IDC

Machine Learning 有问图模型 Bayes nets

华中科技大学计算机学院 王天江

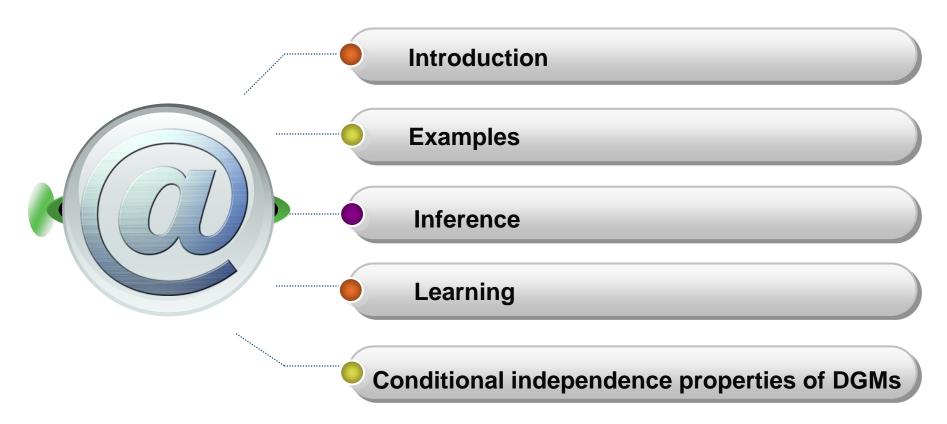


第6章:有向图模型

(Bayes nets)



第6章:有向图模型





概述



问题的提出

- > 我们需要观察多个相关变量,例如
- > 文档中的单词
- > 生物芯片中的基因
- > 如何方便表示相关变量的联合分布p(x|θ)?
- > 给定一组变量,如何在合理的计算时间内使用这个分布来推断另一组变量?
- ▶ 如何学习这个分布的参数?



概率计算的链式法则

> 链式法则公式:

$$p(x_{1:V}) = p(x_1)p(x_2 | x_1)p(x_3 | x_2, x_1) \cdots p(x_V | x_{1:V-1})$$

- \ge 当t 变大时, $p(x_t|x_{1:t-1})$ 的表示将变得越来越复杂
- ▶ 例如, 设所有变量都有 K个状态.
 - \triangleright p(x1) 可表示为一个含 O(K) 个参数的表,
 - ▶ p(x2|x1)可表示为一个含 O(K²)个参数的表
 - ▶ p(x3|x1, x2)可表示为一个含 O(K3)个参数的3d表.
 - ▶ 以此类推,模型将包含 O(K^V) 个参数.



随机矩阵(stochastic matrix)

▶ 随机矩阵是一个条件概率的2维表:

$$> p(x2 = j|x1 = i) = T_{ij};$$

- \triangleright 满足约束: $\Sigma_j T_{ij} = 1$ for all rows $i, 0 \le T_{ij} \le 1$ for all entries
- > 例如

X	1	 K	
p	0.1	 0.15	

X_2/X_1	1	 K
1	0.1	 0.15
1	<i>;</i>	 !
K	0.2	 0.3



条件概率表(CPTs)

- > 对于多维变量, 其联合发布参数就变得很多.
 - 因此,需要用多个表格来表达这些参数.
- > 这些表格称为条件概率表

x 1	x2	x3=	1		K		
K	x1	x2	x3=	1		K	
;	!	x1	x2	x3=	1		K
K	/	1	1		0.1		0.14
	/	<i>¦</i>	/		1		1
		1	K		0.13		0.16



条件独立性(CI)

- ▶ 当存在: p(X, Y | Z) = p(X|Z)p(Y |Z)
 - \triangleright 称 X、Y在给定条件Z下,是条件独立的
 - ▶ 记为: X ⊥ Y | Z,
 - ▶ 即有, X ⊥ Y | Z ←⇒ p(X, Y | Z) = p(X|Z)p(Y |Z)



Markov 链

- ▶ 一阶 Markov 假设:
 - $\rightarrow x_{t+1} \perp x_{1:t-1} | x_t$
 - ▶这表示"给定现在,未来独立于过去"
- ▶ 基于这个假设,联合分布可表示成:

$$p(x_{1:V}) = p(x_1) \prod_{1 \le t \le V} p(x_t \mid x_{t-1})$$

➤ 这称为一阶 Markov 链





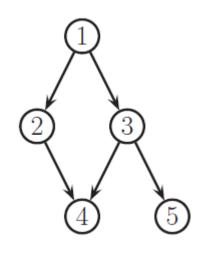
图模型 (GM)

- ▶ 定义1d序列上的分布时,一阶马尔可夫模型是有用的
- > 定义二维图像、三维视频或更高维变量的分布时,使用图模型更方便
- > 图模型用图来表示联合分布
 - ▶ 节点: 随机变量, 边: 条件依赖
- > 图模型类型
 - > 有向图模型
 - > 无向图模型
 - > 有向与无向结合的模型



有向图模型(DGM)

- ❖ 用于表示随机变量之间依赖关系的有向无环图模型(DAG),被称为贝叶斯网络
 - 这些模型也被称为信念网络。
- ❖ 图说明:
 - 节点:代表随机变量。
 - 边:表示从父节点到子节点的直接依赖关系
 - 条件概率表:每个节点关联一个条件概率表,定义了给定其父节点取值时该节点的概率分布。





有向图模型的特点

❖ 局部马尔可夫假设:

