

Input Sample	1	2	4	5	3	0	P-value	Correlation	RMSE
TCGA-27-1832-01	0.126	0.187	0.58	0	0.054	0.053	0.000	0.307	0.974
TCGA-27-1831-01	0.075	0.096	0.821	0.005	0	0.003	0.000	0.534	0.860
TCGA-28-5216-01	0.045	0.153	0.446	0.34	0.004	0.012	0.000	0.448	0.901
TCGA-16-0846-01	0.129	0.053	0.501	0.002	0.224	0.091	0.000	0.266	0.990
TCGA-28-5218-01	0.492	0.269	0.15	0	0.066	0.023	0.000	0.371	1.037
TCGA-06-0178-01	0.118	0.047	0.331	0.434	0.034	0.035	0.000	0.422	0.914
TCGA-06-0238-01	0.116	0.016	0.319	0.382	0.117	0.051	0.000	0.465	0.898
TCGA-06-0125-01	0.073	0	0.785	0.046	0.096	0	0.000	0.550	0.864
TCGA-06-0219-01	0.078	0.122	0.492	0.25	0	0.058	0.000	0.417	0.914
TCGA-06-0125-02	0.081	0.148	0.597	0	0.152	0.022	0.000	0.397	0.931
TCGA-06-0174-01	0.063	0.046	0.429	0.228	0.233	0	0.000	0.566	0.852
TCGA-28-1747-01	0.127	0	0.631	0.063	0.13	0.049	0.000	0.398	0.934
TCGA-12-0616-01	0.076	0.074	0.341	0.509	0	0	0.000	0.320	0.963
TCGA-06-5415-01	0.031	0.015	0.741	0.123	0.066	0.025	0.000	0.516	0.886
TCGA-28-2499-01	0.078	0.072	0.71	0	0.115	0.025	0.000	0.323	0.979
TCGA-06-5411-01	0.073	0.071	0.216	0.42	0.133	0.086	0.000	0.407	0.922
TCGA-06-0211-01	0.081	0	0.706	0.105	0.109	0	0.000	0.533	0.872
TCGA-19-1787-01	0.128	0.274	0.407	0.066	0.042	0.082	0.000	0.469	0.882
TCGA-27-1835-01	0.098	0	0.796	0.037	0.07	0	0.000	0.539	0.866
TCGA-28-5213-01	0.156	0.199	0.544	0.062	0	0.039	0.000	0.261	0.997
TCGA-06-2561-01	0.074	0.072	0.692	0.112	0.017	0.033	0.000	0.355	0.958
TCGA-14-2554-01	0.067	0.145	0.693	0	0.091	0.003	0.000	0.441	0.912
TCGA-06-2563-01	0.074	0	0.818	0	0.108	0	0.000	0.580	0.845
TCGA-41-3915-01	0.135	0.166	0.484	0.124	0.043	0.049	0.000	0.459	0.888
TCGA-76-4932-01	0.012	0.044	0.808	0.136	0	0	0.000	0.555	0.862
TCGA-06-5412-01	0.178	0	0.775	0	0.047	0	0.000	0.397	0.937
TCGA-26-5135-01	0.101	0.01	0.476	0.303	0.109	0	0.000	0.405	0.932
TCGA-16-1045-01	0.184	0.084	0.594	0.003	0.122	0.014	0.000	0.354	0.948
TCGA-06-0141-01	0.168	0.084	0.572	0.12	0	0.056	0.000	0.340	0.952
TCGA-06-2557-01	0.178	0	0.495	0.089	0.189	0.049	0.000	0.359	0.945
TCGA-06-0157-01	0.124	0	0.555	0.106	0.211	0.006	0.000	0.298	0.986
TCGA-28-1753-01	0.155	0	0.504	0.223	0.118	0	0.000	0.503	0.880
TCGA-26-5139-01	0.066	0.072	0.716	0.016	0.127	0.003	0.000	0.441	0.919
TCGA-26-5136-01	0.108	0.057	0.647	0.113	0.043	0.031	0.000	0.410	0.925
TCGA-28-2509-01	0.033	0.313	0.642	0	0	0.012	0.000	0.568	0.824
TCGA-06-0168-01	0.159	0.074	0.576	0.102	0.036	0.052	0.000	0.330	0.957
TCGA-76-4928-01	0.122	0.12	0.724	0	0.033	0	0.000	0.460	0.897
