## 백터

• 숫자를 원소로 가지는 리스트(list) 또는 배열(array)

$$x = [1, 7, 2]$$
  
 $x = np.array([1,7,2])$ 

- 공간에서 한점을 나타냄
- 원점으로부터 상대적 위치 표현
- 숫자를 곱하면 길이만 변한다.
- α: 스칼라곱

$$lpha x = egin{bmatrix} lpha x_1 \ lpha x_2 \ lpha x_3 \end{bmatrix}$$

 $\alpha x_1 > 1$  => 길이 늘어남

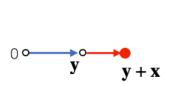
 $\alpha x_1 < 1 \Rightarrow$  길이 줄어듬

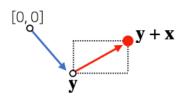
 $lpha x_1 < 0$  => 반대 방향

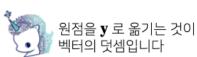
- 같은 모양을 가지면 덧셈, 뺄셈을 계산할 수 있다.
- 같은 모양을 가지면 성분곱(Hadamard product) 계산 가능

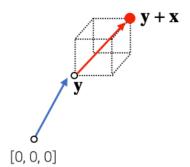
$$x = egin{bmatrix} x_1 \ x_2 \ dots \ x_d \end{bmatrix}, y = egin{bmatrix} y_1 \ y_2 \ dots \ y_d \end{bmatrix}, x \odot y = egin{bmatrix} x_1 y_1 \ x_2 y_2 \ dots \ x_d y_d \end{bmatrix}$$

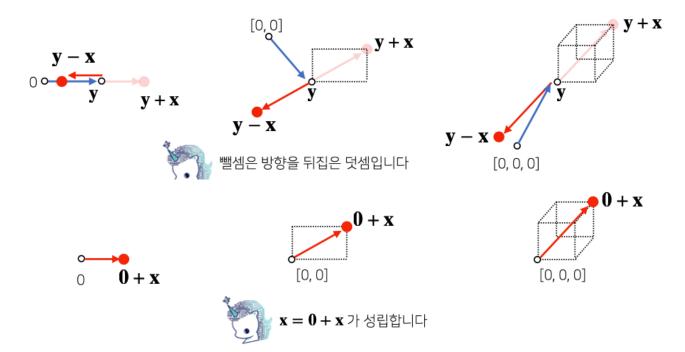
• 두 벡터의 덧셈: 다른 백터로부터 상대적 위치이동 표현



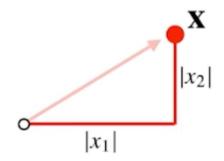




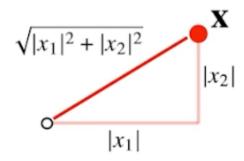




- 백터의 노름(norm): 원점에서부터의 거리
  - $\circ \;\; L_1$ -노름: 각 성분의 변화량의 절대값을 모두 더함 => 맨하튼 노름



 $\circ \;\; L_2$ -노름: 피타고라스 정리를 이용해 유클리드 거리 계산 => 유클리드 노름

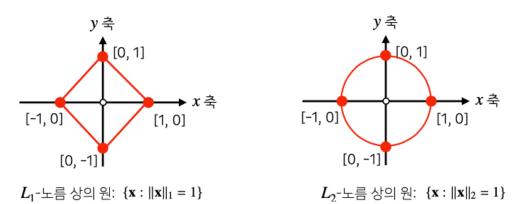


```
def l1_norm(x):
    x_norm = np.abs(x)
    x_norm = np.sum(x_norm)
    return x_norm

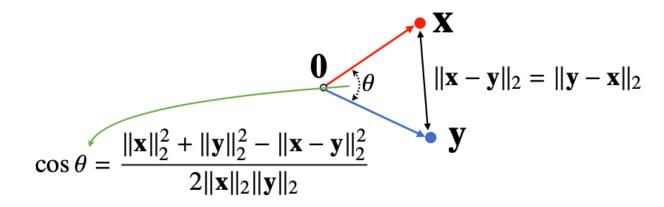
def l2_norm(x):
    x_norm = x*x
    x_norm = np.sum(x_norm)
    x_norm = np.sqrt(x_norm)
    return x_norm

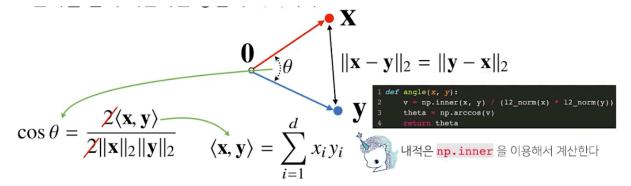
# L2 노름은 np.linalg.norm을 이용해도 구현 가능
```

• 노름의 종류에 따라 **기하학적 성질 달라진다.** 



- ullet 두 벡터 사이의 거리 계산 => 벡터 뺄셈 이용  $\|x-y\|_2 = \|y-x\|_2$
- 두 벡터 사이의 거리 이용하여 각도 계산 ( $L_2$ -노름인  $\| \dots \|_2$ 만 가능하다) 제2 코사인 법칙에 의해 두 벡터 사이의 각도 계산할 수 있다. 분자를 쉽게 계산하는 방법이 **내적(inner product)**

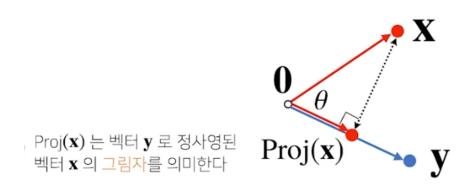




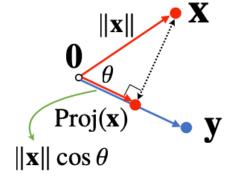
## ● 내적

정사영(orthogonal projection)된 벡터의 길이와 관련

$$< x, y > = ||x||_2 ||y||_2 \cos(\theta)$$



• Proj(x)의 길이는 코사인법칙에 의해  $||x||cos\theta$  가 된다.



• 내적은 정사영의 길이를 백터 y의 길이  $\|y\|$ 만큼 조정한 값