- 每个节点仅依赖于它的直接父节点,与其它非后代节点条件独立。这可简化联合概率分布计算
- $p(x_{1:V}|G) = \prod_{t=1}^{V} p(x_t|x_{pa(t)})$
- 可用三种基本图形模式表达:
 - ⑩ 链式结构: 如果存在 $A \rightarrow B \rightarrow C$, 那么在给定B的情况下, A和C条件独立
 - ⑩ 分叉结构: 如果存在 $A \rightarrow B$ 和 $A \rightarrow C$,那么在给定 A的情况下,B和C 条件独立。
 - ⑩ 碰撞结构: 如果存在 $A \rightarrow C \leftarrow B$, 如果未给定C, $A \cap B$ 不独立; 如果给定C, $A \cap B$ 条件独立。

❖ 全局独立性:

■ 从图结构中可以推导出更广泛的条件独立性声明,进一步简化模型复杂度。

❖ 紧凑表示:

■ 明确编码变量间的依赖关系,更紧凑表示复杂联合概率分布,避免冗余信息

❖ 推理能力:

• 支持在图上进行高效的推理



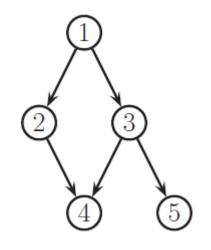
有向图模型举例

❖ 比如有个联合概率分布:

$$p(x_{1:5}) = p(x_1)p(x_2 \mid x_1)p(x_3 \mid x_1, x_2)p(x_4 \mid x_1, x_2, x_3)p(x_5 \mid x_1, x_2, x_3, x_4)$$

$$p(x_{1:5}) = p(x_1)p(x_2 \mid x_1)p(x_3 \mid x_1)p(x_4 \mid x_2, x_3)p(x_5 \mid x_3)$$

❖ 可以表示为:





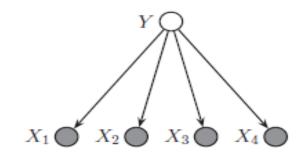
几个例子



朴素贝叶斯分类器

- ❖ 朴素贝叶斯分类器假定
 - 给定类标签后,特征是条件独立的
- ❖ 联合分布的表达式与网络图:

$$p(y,x) = p(y) \prod_{j=1}^{D} p(x_j | y)$$



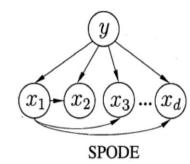


半朴素贝叶斯分类器

- ❖ 朴素贝叶斯假设往往很难成立,因此,希望对属性条件独立性假设放松一点
 - 产生了"半朴素贝叶斯分类器"(semi-naive Bayes classifiers),基本思路:
 - ⑩适当考虑一部分属性间比较强的相互依赖信息
 - ⑩采用"独依赖估计"(One-Dependent Estimator, ODE): 假设每个属性除类别外,最多只依赖一个其他属性

$$p(C|x) \propto p(C) \prod_{i=1}^{d} p(x_i|C, pa_i)$$

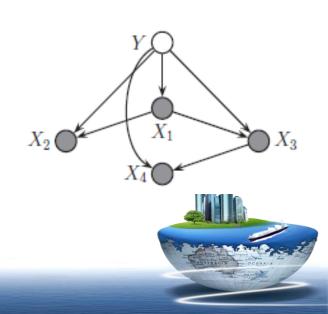
- 例如,超父结构(super-parent): 假设所有属性都依赖于同一个属性





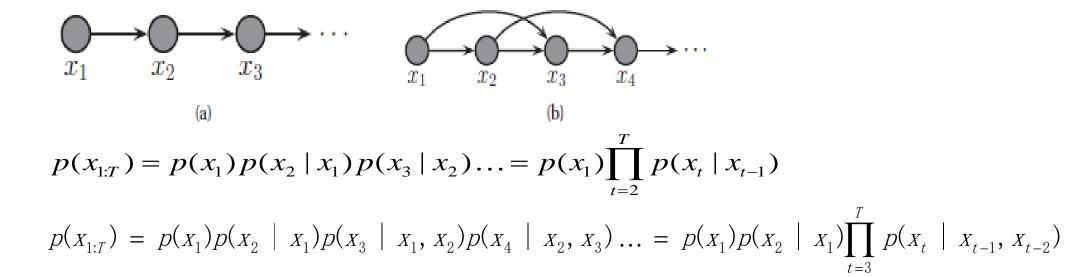
树增强(tree-augmented)的朴素贝叶斯分类器

- ❖ 朴素贝叶斯分类器假设特征之间条件独立,这种假设在现实中往往不成立
- ❖ 树增强朴素贝叶斯分类器是对朴素贝叶斯分类器的一种改进
 - 允许特征之间存在一定的依赖关系,从而更好地捕捉特征之间的相关性
 - 这些依赖关系必须符合树结构
 - ⑩ 特征之间可以形成一棵树结构,意味着每个特征最多只有一个父特征
- ❖ 它实际上是一个半朴素贝叶斯分类器



Markov 模型

❖ 一阶和二阶Markov链是有向无环图:

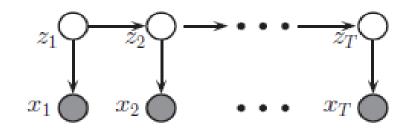


- ❖ 类似地可创建高阶马尔可夫模型
- ❖ 对于高阶模型,参数的数量将激增。



隐马尔科夫模型(HMM)

- ❖ 由一阶马尔科夫链定义的隐过程
 - > 其观察过程是带噪声的

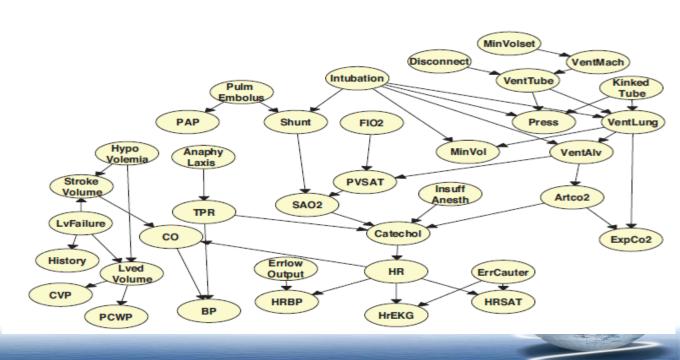


- $> z_t$ 为t时刻的隐变量
- $\rightarrow x_t$ 为t时刻的观察变量
- ▶ p(z_t|z_{t-1}): 转移模型, p(x_t|z_t): 观测模型