TCGA-32-5222-01	0.08	0.067	0.805	0.023	0.007	0.017	0.000	0.568	0.839

Input Sample	1	2	4	5	3	0	P-value	Correlation	RMSE
TCGA-12-1597-01	0.085	0	0.364	0.243	0.239	0.068	0.000	0.433	0.920
TCGA-06-2567-01	0.167	0.065	0.618	0	0.092	0.058	0.000	0.411	0.918
TCGA-27-2526-01	0.04	0.077	0.844	0	0	0.039	0.000	0.457	0.913
TCGA-28-2513-01	0.167	0.073	0.66	0	0.097	0.004	0.000	0.442	0.905
TCGA-32-2615-01	0.064	0.252	0.595	0	0.052	0.038	0.000	0.392	0.932
TCGA-19-1389-02	0.176	0.289	0.535	0	0	0	0.000	0.363	0.956
TCGA-27-1834-01	0.132	0.059	0.474	0.075	0.217	0.043	0.000	0.275	0.985
TCGA-14-0787-01	0.06	0.035	0.783	0.094	0.029	0	0.000	0.533	0.870
TCGA-06-5418-01	0.079	0.141	0.724	0.028	0.028	0.001	0.000	0.522	0.862
TCGA-12-5295-01	0.084	0.033	0.646	0.205	0	0.032	0.000	0.487	0.889
TCGA-12-3650-01	0.087	0	0.49	0.306	0.117	0	0.000	0.606	0.834
TCGA-06-0681-11	0	0.106	0.222	0.233	0.231	0.208	0.000	0.322	0.973
TCGA-28-5220-01	0.105	0	0.65	0	0.156	0.089	0.000	0.270	1.000
TCGA-06-0190-01	0.154	0.179	0.613	0	0.054	0	0.000	0.469	0.886
TCGA-02-2483-01	0.123	0.02	0.226	0.475	0.157	0	0.000	0.487	0.887
TCGA-06-5417-01	0.042	0	0.425	0.366	0.101	0.066	0.000	0.344	0.967
TCGA-14-1825-01	0.104	0	0.393	0.411	0.092	0	0.000	0.547	0.863
TCGA-12-0618-01	0.037	0.084	0.379	0.176	0.323	0	0.000	0.561	0.852
TCGA-06-5413-01	0.131	0.003	0.496	0.222	0.135	0.013	0.000	0.390	0.936
TCGA-32-2616-01	0.088	0.133	0.608	0	0.136	0.036	0.000	0.457	0.898
TCGA-12-0821-01	0.067	0.107	0.549	0.116	0.149	0.012	0.000	0.298	0.983
TCGA-06-0158-01	0.084	0.079	0.561	0.144	0.093	0.039	0.000	0.388	0.936
TCGA-06-AABW-11	0.037	0	0.283	0.033	0.195	0.452	0.000	0.591	0.813
TCGA-12-3653-01	0.049	0	0.866	0.037	0.049	0	0.000	0.447	0.930
TCGA-27-2523-01	0.069	0	0.566	0.338	0.027	0	0.000	0.578	0.849
TCGA-27-2524-01	0.123	0.212	0.553	0.109	0	0.004	0.000	0.533	0.846
TCGA-76-4929-01	0.092	0.052	0.501	0.157	0.152	0.045	0.000	0.202	1.022
TCGA-14-0817-01	0.148	0.097	0.472	0.252	0.001	0.031	0.000	0.426	0.907
TCGA-26-5134-01	0.113	0	0.428	0.356	0.101	0.002	0.000	0.463	0.903
TCGA-19-5960-01	0.054	0.026	0.512	0	0.391	0.017	0.000	0.322	0.994
TCGA-28-5215-01	0.158	0	0.462	0.164	0.21	0.007	0.000	0.324	0.965
TCGA-19-2619-01	0.03	0	0.759	0.174	0.037	0	0.000	0.480	0.910
TCGA-14-1034-01	0.105	0.102	0.713	0.003	0.066	0.01	0.000	0.476	0.890
TCGA-14-1034-02	0	0.179	0.764	0	0.057	0	0.000	0.612	0.808
TCGA-15-1444-01	0.11	0	0.438	0.294	0.095	0.063	0.000	0.343	0.955
TCGA-06-5856-01	0.086	0.038	0.619	0.187	0.061	0.008	0.000	0.392	0.939
TCGA-32-4213-01	0.126	0.061	0.566	0.214	0.026	0.006	0.000	0.302	0.973
