | ANXA1/IGHA2 | 2 |
| BP | GO:0002449 | lymphocyte mediated immunity | 2月19日 | 344/18493 | 0.047906288 | 0.09914147 | 0.052979206 | IGHA2/AGER | 2 |
| BP | GO:0009165 | nucleotide biosynthetic process | 2月19日 | 344/18493 | 0.047906288 | 0.09914147 | 0.052979206 | PGK1/PKM | 2 |
| BP | GO:0030098 | lymphocyte differentiation | 2月19日 | 344/18493 | 0.047906288 | 0.09914147 | 0.052979206 | ANXA1/LGALS1 | 2 |
| BP | GO:0010712 | regulation of collagen metabolic process | 1月19日 | 48/18493 | 0.048203616 | 0.09914147 | 0.052979206 | MFAP4 | 1 |
| BP | GO:0043628 | ncRNA 3'-end processing | 1月19日 | 48/18493 | 0.048203616 | 0.09914147 | 0.052979206 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:0051972 | regulation of telomerase activity | 1月19日 | 48/18493 | 0.048203616 | 0.09914147 | 0.052979206 | DKC1 | 1 |
| BP | GO:1902743 | regulation of lamellipodium organization | 1月19日 | 48/18493 | 0.048203616 | 0.09914147 | 0.052979206 | FSCN1 | 1 |
| BP | GO:1901293 | nucleoside phosphate biosynthetic process | 2月19日 | 347/18493 | 0.048658378 | 0.099866985 | 0.053366907 | PGK1/PKM | 2 |
| CC | GO:0031012 | extracellular matrix | 5月19日 | 490/19659 | 8.21E-05 | 0.009626058 | 0.005904663 | ANXA1/MFAP4/LGALS1/ANXA2/PKM | 5 |
| CC | GO:0062023 | collagen-containing extracellular matrix | 4月19日 | 332/19659 | 0.000253348 | 0.009626058 | 0.005904663 | ANXA1/MFAP4/LGALS1/ANXA2 | 4 |
| CC | GO:0042383 | sarcolemma | 3月19日 | 133/19659 | 0.000270973 | 0.009626058 | 0.005904663 | KRT19/ANXA1/ANXA2 | 3 |
| CC | GO:0001650 | fibrillar center | 3月19日 | 134/19659 | 0.000277009 | 0.009626058 | 0.005904663 | SELENBP1/DKC1/AGER | 3 |
| CC | GO:0019897 | extrinsic component of plasma membrane | 3月19日 | 162/19659 | 0.000483058 | 0.011190835 | 0.006864503 | ANXA1/ANXA2/KPNA2 | 3 |
| CC | GO:0043209 | myelin sheath | 3月19日 | 162/19659 | 0.000483058 | 0.011190835 | 0.006864503 | ANXA2/FSCN1/PKM | 3 |
| CC | GO:0044452 | nucleolar part | 3月19日 | 180/19659 | 0.000656614 | 0.013038486 | 0.007997859 | SELENBP1/DKC1/AGER | 3 |
| CC | GO:0019898 | extrinsic component of membrane | 3月19日 | 287/19659 | 0.002508925 | 0.03662334 | 0.022464904 | ANXA1/ANXA2/KPNA2 | 3 |
| CC | GO:0005811 | lipid droplet | 2月19日 | 78/19659 | 0.002543723 | 0.03662334 | 0.022464904 | ANXA2/G0S2 | 2 |
| CC | GO:0005938 | cell cortex | 3月19日 | 292/19659 | 0.002634773 | 0.03662334 | 0.022464904 | KRT19/ANXA2/RHOC | 3 |
| CC | GO:0099634 | postsynaptic specialization membrane | 2月19日 | 102/19659 | 0.004303414 | 0.054379501 | 0.033356604 | SLC16A3/KPNA2 | 2 |
| CC | GO:0005913 | cell-cell adherens junction | 2月19日 | 110/19659 | 0.004985564 | 0.057749444 | 0.035423741 | ANXA1/ANXA2 | 2 |
| CC | GO:0097060 | synaptic membrane | 3月19日 | 431/19659 | 0.007809677 | 0.072908672 | 0.044722472 | ANXA1/SLC16A3/KPNA2 | 3 |
| CC | GO:0005911 | cell-cell junction | 3月19日 | 442/19659 | 0.008368145 | 0.072908672 | 0.044722472 | ANXA1/ANXA2/FSCN1 | 3 |
| CC | GO:0001527 | microfibril | 1月19日 | 10/19659 | 0.009625053 | 0.072908672 | 0.044722472 | MFAP4 | 1 |
| CC | GO:0031313 | extrinsic component of endosome membrane | 1月19日 | 10/19659 | 0.009625053 | 0.072908672 | 0.044722472 | ANXA1 | 1 |