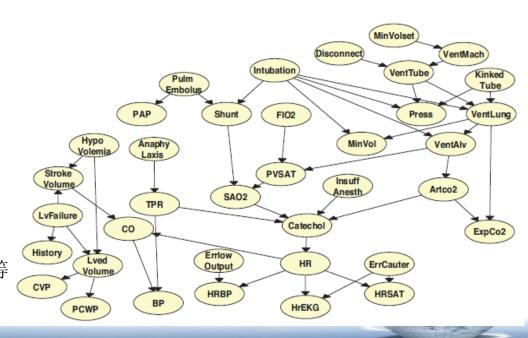
医疗诊断

- ❖ 如果我们希望对重症监护室(ICU)中的病人的疾病进行建模
 - 需要测量患者的多种变量,包括呼吸频率、血压等
 - 需要描述这些变量之间的关系
- ❖ Beinlich et al. 1989提出一种"报警网络"
 - 它表达了变量间的依赖关系
 - 该模型有37个变量和504个参数。
- ❖ 这样的系统,又称为概率专家系统



"报警网络"说明

- ❖ "报警网络"是一个复杂的贝叶斯网络,通常用于医疗诊断或监测系统
 - 它描述了"临床参数和生理指标", "病理状态和事件", "历史和背景信息"及其关系
 - 临床参数和生理指标
 - ⑩ PAP: 肺动脉压, CVP: 中心静脉压, PCWP: 肺毛细血管楔压, BP: 血压, HR: 心率, CO: 心输出量,等
 - 病理状态和事件
 - ⑩ Pulm Embolus: 肺栓塞, Shunt: 分流效应,等
 - 历史和背景信息
 - ⑩ History: 病史, LvFailure: 左心衰竭,等
 - 关键路径和依赖关系
 - ⑩ 从病史到生理指标:
 - ✓ 病史影响左心衰竭, 进而影响中心静脉压)、肺毛细血管楔压等

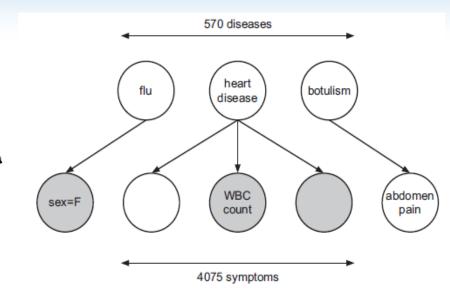


另一种医疗诊断网络

- ❖ Shwe et al. 1991提出,称为快速医学参考(QMR网络)
- ❖ 这是设计的为传染病进行建模
- ❖ QMR模型是二分图结构,上部表示疾病,下部表示症状或发现
 - 所有根节点都服从伯努利分布,代表发生该疾病的先验概率
 - 许多叶节点的父节点数量非常多
 - ⑩叶节点(症状)用条件概率表(CPT)表示,需要太多参数
- ❖ 一种替代方案: 用逻辑回归表示条件概率分布

$$p(v_t = 1 | h_{pa(t)}) = sigm(\omega^T h_{pa(t)})$$

■ 用有向图表示, 称为sigmoid belief net (Neal 1992).



$$p(v,h) = \prod_{s} p(h_s) \prod_{t} p(v_t \mid h_{pa(t)})$$

h_s:隐藏节点 *(疾病diseases)*

 v_t : 观察节点 *(症状symptoms)*

推理 (Inference)



推理的定义

- * 概率推理系统的基本任务
 - 给定一组证据,计算一组查询变量的后验概率.
- ❖ 一组完整的变量包括: X={X}∪E ∪Y.
 - X表示查询变量;
 - **E** 表示一组证据变量 E₁,...,E_m,
 - Y:即不是证据,也不是查询变量 Y₁,..., Y₁ (隐变量).
- ❖一个典型的推理任务: 计算 P(X | e).
 - e: 特定观测到的证据;
- * 推理方法分为精确推理和近似推理两类



精确推理方法

- ❖ 贝叶斯网络上的精确推理,从根节点开始计算概率分布,逐步计算到目标变量
- ❖ 枚举推理法
 - 基于联合概率分布的全概率公式,直接计算每个感兴趣的查询变量的所有可能状态的概率值
- * 变量消除法(变量消元法)
 - 逐个消除非查询变量来简化联合概率分布,最终得到查询变量的边际概率。
- * 信念传播:
 - 基于消息传递的思想,在树或聚树上进行高效的推理。
- ❖ 团树 (junction tree) 算法:
 - 将任意贝叶斯网络转换为一棵团树,然后在其上应用信念传播算法。



近似推理方法

- *基于蒙特卡洛采样技术的推理方法:
 - 从模型中抽取样本并统计频率来估计概率分布。
 - 常用方法
 - ●前向采样:直接按照网络结构生成样本。
 - ⑩拒绝采样:只接受符合证据的样本。
 - ●重要性采样:加权样本以提高效率。
 - 马尔可夫链蒙特卡洛:构建马尔可夫链逐步改进样本质量。
- * 变分推断:
 - 寻找一个简单分布来近似真实的后验分布,使两者之间的差异最小化(如KL散度)

基于枚举的推理

❖ 一个推理 P(X | e) 可以用下式进行计算:

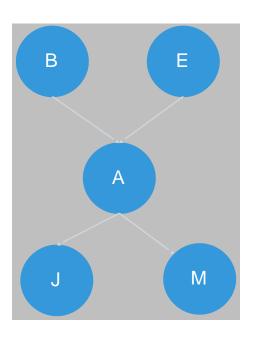
$$p(X \mid \mathbf{e}) = \alpha p(X, \mathbf{e}) = \alpha \sum_{y} p(X, \mathbf{e}, \mathbf{y})$$

- * 贝叶斯网络给出了完整的联合概率分布.
 - 推理可以通过贝叶斯网络进行
 - ●计算网络上条件概率乘积的和.



