



Développement d'une interface pour l'utilisation d'un algorithme de Deep Learning de segmentation de lésions cérébrales sur des images IRM

Documentation

Open Health
Imaging Foundation



Projet réalisé dans le cadre du Master 1 - Informatique IA, Science des Données et Santé

ANDRES Romain
CORROLLER Typhaine
LADUREE Luca
OROU-GUIDOU Amirath Fara





Contents

1	Introduction	2
2	Configuration 2.1 Exigences système	2
3	Contenu 3.1 Liste des études	2 2 3
4	Utilisation 4.1 Chargement des images 4.2 Segmentation automatique des lésions 4.3 Annotations manuelles 4.4 Exportation des données	4 5
5	Conclusion	6





1 Introduction

Cette documentation a été créée dans le but de fournir aux professionnels de la santé les informations nécessaires à l'utilisation efficace de notre interface de segmentation de lésions cérébrales. Notre projet s'appuie sur l'interface de OHIF, une plateforme de visualisation d'imagerie médicale opensource reconnue pour sa flexibilité.

Le projet vise à faciliter l'utilisation d'un algorithme de Deep Learning de segmentation de lésions cérébrales sur des images IRM.

Pour le développement du Back-End, nous avons utilisé l'API Python Flask, offrant ainsi une architecture robuste pour la communication entre le Front-End et le serveur. De plus, nous avons intégré le serveur DICOM web Orthanc pour la gestion efficace des données d'imagerie médicale, garantissant une expérience utilisateur fluide et sécurisée.

2 Configuration

2.1 Exigences système

Pour utiliser notre interface de segmentation de lésions cérébrales, assurez-vous que votre système répond aux exigences minimales suivantes :

- Système d'exploitation : Windows 10, macOS, Linux
- Mémoire RAM : 8Go (16Go sont recommandés pour de meilleures performances)

3 Contenu

Dans notre interface, il existe deux modes d'utilisation, accessibles depuis l'accueil. Il est possible d'utiliser dans un premier temps la visualisation d'images médicales, disponible depuis l'onglet LISTE DES ÉTUDES (voir la Figure 1). Dans un second temps, nous pouvons étudier le suivi des analyses des patients depuis l'onglet SUIVI DES PATIENTS (voir la Figure 2).

3.1 Liste des études

Cet onglet permet l'affichage de la liste des études importées au préalable.





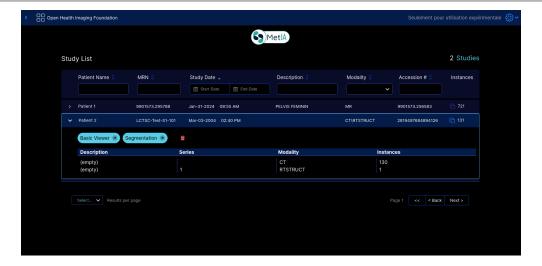


Figure 1: Liste des études

En déroulant une étude, nous avons des informations à son propos, comme le nom du patient, mais nous pouvons aussi choisir d'afficher les images avec le BASIC VIEWER. C'est sur cette interface de visualisation qu'il est possible de lancer le modèle performant la segmentation.

3.2 Suivi des patients

Cet onglet permet quant à lui de permettre l'affichage d'une liste des patients.

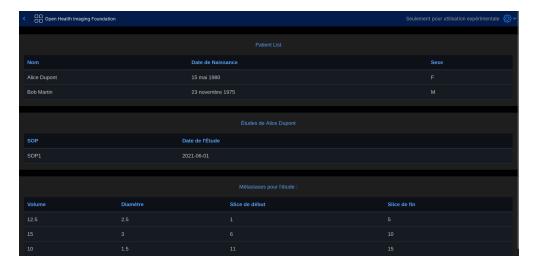


Figure 2: Liste des patients





Cela permet de regrouper les études par patient, dans le but de pouvoir réaliser leur suivi et leur analyse dans le temps.

4 Utilisation

Dans cette section, nous détaillerons les différentes fonctionnalités de notre interface et comment les utiliser.

4.1 Chargement des images

Pour commencer l'analyse, voici comment charger une étude dans l'interface :

- 1. Ouvrez l'interface depuis votre navigateur web.
- 2. Cliquez sur le bouton AJOUTER DES ÉTUDES puis sélectionnez vos images DICOM depuis vos dossiers, ou directement en les "glissant-déposant" dans l'emplacement prévu à cet effet.
- 3. Une fois les images chargées, vous pouvez maintenant les visualiser.



Figure 3: Importation des images

4.2 Segmentation automatique des lésions

Notre modèle de Deep Learning effectue une segmentation automatique des lésions cérébrales sur les images chargées, voici comment utiliser cette fonctionnalité :

- 1. Depuis la page d'accueil, sélectionnez une l'étude que vous souhaitez analyser depuis la liste des études.
- 2. Depuis l'interface Basic Viewer, cliquez sur le bouton Perform Metia segmentation et patientez le temps du chargement.
- 3. Une fois la segmentation terminée, vous pourrez observer les différentes régions d'intérêt colorées.





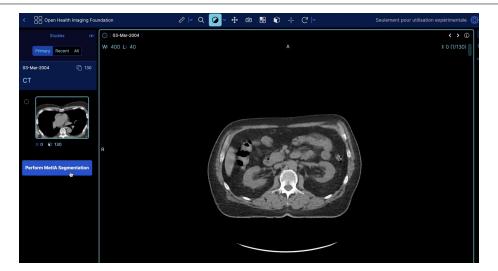


Figure 4: Lancement de la segmentation

4.3 Annotations manuelles

Le Viewer OHIF permet de créer des annotations manuellement depuis l'interface de visualisation d'une étude. Pour utiliser les outils d'annotations, voici les marches à suivre :

- 1. Depuis la page de visualisation d'une étude, sélectionnez l'outil souhaité parmi Annoter ou encore Mesurer. Ils se trouvent dans la barre d'outils en haut de l'écran.
- 2. Sur l'écran, faites votre annotation à l'aide de l'outil sélectionné à l'endroit souhaité.

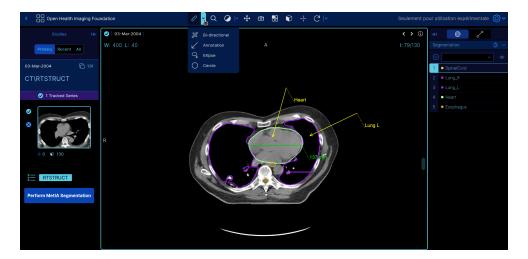


Figure 5: Annotation des images





4.4 Exportation des données

Notre interface permet d'exporter les données générées par le modèle de segmentation ou les annotations créées manuellement. Voici comment utiliser cette fonctionnalité :

- 1. Rendez vous sur la page de visualisation d'une étude.
- 2. Après avoir généré une segmentation ou annotée les images, vous pouvez les exporter en cliquant sur DOWNLOAD DICOM RTSTRUCT dans le menu de droite.



Figure 6: Exportation des données

5 Conclusion

Pour résumer, notre projet de segmentation de lésions cérébrales vise à simplifier et améliorer l'analyse des images IRM pour les professionnels de la santé. En utilisant une interface interactive et un algorithme avancé de Deep Learning, nous espérons rendre le diagnostic des lésions cérébrales plus précis et plus rapide.