| CC | GO:0072588 | box H/ACA RNP complex | 1月19日 | 10/19659 | 0.009625053 | 0.072908672 | 0.044722472 | DKC1 | 1 |
| CC | GO:0099568 | cytoplasmic region | 3月19日 | 479/19659 | 0.010418271 | 0.072908672 | 0.044722472 | KRT19/ANXA2/RHOC | 3 |
| CC | GO:0043220 | Schmidt-Lanterman incisure | 1月19日 | 11/19659 | 0.010582716 | 0.072908672 | 0.044722472 | ANXA2 | 1 |
| CC | GO:0015629 | actin cytoskeleton | 3月19日 | 483/19659 | 0.010655984 | 0.072908672 | 0.044722472 | KRT19/ANXA1/FSCN1 | 3 |
| CC | GO:0001726 | ruffle | 2月19日 | 167/19659 | 0.011156076 | 0.072908672 | 0.044722472 | ANXA2/FSCN1 | 2 |
| CC | GO:0099243 | extrinsic component of synaptic membrane | 1月19日 | 12/19659 | 0.011539502 | 0.072908672 | 0.044722472 | KPNA2 | 1 |
| CC | GO:0043218 | compact myelin | 1月19日 | 14/19659 | 0.013450445 | 0.08128747 | 0.04986206 | ANXA2 | 1 |
| CC | GO:0071437 | invadopodium | 1月19日 | 16/19659 | 0.015357887 | 0.081662505 | 0.050092108 | FSCN1 | 1 |
| CC | GO:0098688 | parallel fiber to Purkinje cell synapse | 1月19日 | 16/19659 | 0.015357887 | 0.081662505 | 0.050092108 | SLC16A3 | 1 |
| CC | GO:0098858 | actin-based cell projection | 2月19日 | 198/19659 | 0.015420685 | 0.081662505 | 0.050092108 | FSCN1/RHOC | 2 |
| CC | GO:0016327 | apicolateral plasma membrane | 1月19日 | 18/19659 | 0.017261835 | 0.081662505 | 0.050092108 | KRT19 | 1 |
| CC | GO:0016323 | basolateral plasma membrane | 2月19日 | 213/19659 | 0.01769938 | 0.081662505 | 0.050092108 | ANXA1/ANXA2 | 2 |
| CC | GO:0016010 | dystrophin-associated glycoprotein complex | 1月19日 | 19/19659 | 0.018212501 | 0.081662505 | 0.050092108 | KRT19 | 1 |
| CC | GO:0043034 | costamere | 1月19日 | 19/19659 | 0.018212501 | 0.081662505 | 0.050092108 | KRT19 | 1 |
| CC | GO:0090665 | glycoprotein complex | 1月19日 | 19/19659 | 0.018212501 | 0.081662505 | 0.050092108 | KRT19 | 1 |
| CC | GO:0005697 | telomerase holoenzyme complex | 1月19日 | 21/19659 | 0.020111219 | 0.08735811 | 0.053585815 | DKC1 | 1 |
| CC | GO:0042629 | mast cell granule | 1月19日 | 22/19659 | 0.021059274 | 0.088704213 | 0.05441152 | ANXA1 | 1 |
| CC | GO:0001891 | phagocytic cup | 1月19日 | 23/19659 | 0.022006459 | 0.089967581 | 0.055186475 | ANXA1 | 1 |
| CC | GO:0005719 | nuclear euchromatin | 1月19日 | 25/19659 | 0.023898225 | 0.094910093 | 0.058218232 | H2AFZ | 1 |
| MF | GO:0050840 | extracellular matrix binding | 3月19日 | 56/17632 | 2.84E-05 | 0.003318563 | 0.002269103 | LGALS1/ANXA2/SPP1 | 3 |
| MF | GO:0004859 | phospholipase inhibitor activity | 2月19日 | 12/17632 | 7.21E-05 | 0.004220415 | 0.002885754 | ANXA1/ANXA2 | 2 |
| MF | GO:0044548 | S100 protein binding | 2月19日 | 15/17632 | 0.000114553 | 0.004334354 | 0.002963661 | ANXA2/AGER | 2 |
| MF | GO:0055102 | lipase inhibitor activity | 2月19日 | 17/17632 | 0.000148183 | 0.004334354 | 0.002963661 | ANXA1/ANXA2 | 2 |
| MF | GO:0098641 | cadherin binding involved in cell-cell adhesion | 2月19日 | 19/17632 | 0.000186079 | 0.00435425 | 0.002977265 | ANXA1/ANXA2 | 2 |
| MF | GO:0045296 | cadherin binding | 4月19日 | 323/17632 | 0.000344687 | 0.006721395 | 0.004595825 | ANXA1/ANXA2/FSCN1/PKM | 4 |
| MF | GO:0043531 | ADP binding | 2月19日 | 39/17632 | 0.000796049 | 0.01330539 | 0.009097702 | PGK1/PKM | 2 |