分析一个例子: Alarm

- ❖ 场景: 当地震发生或者有入室盗窃,报警器会响,若报警器响了, John 和 Mary 会打电话
- ❖ 推理: P(Burglary | JohnCalls = true, MaryCalls = true).
- ❖ 设计网络结构, 其中:
 - B: Burglary
 - E: Earthquake
 - J: John calls
 - M: Mary calls
 - A: Alarm
 - 这个问题里,隐变量是Earthquake和 Alarm





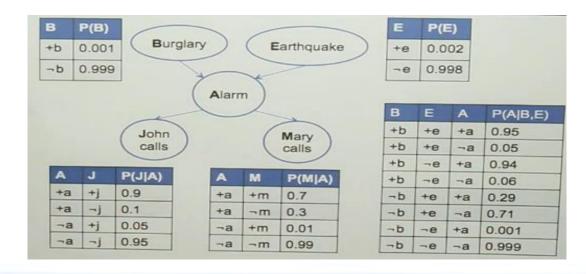
基于枚举直接推理

❖ 根据公式,增加隐变量,有:

$$p(B \mid j, m) = \alpha p(B, j, m) = \alpha \sum_{e} \sum_{a} p(B, j, m, e, a)$$

❖ 根据贝叶斯网络,可得到:

$$p(b \mid j, m) = \alpha \sum_{e} \sum_{a} p(b)p(e)p(a \mid b, e)p(j \mid a)p(m \mid a)$$



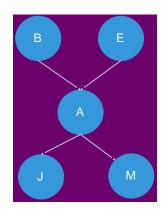


直接枚举推理的复杂度

❖ 贝叶斯网络算法:

$$p(b \mid j, m) = \alpha \sum_{e} \sum_{a} p(b)p(e)p(a \mid b, e)p(j \mid a)p(m \mid a)$$

- 仅仅n 个布尔变量的网络,复杂度都是 (2ⁿ)
- * 这种推理方法过于复杂

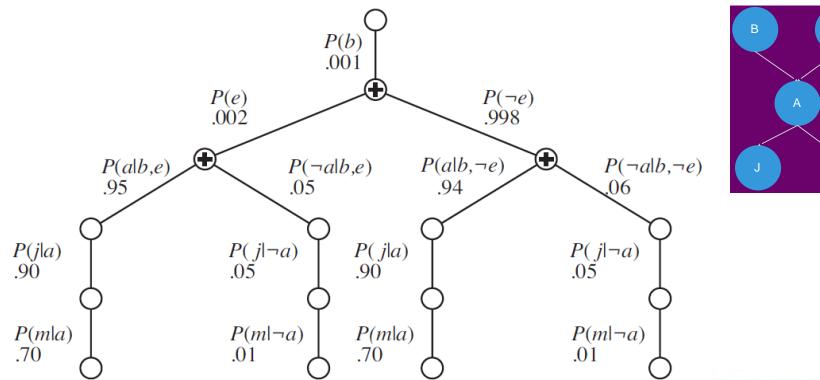


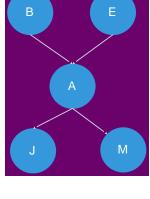


加速方法: 做点简单的改进

❖ 一种简单的改进方法:将网络表示成一个树结构

$$p(b \mid j, m) = \alpha p(b) \sum_{e} p(e) \sum_{a} p(a \mid b, e) p(j \mid a) p(m \mid a)$$







加速方法: 变量消除法

- ❖ 变量消除算法:消除枚举算法中重复变量计算,改进算法
- ❖ 想法很简单: 计算一次后保存结果, 后面直接使用。
 - 变量消除通过从右到左计算表达式来实现存储中间结果
 - 对每个变量的求和仅针对表达式中依赖于该变量的部分。
- ❖ 例如

$$P(d) = \sum_{a,b,c} P(a,b,c,d)$$

$$= \sum_{a,b,c} P(a)P(b|a)P(c|b)P(d|c) = \sum_{b,c} P(c|b)P(d|c) \underbrace{\sum_{a} P(a)P(b|a)}_{\phi_a(b)} = \sum_{c} P(d|c) \underbrace{\sum_{b} P(c|b)\phi_a(b)}_{\phi_b(c)} = \sum_{c} P(d|c) \phi_b(c)$$

❖ 存在问题:不容易找到消解顺序



变量消除法的计算步骤

❖ 初始化:

- 将贝叶斯网络中的每个条件概率表表示为因子(因子分解)
- 对于证据变量 E, 用它们的已知状态, 更新相关因子。

❖ 选择消除顺序:

- 变量消除顺序可以影响计算的效率
- 常用的启发式方法:
 - 最小度数(min-degree):选择连接最少其他变量的变量先消除。
 - 最小填充(min-fill):选择消除后引入最少新边的变量先消除。



