행렬

• 행렬(matrix): 백터를 원소로 가지는 2차원 배열

$$X = egin{bmatrix} 1 & -2 & 3 \ 7 & 5 & 0 \ 2 & -1 & 2 \end{bmatrix}$$

```
X = np.array([[1,-2,3], [7,5,0], [-2,-1,-2]])
# 행렬: 행백터 n차원 _
```

- 특정 행(열) 고정하면 행(열)백터라고 부름
- 전치행렬(transpose matrix): 행과 열의 인덱스가 바뀐 행렬 // 행백터 => 열백터 / 열백터 => 행백터
- 행렬은 여러 점들로 나타남
- 행렬의 행백터 x_i 는 i번째 데이터를 의미
- 백터를 원소로 가지는 2차원 배열
- 같은 모양을 가지면 덧셈, 뺄셈 계산 가능 // 성분곱/스칼라곱도 벡터와 같다
- 행렬 곱셈(matrix multiplication) i번째 행벡터와 j번째 열벡터 사이의 내적을 성분으로 가지는 행렬 계산

행렬곱은 각각 열의 개수와 행의 개수가 같아야 함

numpy 에서는 @ 연산을 사용한다.

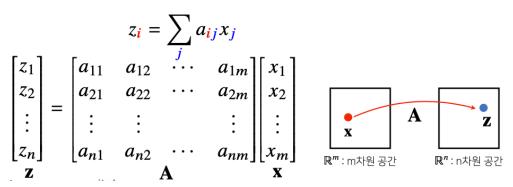
$$\mathbf{XY} = \left(\sum_{k} x_{ik} y_{kj}\right)$$

● 행렬 내적

넘파이의 np.inner 는 i번째 행벡터와 j번째 행벡터 사이의 내적을 성분으로 가지는 행렬 계산 수학에서의 내적과 다름

• 행렬: 벡터공간에서 사용되는 연산자(operator)로 이해

- 행렬곱을 통해 벡터를 다른 차원의 공간 보낼 수 있다.
- 패턴을 추출하고 데이터를 압축할 수도 있다.
- 모든 선형변환(linear transform)은 행렬곱으로 계산할 수 있다.



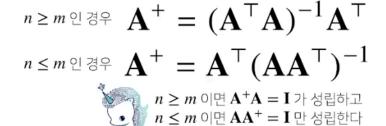
역행렬

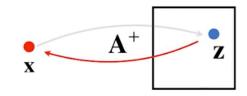
어떤 행렬 A의 연산을 거꾸로 되돌리는 행렬

 A^{-1} 이라고 표기 / np.linalg.inv() 이용

가우스 소거법(Fauss Elimination) / 가우스-조던 소거법(Fauss-Jordan Elimination) 이용해서 구함 행과 열 숫자가 같고 행렬식(determinant)이 0이 아닌 경우에만 계산

- ㅇ 항등행렬: 주대각선의 원소가 모두 1이며 나머지 원소는 모두 0인 정사각 행렬
- ullet 역행렬을 계산할 수 없다면 **유사역행렬(pseudo-inverse)** 또는 **무어-펜로즈(Moore-Penrose) 역행렬** A^+ 이용





 \mathbb{R}^m : m차원 공간

 \mathbb{R}^n : n차원 공간

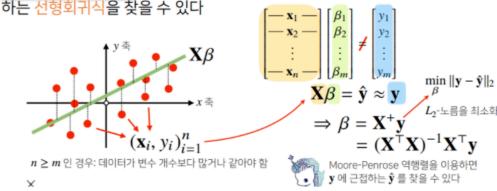
• n > m

$$a_{11}x_1 + a_{12}x_2 + \cdots + a_{1m}x_m = b_1$$

 $a_{12}x_1 + a_{22}x_2 + \cdots + a_{2m}x_m = b_2$
 \vdots
 $a_{n1}x_1 + a_{n2}x_2 + \cdots + a_{nm}x_m = b_n$
 $a_{n1}x_1 + a_{n2}x_2 + \cdots + a_{nm}x_m = b_n$
 $a_{n2}x_1 + a_{n2}x_2 + \cdots + a_{nm}x_m = b_n$
 $a_{n3}x_1 + a_{n2}x_2 + \cdots + a_{nm}x_m = b_n$
 $a_{n4}x_1 + a_{n2}x_2 + \cdots + a_{nm}x_m = b_n$
 $a_{n5}x_1 + a_{n2}x_2 + \cdots + a_{nm}x_m = b_n$
 $a_{n5}x_1 + a_{n2}x_2 + \cdots + a_{nm}x_m = b_n$
 $a_{n5}x_1 + a_{n2}x_2 + \cdots + a_{nm}x_m = b_n$
 $a_{n5}x_1 + a_{n2}x_2 + \cdots + a_{nm}x_m = b_n$
 $a_{n5}x_1 + a_{n2}x_2 + \cdots + a_{nm}x_m = b_n$
 $a_{n5}x_1 + a_{n2}x_2 + \cdots + a_{nm}x_m = b_n$

• n < m

• np.linalg.piny 를 이용하면 데이터를 선형모델(linear model)로 해석



sklearn.linearmodel.LinearRegression 과 같은 결과 가져옴

sklearn 에서는 y절편항을 직접 추가해야 함.

```
# Scikit Learn을 활용한 회귀분석
from skelearn.linear_model import LinearRegression
model = LinearRegression()
model.fit(X, y)
y_test = model.predict(x_test)

# Moore-Penrose 역행렬
X_ = np.array(np.append(x, [1]) for x in X) # intercept 항 직접 추가 필요
beta = np.linalg.pinv(X_) @ y
y_test = np.append(x, [1]) @ beta
```