TCGA-06-0646-01	0.124	0.046	0.448	0.304	0.078	0	0.000	0.316	0.965
TCGA-19-2620-01	0.049	0.1	0.693	0.001	0.057	0.1	0.000	0.345	0.964

Input Sample	1	2	4	5	3	0	P-value	Correlation	RMSE
TCGA-06-0138-01	0.087	0.046	0.525	0.3	0	0.042	0.000	0.264	0.991
TCGA-41-4097-01	0.138	0.118	0.676	0	0.026	0.041	0.000	0.329	0.967
TCGA-28-5204-01	0.056	0	0.728	0.183	0.033	0	0.000	0.615	0.827
TCGA-32-2634-01	0.062	0.108	0.353	0.277	0.153	0.047	0.000	0.398	0.928
TCGA-76-4926-01	0.024	0.095	0.692	0.067	0.088	0.033	0.000	0.424	0.928
TCGA-32-1970-01	0.058	0	0.75	0	0.156	0.036	0.000	0.453	0.921
TCGA-06-0152-02	0.097	0	0.762	0.019	0.122	0	0.000	0.531	0.872
TCGA-15-0742-01	0.027	0.018	0.81	0.069	0.075	0	0.000	0.575	0.853
TCGA-06-0645-01	0.218	0.117	0.533	0	0.121	0.011	0.000	0.397	0.923
TCGA-27-2528-01	0.052	0	0.828	0.119	0	0	0.000	0.521	0.883
TCGA-14-0789-01	0.118	0.129	0.629	0	0.123	0	0.000	0.466	0.892
TCGA-08-0386-01	0.065	0.067	0.601	0.046	0.177	0.045	0.000	0.504	0.880
TCGA-76-4931-01	0.053	0	0.721	0.056	0.17	0	0.000	0.550	0.869
TCGA-27-1830-01	0.117	0.112	0.443	0.136	0.151	0.041	0.000	0.305	0.967
TCGA-06-0184-01	0.143	0.081	0.726	0	0	0.049	0.000	0.427	0.914
TCGA-12-3652-01	0.046	0.029	0.818	0.101	0.003	0.003	0.000	0.465	0.913
TCGA-06-0187-01	0.071	0.034	0.782	0.052	0.061	0	0.000	0.466	0.908
TCGA-14-1823-01	0.118	0.181	0.668	0.033	0	0	0.000	0.330	0.969
TCGA-02-2486-01	0.131	0.31	0.498	0	0.011	0.05	0.000	0.503	0.864
TCGA-19-1390-01	0.098	0	0.402	0.359	0.121	0.02	0.000	0.615	0.828
TCGA-06-0221-02	0.05	0	0.281	0.292	0.349	0.029	0.000	0.539	0.872
TCGA-32-1980-01	0.112	0.1	0.424	0.176	0.082	0.106	0.000	0.320	0.957
TCGA-06-0747-01	0.059	0.099	0.768	0	0.075	0	0.000	0.402	0.942
TCGA-06-0156-01	0.134	0.077	0.384	0.276	0.112	0.017	0.000	0.334	0.953
TCGA-06-0649-01	0.15	0.126	0.458	0.102	0.09	0.074	0.000	0.186	1.019
TCGA-28-5209-01	0.086	0	0.754	0.01	0.149	0	0.000	0.546	0.865
TCGA-28-5208-01	0.087	0	0.642	0.271	0	0	0.000	0.477	0.900
TCGA-06-0686-01	0.093	0.029	0.375	0.379	0.081	0.043	0.000	0.521	0.872
TCGA-76-4927-01	0.11	0.058	0.651	0.07	0.098	0.013	0.000	0.434	0.914
TCGA-28-5207-01	0.067	0.073	0.528	0.132	0.197	0.003	0.000	0.439	0.917
TCGA-06-0171-02	0.295	0.096	0.291	0	0.229	0.089	0.000	0.311	0.964
TCGA-06-2558-01	0.097	0	0.384	0.355	0.133	0.031	0.000	0.438	0.916
TCGA-14-1402-02	0.075	0.088	0.773	0.032	0	0.032	0.000	0.491	0.884
TCGA-06-0644-01	0.128	0.228	0.644	0	0	0	0.000	0.437	0.908
TCGA-06-2562-01	0.093	0.102	0.749	0	0.056	0	0.000	0.511	0.871
TCGA-06-2570-01	0.119	0	0.426	0.297	0.159	0	0.000	0.515	0.878
