

黄梦

(2025 年 1 月更新)



一、个人简介

黄梦，男，1992 年 10 月生，校聘副教授，硕士生导师。

主要从事机器学习与数据挖掘、生物医学数据分析等方面的科研和教学工作。目前主持市厅级项目 1 项（连云港市“海燕计划”，纵向经费 8 万），主持江苏省产学研项目 1 项（横向经费 30 万），入选 2024 年江苏省科技副总、2024 年江苏省（海州）智慧渔业科技小院成员，参与完成国家自然科学基金面上项目 1 项，参与日本国立研究开发新能源及产业技术开发组织研究课题 1 项，参与日本学术振兴会基础研究课题 1 项，参与日本企业共同研究课题 2 项，参与日本筑波大学校级医学院交叉课题 2 项；在国内外核心学术期刊发表科研论文 10 多篇，其中第一作者/通讯作者 SCI 收录论文 5 篇、EI 收录论文 1 篇；申请中国发明专利 3 件，授权 1 件。

联系电话：18852985387

E-Mail: hmlinxi123@gmail.com, huangmeng@jou.edu.cn

通讯地址：江苏省连云港市苍梧路59号江苏海洋大学计算机工程学院

二、研究方向

- 1.因果机器学习与量子计算; 2.生物信息与医学影像;
- 3.生物多组学数据处理与算法;
- 4.AI for Science (生物分子、药物分子、材料晶体)。

三、教育经历

2020.10-2023.09，日本筑波大学，计算机专业，博士研究生；

2017.09-2020.06，厦门大学，模式识别与智能系统专业，硕士研究生；

2011.09-2015.06，常熟理工学院，机械工程专业，本科。

四、工作经历

2023.10-2024.03，中国药科大学，药学院，助理研究员；

2024.04-至今，江苏海洋大学，计算机工程学院，校聘副教授。

五、社会兼职

2020.03-至今，中国人工智能学会会员；

2024.04-至今，江苏省计算机学会会员；

2024.11-至今，江苏省（海州）智慧渔业科技小院成员；

2024.12-至今，江苏省科技副总。

六、代表性科研项目

1.“因果学习驱动的癌症驱动基因预测研究”，连云港市“海燕计划”项目（市厅级），2025.01-2026.12，8万元，在研，主持

2.“可再生资源回收管理系统的设计构建”，江苏省产学研项目，2024.09-2026.08，30万元，在研，主持

3.“癌症驱动基因深度因果学习方法研究”，江苏海洋大学“海州湾英才”创新计划项目，2024.05-2028.04，15万元，在研，主持

4.“水产养殖智能装备与技术推广应用”，江苏省现代农机装备与技术推广项目，2024.08-2026.08，在研，参与

5.“无人机系统高安全智能控制技术研发”，横向项目，2024.11-2025.11，30万元，在研，参与

6.“零碳动力系统智能监测与控制技术研究”，横向项目，2024.11-2025.11，30万元，在研，参与

7.“金属纳米团簇结构失稳的加速分子动力学研究，国家自然科学基金面上项目，2019.01-2022.12，60万元，结题，参与

8.“データコラボレーション解析による生産性向上を目指した次世代人工知能技術の研究開発（研究开发下一代人工智能技术，旨在通过数据协作分析提高生产力）”，国立研究開発法人新エネルギー・産業技術総合開発機構

(NEDO)/人工知能技術適用によるスマート社会の実現（新能源产业技术综合开发机构(NEDO)/应用人工智能技术实现智慧社会），2020.04-2023.03，150,000,000 日元（约 700 万人民币），结题，参与

9. “データコラボレーション解析損害保険データ利用可能性検証（数据协作分析车辆损害保险可用性验证）”，企業との共同研究（企业课题），2022.03-2022.09，3,000,000 日元（约 14 万人民币），结题，作为骨干参与（主要完成人）

10. “Distributed cooperative feature selection based on data collaboration analysis（基于数据协同分析的分布式协同特征选择）”，Japan Society of for the Promotion of Science/基盤研究(C)（日本学术振兴会/基础研究会 (C)），2022.04-2026.03，4,160,000 日元（约 20 万人民币），在研，参与

11. “AI による高信頼性部品の創出に関する研究（关于通过 AI 创造高可靠性零件的研究）”，企業との共同研究（企业课题），2017-至今，在研，参与

12. “Frontier of Renal Outcome Modifications in Japan (FROM-J)（日本肾脏结局改善的前沿研究）”，日本肾脏基金会慢性肾病研究项目，2007-至今，在研，参与

七、代表性科研论文

按文献著录格式

[1] **Meng Huang**, Jiangtao Ma, Guangqi An, Xiucan Ye. Unravelling cancer subtype-specific driver genes in single-cell transcriptomics data with CSDGI [J]. *PLOS Computational Biology*, 2023, 19(12): e1011450. (JCR1; IF=4.3; 中科院二区 Top)

[2] **Meng Huang**, Xiucan Ye, Akira Imakura, Tetsuya Sakurai. Sequential reinforcement active feature learning for gene signature identification in renal cell carcinoma [J]. *Journal of Biomedical Informatics*, 2022, 128: 104049. (JCR1; IF=8.0; 中科院二区)

[3] **Meng Huang**, Changzhou Long, Jiangtao Ma. AAFL: automatic association feature learning for gene signature identification of cancer subtypes in single-cell RNA-seq data [J]. *Briefings in Functional Genomics*, 2023, 22(5): elac047. (JCR2; IF=4.84; 中科院三区)

[4] **Meng Huang**, Jiangtao Ma, Junpeng Zhang. Inferring cell developmental stage-specific lncRNA regulation in the developing human neocortex with CDSlncR

[J]. *Frontiers in Molecular Neuroscience*, 2023, 15: 1037565. (JCR1; IF=6.261; 中科院三区)

[5] Tundong Liu, Liduan Li, Guifang Shao, Xiaomin Wu, **Meng Huang**. A novel policy gradient algorithm with PSO-based parameter exploration for continuous control

[J]. *Engineering Applications of Artificial Intelligence*, 2020, 90:103525. (JCR 1 ; IF=8.0; 中科院二区 Top)

八、代表性专利

1. 一种无监督图像翻译方法及系统，授权号：ZL201910461740.8。