变量消除法的计算步骤

- ❖ 消除变量(本质是求边缘概率):
 - 按照选定的顺序逐一消除非查询变量。
 - 查找相关因子: 找出所有包含要消除的变量的因子
 - 乘积运算:将这些因子相乘,生成一个新的因子,这样,相关信息整合到新因子中去了
 - 求和运算:对新因子中的要消除变量求和,(这里实际上是在计算边缘概率),消除变量
 - 更新因子列表: 将含有被消除变量的因子从列表中移除, 并添加新的边缘化后的因子到列表中。
 - 重复上述步骤,直到只剩下查询变量为止

❖ 归一化:

- 当所有非查询变量都被消除后,剩下的因子只涉及查询变量。
- 对这些因子进行乘积运算,得到查询变量的联合概率分布。
- 对结果归一化,确保其为有效概率分布



因子分解

❖ 如果要计算下列公式:

$$p(b \mid j, m) = \alpha \underbrace{p(B)}_{f_1(B)} \underbrace{p(e)}_{e} \underbrace{p(e)}_{f_2(E)} \underbrace{a}_{a} \underbrace{p(a \mid b, e)}_{f_3(A,B,E)} \underbrace{p(j \mid a)}_{f_4(A)} \underbrace{p(m \mid a)}_{f_5(A)}$$

- f_i:表示因子,以矩阵形式存储表达式中某部分的信息
- * 例如:
 - f₄(A) 和f₅(A) 对应于P(j | a) 和 P(m| a) ,都依赖于 A

$$f_4(A) = \begin{pmatrix} p(j \mid a) \\ p(j \mid \neg a) \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} 0.90 \\ 0.05 \end{pmatrix} \qquad f_5(A) = \begin{pmatrix} p(m \mid a) \\ p(m \mid \neg a) \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} 0.70 \\ 0.01 \end{pmatrix}$$

• f₃(A,B,E): 2×2×2 矩阵,(张量)



因子的逐点乘积

❖ 将表达式:

$$p(b \mid j, m) = \alpha p(B) \sum_{f_1(B)} p(e) \sum_{e} p(e) \sum_{f_2(E)} p(a \mid b, e) p(j \mid a) p(m \mid a)$$

* 转换成:

$$p(B \mid j, m) = \alpha f_1(B) \times \sum_{e} f_2(E) \times \sum_{a} f_3(A, B, E) \times f_4(A) \times f_5(A)$$

• 这里 "×" 不是普通的矩阵乘法, 而是逐点相乘



逐点相乘的定义

- ❖ 因子逐点相乘: $f_1 \times f_2 = f$
 - 假设两个因子有共同变量Y₁,...,Y_k.
 - $f_1(X_1 ... X_j, Y_1 ... Y_k) \times f_2(Y_1 ... Y_k, Z_1 ... Z_l) = f(X_1 ... X_j, Y_1 ... Y_k, Z_1 ... Z_l)$
 - ✓ 如果变量都是二值的,则 f_1 、 f_2 分别有 2^{j+k} 和 2^{k+l} 个项
 - ✓ 逐点乘积有 2j+k+l 个项.
- ❖ 看个两个因子逐点乘积的例子



逐点乘积举例

- ❖ 给定因子f₁(A,B) 和 f₂(B,C)
 - 逐点乘积 f₁(A,B)×f₂(B,C) =f₃(A,B,C) 有 2¹⁺¹⁺¹ =8 项, 如下表

A	В	$\mathbf{f}_1(A,B)$	В	C	$\mathbf{f}_2(B,C)$	A	B	C	$\mathbf{f}_3(A,B,C)$
T	Т	0.3	Т	Т	0.2	Т	Т	Т	$0.3 \times 0.2 = 0.06$
T	F	0.7	T	F	0.8	T	T	F	$0.3 \times 0.8 = 0.24$
F	T	0.9	F	Т	0.6	T	F	T	$0.7 \times 0.6 = 0.42$
F	F	0.1	F	F	0.4	T	F	F	$0.7 \times 0.4 = 0.28$
						F	T	T	$0.9 \times 0.2 = 0.18$
						F	Т	F	$0.9 \times 0.8 = 0.72$
						F	F	T	$0.1 \times 0.6 = 0.06$
		1 1				F	F	F	$0.1 \times 0.4 = 0.04$



变量消除法举例(1)

❖ 对于表达式:

$$p(B \mid j, m) = \alpha f_1(B) \times \sum_{e} f_2(E) \times \sum_{a} f_3(A, B, E) \times f_4(A) \times f_5(A)$$

❖ 步骤1:

 f_3 , f_4 , f_5 乘积里对A求和,得到 2×2 的新因子 f_6 (B,E)

$$f_{6}(B, E) = \sum_{a} f_{3}(A, B, E) \times f_{4}(A) \times f_{5}(A)$$

$$= f_{3}(a, B, E) \times f_{4}(a) \times f_{5}(a) + f_{3}(\neg a, B, E) \times f_{4}(\neg a) \times f_{5}(\neg a)$$

表达式变成为:

$$p(B \mid j, m) = \alpha f_1(B) \times \sum_{e} f_2(E) \times f_6(B, E)$$



变量消除法举例(2)

❖ 对于表达式:

$$p(B \mid j, m) = \alpha f_1(B) \times \sum_{e} f_2(E) \times f_6(B, E)$$

❖ 步骤2:

 f_2 , f_6 ,乘积里对E求和,得到 2×2 的新因子 $f_7(B)$

$$f_7(B) = \sum_e f_2(E) \times f_6(B, E)$$

= $f_2(e) \times f_6(B, e) + f_2(\neg e) \times f_6(B, \neg e)$

表达式变成为:

$$p(B \mid j, m) = \alpha f_1(B) \times f_7(B)$$



信念传播法

- ❖ 信念传播是一种在图模型上进行概率推理的算法(特别是在贝叶斯网络)
 - 用于计算网络中各个变量的边缘概率分布,或者最大化后验概率推理。
 - 消息: 消息是从一个节点传递到另一个节点的概率信息
- ❖ 算法步骤
 - 初始化: 为每个节点分配一个初始信念(设置为1)。
 - 消息传递: 节点之间相互传递消息,这些消息代表了节点对其邻居的信念的影响。
 - 消息更新: 节点根据收到的消息更新自己的信念。
 - 收敛: 重复消息传递和更新步骤, 直到所有节点的信念收敛(即不再发生变化)。