| MF | GO:0098632 | cell-cell adhesion mediator activity | 2月19日 | 50/17632 | 0.001306744 | 0.017692969 | 0.012097756 | ANXA1/ANXA2 | 2 |
| MF | GO:0005544 | calcium-dependent phospholipid binding | 2月19日 | 53/17632 | 0.001467126 | 0.017692969 | 0.012097756 | ANXA1/ANXA2 | 2 |
| MF | GO:0050839 | cell adhesion molecule binding | 4月19日 | 486/17632 | 0.001589787 | 0.017692969 | 0.012097756 | ANXA1/ANXA2/FSCN1/PKM | 4 |
| MF | GO:0016667 | oxidoreductase activity, acting on a sulfur group of donors | 2月19日 | 58/17632 | 0.001754275 | 0.017692969 | 0.012097756 | SELENBP1/PGK1 | 2 |
| MF | GO:0098631 | cell adhesion mediator activity | 2月19日 | 59/17632 | 0.001814663 | 0.017692969 | 0.012097756 | ANXA1/ANXA2 | 2 |
| MF | GO:0048306 | calcium-dependent protein binding | 2月19日 | 62/17632 | 0.002001712 | 0.018015411 | 0.01231823 | ANXA1/ANXA2 | 2 |
| MF | GO:0030955 | potassium ion binding | 1月19日 | 10/17632 | 0.010726483 | 0.077571627 | 0.053040429 | PKM | 1 |
| MF | GO:0046790 | virion binding | 1月19日 | 10/17632 | 0.010726483 | 0.077571627 | 0.053040429 | ANXA2 | 1 |
| MF | GO:0061608 | nuclear import signal receptor activity | 1月19日 | 10/17632 | 0.010726483 | 0.077571627 | 0.053040429 | KPNA2 | 1 |
| MF | GO:0016668 | oxidoreductase activity, acting on a sulfur group of donors, NAD(P) as acceptor | 1月19日 | 11/17632 | 0.011793115 | 0.077571627 | 0.053040429 | PGK1 | 1 |
| MF | GO:0003964 | RNA-directed DNA polymerase activity | 1月19日 | 12/17632 | 0.012858658 | 0.077571627 | 0.053040429 | DKC1 | 1 |
| MF | GO:0030674 | protein binding, bridging | 2月19日 | 168/17632 | 0.013875023 | 0.077571627 | 0.053040429 | ANXA1/FSCN1 | 2 |
| MF | GO:0009982 | pseudouridine synthase activity | 1月19日 | 13/17632 | 0.013923113 | 0.077571627 | 0.053040429 | DKC1 | 1 |
| MF | GO:0097617 | annealing activity | 1月19日 | 13/17632 | 0.013923113 | 0.077571627 | 0.053040429 | ANXA1 | 1 |
| MF | GO:0031420 | alkali metal ion binding | 1月19日 | 15/17632 | 0.01604876 | 0.081639344 | 0.055821773 | PKM | 1 |
| MF | GO:0070492 | oligosaccharide binding | 1月19日 | 15/17632 | 0.01604876 | 0.081639344 | 0.055821773 | LGALS1 | 1 |
| MF | GO:0023026 | MHC class II protein complex binding | 1月19日 | 16/17632 | 0.017109955 | 0.08341103 | 0.057033183 | PKM | 1 |
| MF | GO:0060090 | molecular adaptor activity | 2月19日 | 196/17632 | 0.018566715 | 0.086892228 | 0.059413489 | ANXA1/FSCN1 | 2 |
| MF | GO:0140142 | nucleocytoplasmic carrier activity | 1月19日 | 19/17632 | 0.020287038 | 0.091291673 | 0.062421657 | KPNA2 | 1 |
| MF | GO:0023023 | MHC protein complex binding | 1月19日 | 20/17632 | 0.021343902 | 0.092490244 | 0.063241192 | PKM | 1 |
| MF | GO:0070034 | telomerase RNA binding | 1月19日 | 22/17632 | 0.023454391 | 0.098005848 | 0.067012546 | DKC1 | 1 |
|  | | | | | | | | | |
| KEGG | hsa05230 | Central carbon metabolism in cancer | 2月11日 | 65/7844 | 0.003544 | 0.045357 | 0.041159 | 9123/5315 | 2 |
| KEGG | hsa00010 | Glycolysis / Gluconeogenesis | 2月11日 | 68/7844 | 0.003872 | 0.045357 | 0.041159 | 5230/5315 | 2 |
| KEGG | hsa01230 | Biosynthesis of amino acids | 2月11日 | 75/7844 | 0.004692 | 0.045357 | 0.041159 | 5230/5315 | 2 |
| KEGG | hsa01200 | Carbon metabolism | 2月11日 | 116/7844 | 0.01093 | 0.07924 | 0.071906 | 5230/5315 | 2 |