消息传递

- ❖ 消息传递过程
 - 假设有贝叶斯网络 A -> B -> C, 并且已经观测到了 C 的值。假定变量都是二元的:
 - 初始化: 非观测节点 A 和 B, 初始信念P(A) 和 P(B|A);观测节点 C发生,信念为1否则为0
 - 从 C 向 B 传递消息:
 - ✓ 如果 C 发生, 计算 P(C=true|B): message(C->B) = P(C=True|B)
 - 从 B 向 A 传递消息:
 - ✓ 整合来自 C 的消息和 B 的条件概率 P(B|A): message(B->A) = Σ_B [P(B|A) * message(C->B)]



消息更新

- ❖ 当一个节点接收到所有邻居节点的消息后,它可以使用这些消息来更新自己的信念
 - 信念是所有传入消息的乘积,再归一化以确保总和为1
 - 更新 B 的信念: belief(B) $\propto P(B|A) \times P(C=True|B)$
 - 更新 A 的信念: belief(A) $\propto P(A) \times \sum B[P(B|A) \times P(C=True|B)]$



学习



学习

- * 推理是指计算 $p(\mathbf{x}_h|\mathbf{x}_v, \boldsymbol{\theta})$,
 - θ 是模型的参数,假定已知.
- ❖ 学习通常是指
 - 给定数据后,计算 MAP 来估计参数

$$\widehat{\theta} = \arg\max_{\theta} \sum_{i=1}^{N} \log p(x_{i,v} \mid \theta) + \log p(\theta)$$

❖ 如果是均匀先验, $p(\theta)$ \propto 1, 后验估计就退化为最大似然估计



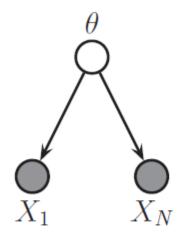
贝叶斯观点

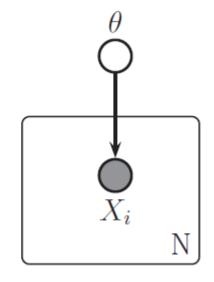
- ❖ 将参数也看成是未知变量进行推理。
- ❖ 推理和学习之间没有区别:
 - 将参数作为节点添加到图中,条件为D推断所有节点的值。
- ❖ 隐变量和参数之间的主要区别
 - 隐变量的数量随着训练数据的数量而增长,
 - 参数的数量通常是固定的



盘标记

- ❖ 当从数据中推断参数时,通常假设数据是独立同分布的(iid)
- ❖ 将这个假设表示为
 - 给定θ,数据点x_i是条件独立的
 - 这个假定可用盘标记



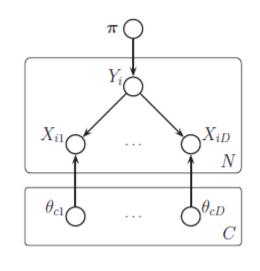


$$p(\theta, D) = p(\theta) \prod_{i=1}^{N} p(x_i \mid \theta)$$

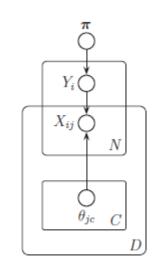


嵌套盘标记

- ❖ 一个稍微复杂一点的例子: 朴素贝叶斯分类器
 - (a) 表示已将D个特征"展开"
 - (b) 用嵌套板标记相同的模型



(a)



$$p(\mathbf{x} \mid y = c, \mathbf{\theta}) = \prod_{j=1}^{D} p(x_j \mid y = c, \theta_{jc})$$



完全数据(Complete data)

- ❖ 如果在每种情况下所有的变量都被完全观察到
 - 没有丢失数据,也没有隐藏变量
- ❖ 我们称这数据是完全的



从完全数据中学习

- > 当所有变量都已经被观测到时,参数学习就变成了简单的频率计数问题。
- ➤ 对于每个条件概率 P(X|Pa), 计算给定 Pa 的值下 X 发生的频率来估计概率
- ▶ 这种情况,最大似然估计是常用的参数估计方法,对于完全数据的有向图模型,其似然函数:

$$p(D \mid \mathbf{\theta}) = \prod_{i=1}^{N} p(x_i \mid \theta) = \prod_{i=1}^{N} \prod_{t=1}^{V} p(x_{it} \mid x_{i,pa(t)}, \theta_t) = \prod_{t=1}^{V} p(D_t \mid \theta_t)$$

这里D_t 是与节点t 相关联的数据以及它们的父节点,

- 这就是根据图的似然分解.
- ▶ 假设先验为:

$$p(\mathbf{\theta}) = \prod_{t=1}^{V} p(\boldsymbol{\theta}_i)$$

▶ 后验也因子分解为:

$$p(\mathbf{\theta}) \propto p(D \mid \boldsymbol{\theta})p(\mathbf{\theta}) = \prod_{t=1}^{V} p(D_t \mid \boldsymbol{\theta}_t)p(\boldsymbol{\theta}_t)$$



DGMs条件独立的特性



图模型的关键

- ▶ 任何图模型的关键都是一组条件独立性假设
- $> x_A \perp_G x_B | x_C : A$ is independent of B given C in the graph G
 - I-map (independence map) : the set of all such CI statements
 - I(G): the set of all such CI statements encoded by the graph
 - I(p) is the set of all CI statements that hold for distribution p.
 - G is an I-map for p, iff $I(G) \subseteq I(p)$
 - ✓ There are many I-map for p,
 - \blacksquare I(G) = I(P), Graph G represent the distribution P
 - ✓ The I(G) is also called P-map (Perfect-map).



d-separation

- Conditional independence of two variables in graph G
 - determined by using a very important conception called d-separation
 - d-separation : Directed Separation
- > We say path P is d-separated by a set of nodes E
 - E contains the evidence
 - iff at least one of the following conditions hold:
 - 1. P contains a chain, $s \rightarrow m \rightarrow t$ or $s \leftarrow m \leftarrow t$, $(m \in E)$
 - 2. P contains a tent or fork, $s \times m \setminus t$, where $m \in E$
 - 3. P contains a **v-structure**, $s \times m \angle t$, m is not in **E** and nor is any descendant of m.



d-separated two sets of nodes

- > a set of nodes A is d-separated from a different set of nodes B
 - given a third observed set E
 - iff each path from every node $a \in A$ to every node $b \in B$ is d-separated by E.



Why to need d-separate?

- > if the observation variable (evidence node) set E is known
 - whether node set A and node set B are conditionally independent with respect to E?
 - ✓ we can follow all path from A to B. If these path all are d-separated by E
 - ✓ it shows that A and B are conditionally independent with respect to E



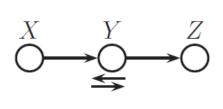
global Markov properties

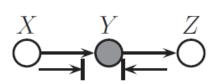
- Conditional independence properties of a DGM
 - $\blacksquare x_A \perp_G x_B / x_E \iff A \text{ is d-separated from B given E.}$

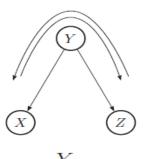


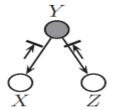
Bayes ball algorithm

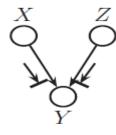
- a simple way to see if A is d-separated from B given E
- > The idea of the algorithm:
 - "shade" all nodes in E means they are observed.
 - place "balls" at each node in *A, let them "bounce around"* according to some rules, ask if any of the balls reach any of the nodes in *B.*

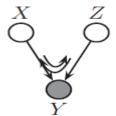








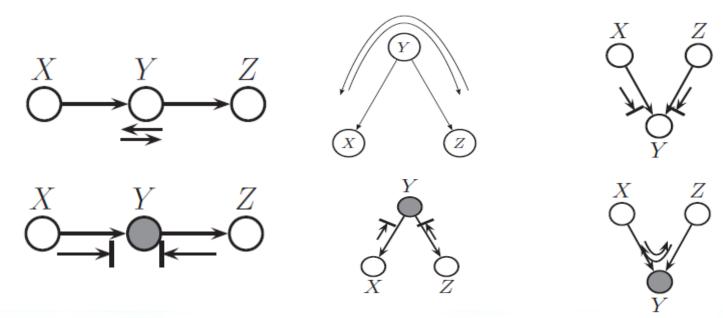






Rules of Bayes ball

- The three main rules
 - a ball can pass through a chain, but not if it is shaded in the middle.
 - a ball can pass through a fork, but not if it is shaded in the middle.
 - a ball cannot pass through a v-structure, unless it is shaded in the middle



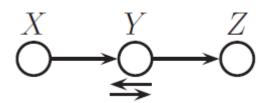


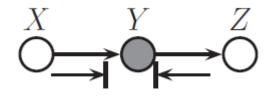
justify Rule 1 of Bayes ball

 \diamond consider a chain structure $X \rightarrow Y \rightarrow Z$

$$p(x, y, z) = p(x)p(y \mid x)p(z \mid y)$$

$$p(x, z \mid y) = \frac{p(x, z \mid y)p(y)}{p(y)} = \frac{p(x, y, z)}{p(y)} = \frac{p(x, y, z)}{p(y)} = \frac{p(x)p(y \mid x)p(z \mid y)}{p(y)} = p(x \mid y)p(z \mid y)$$





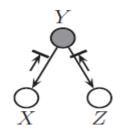


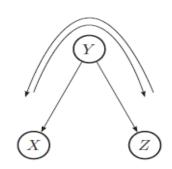
justify Rule 2 of Bayes ball

 \diamond consider a tent or fork, $X \angle Y \setminus Z$

$$p(x, y, z) = p(y)p(x \mid y)p(z \mid y)$$

$$p(x, z \mid y) = \frac{p(x, z \mid y)p(y)}{p(y)} = \frac{p(x, y, z)}{p(y)} = \frac{p(y)p(x \mid y)p(z \mid y)}{p(y)} = p(x \mid y)p(z \mid y)$$





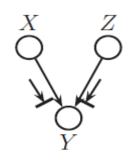


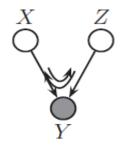
justify Rule 3 of Bayes ball

$$p(x, y, z) = p(x)p(z)p(y \mid x, z)$$

$$p(x, z \mid y) = \frac{p(x, z \mid y)p(y)}{p(y)} = \frac{p(x, y, z)}{p(y)} = \frac{p(x)p(z)p(y \mid x, z)}{p(y)}$$

 \diamond So, $X \angle Z \mid Y$, but, in the unconditional distribution, $X \perp Z$

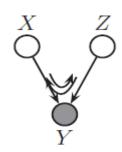


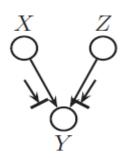




explaining away

- in conditioning on a common child at the bottom of a v-structure
 - we see that
 - **©** *x* and *z* are marginally independent.
 - but it makes its parents become dependent.
- This important effect is called
 - explaining away
 - inter-causal reasoning
 - Berkson's paradox

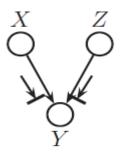


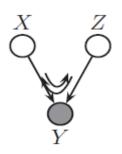




Example of explaining away

- suppose we toss two coins (0,1), the coins are independent
 - we observe the "sum" of their values.
 - but once we observe their sum, they become coupled, e.g.
 - On the sum is 1, and the first coin is 0,
 - Othen we know the second coin is 1







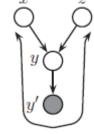
Boundary conditions of Bayes ball

- For a v-structure
 - we need the "boundary conditions of Bayes Ball
 - To explain
 - besides y, the descendant of Y play the same role as y





- Let us analyse it
 - The Suppose Y' is a noise-free copy of Y.
 - if we observe Y', we effectively observe Y as well,

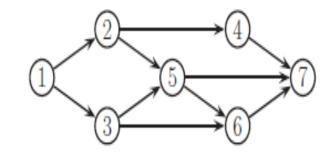


- so the parents X and Z have to compete to explain this.
- So if we send a ball down X → Y → Y', it should "bounce back" up along Y' → Y → Z.
- if Y and all its children are hidden, the ball does not bounce back.



directed local Markov property

- > From the d-separation criterion, one can conclude
 - $t \perp nd(t) \cdot pa(t)/pa(t)$
 - nd(t): non-descendants of a node t
 - √ all the nodes except for its descendants,
 - $\checkmark \operatorname{nd}(t) = V \setminus \{t \cup \operatorname{desc}(t)\}.$



- For example
 - Suppose t = 3, then $nd(3) = \{1, 2, 4\}$, and pa(3) = 1,
 - So we have $3 \perp 2, 4/1$.



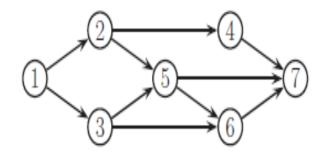
ordered Markov property

- A special case of directed local Markov property
 - t ⊥ pred(t) \ pa(t) | pa(t)
 - \checkmark since pred(t) ⊆ nd(t).
 - ✓ pred(t): **predecessors** of a node t
 - we only look at predecessors of a node
 - ✓ according to some topological ordering.



✓ suppose topological ordering 1, 2, ..., 7.

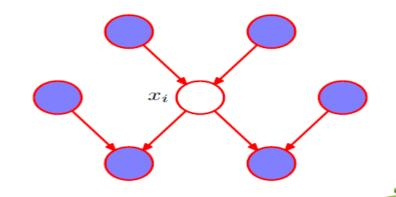
 $\@ifnextchar[{\@model{G}}{\mathcal{G}}$ So, we have $3 \perp 2/1$





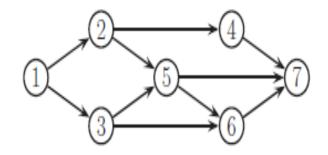
Markov blanket

- Markov blanket is the set of nodes
 - it renders t conditionally independent of all the other nodes in the graph
 - It is called Markov blanket of t : mb(t)
- Markov blanket is equal to
 - the parents + the children + the co-parents
 - $mb(t) = ch(t) \cup pa(t) \cup copa(t)$
- > the co-parents:
 - these are also parents of its children



Example of Markov blanket

- Given a graph, we have
 - $ightharpoonup mb(5) = \{6, 7\} \ U \ \{2, 3\} \ U \ \{4\} = \{2, 3, 4, 6, 7\}$





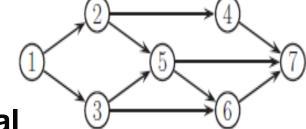
full conditional

- why the co-parents are in the Markov blanket?
 - Let us see:

$$P(X_{t} \mid X_{-t}) = \frac{P(X_{t}, X_{-t})}{P(X_{-t})} = \frac{P(X_{t} \mid X_{pa(t)})P(X_{ch(t)} \mid X_{pa(ch(t))})P(X_{B} \mid X_{pa(B)})}{\int P(X_{t} \mid X_{pa(t)})P(X_{ch(t)} \mid X_{pa(ch(t))})P(X_{B} \mid X_{pa(B)})dX_{t}}$$

$$P(X_t \mid X_{-t}) \propto P(X_t \mid X_{pa(t)}) \prod_{s \in ch(t)} P(X_s \mid X_{pa(s)})$$

Where x_{-t} : all the terms that do not involve x_{t}



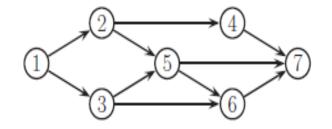
- > The expression is called t's full conditional
- For example

$$p(x_5|\mathbf{x}_{-5}) \propto p(x_5|x_2, x_3)p(x_6|x_3, x_5)p(x_7|x_4, x_5, x_6)$$



Example of condition independence

- \triangleright we see that $x2 \perp x6 \mid x5$, since
 - \triangleright the 2 \rightarrow 5 \rightarrow 6 path is blocked by x5 (which is observed),
 - > the $2 \rightarrow 4 \rightarrow 7 \rightarrow 6$ path is blocked by x7 (which is hidden),
 - \triangleright the 2 \rightarrow 1 \rightarrow 3 \rightarrow 6 path is blocked by x1 (which is hidden).
- \rightarrow we also see that x2 $\cancel{\perp}$ x6|x5, x7, since
 - > the $2 \rightarrow 4 \rightarrow 7 \rightarrow 6$ path is no longer blocked by x7 (which is observed).





Example of full conditional

Given the graph, we have

$$P(x_5 | x_{-5}) \propto P(x_5 | x_2, x_3) P(x_6 | x_3, x_5) P(x_7 | x_4, x_5, x_6)$$