TCGA-06-2559-01	0.09	0.108	0.457	0.133	0.212	0	0.000	0.438	0.910
TCGA-26-5132-01	0.076	0.142	0.644	0.024	0.077	0.039	0.000	0.532	0.854
TCGA-12-5299-01	0.037	0.122	0.738	0	0.102	0	0.000	0.615	0.810

Input Sample	1	2	4	5	3	0	P-value	Correlation	RMSE
TCGA-06-0743-01	0.087	0.026	0.724	0.044	0.101	0.017	0.000	0.385	0.949
TCGA-06-0680-11	0	0.128	0.136	0.346	0.238	0.153	0.000	0.312	0.977
TCGA-41-2572-01	0.079	0.02	0.785	0.028	0.067	0.021	0.000	0.449	0.917
TCGA-06-0744-01	0.07	0.003	0.72	0.113	0.095	0	0.000	0.574	0.850
TCGA-06-0130-01	0.343	0.259	0.192	0.205	0	0	0.000	0.421	0.930
TCGA-06-0749-01	0.104	0.084	0.595	0	0.138	0.079	0.000	0.272	0.992
TCGA-06-1804-01	0.062	0.03	0.744	0.046	0.095	0.022	0.000	0.503	0.887
TCGA-06-0675-11	0.084	0.027	0.198	0.287	0.301	0.103	0.000	0.292	0.985
TCGA-19-2629-01	0.148	0.016	0.309	0.444	0.052	0.031	0.000	0.213	1.002
TCGA-06-5414-01	0.072	0.048	0.817	0	0.063	0	0.000	0.489	0.894
TCGA-06-5408-01	0.101	0.075	0.626	0	0.197	0	0.000	0.555	0.848
TCGA-19-4065-02	0.11	0.37	0.312	0.169	0	0.038	0.000	0.408	0.919
TCGA-06-2569-01	0.309	0.329	0	0.362	0	0	0.000	0.324	0.987
TCGA-14-0736-02	0.122	0.177	0.435	0.189	0	0.077	0.000	0.203	1.011
TCGA-26-5133-01	0.087	0.006	0.503	0.37	0.034	0	0.000	0.299	0.982
TCGA-19-0957-02	0.111	0.059	0.429	0.056	0.191	0.153	0.000	0.310	0.966
TCGA-06-0190-02	0.209	0.367	0.289	0.125	0	0.011	0.000	0.446	0.907
TCGA-32-2632-01	0.138	0.055	0.712	0	0.059	0.035	0.000	0.386	0.938
TCGA-76-4925-01	0.024	0.145	0.728	0.002	0.101	0	0.000	0.535	0.861
TCGA-19-4065-01	0.083	0.185	0.702	0.016	0.016	0	0.000	0.556	0.836
TCGA-06-0745-01	0.119	0	0.556	0.325	0	0	0.000	0.451	0.908
TCGA-27-2519-01	0.112	0.094	0.506	0.077	0.192	0.019	0.000	0.291	0.980
TCGA-14-0790-01	0.035	0	0.782	0.089	0.06	0.034	0.000	0.468	0.915
TCGA-14-1829-01	0.084	0.127	0.606	0.12	0	0.063	0.000	0.443	0.902
TCGA-28-2514-01	0.057	0.009	0.641	0.113	0.18	0	0.000	0.530	0.878
TCGA-06-0878-01	0.114	0.097	0.63	0.12	0.038	0	0.000	0.396	0.930
TCGA-06-0678-11	0.007	0.114	0.301	0.205	0.235	0.137	0.000	0.362	0.951
TCGA-06-5859-01	0.108	0.007	0.677	0	0.178	0.031	0.000	0.213	1.032
TCGA-19-2624-01	0.07	0.01	0.439	0.221	0.26	0	0.000	0.549	0.865
TCGA-02-0055-01	0.233	0.325	0.419	0	0	0.023	0.000	0.485	0.886
TCGA-06-0211-02	0.112	0.072	0.607	0.138	0.071	0	0.000	0.457	0.900
TCGA-06-5416-01	0.041	0.096	0.422	0.431	0.01	0	0.000	0.555	0.853
TCGA-27-1837-01	0.074	0	0.656	0.16	0.11	0	0.000	0.458	0.914
TCGA-06-0132-01	0.206	0	0.523	0	0.17	0.101	0.000	0.288	0.976
TCGA-06-5858-01	0.085	0.123	0.526	0	0.191	0.075	0.000	0.500	0.873
TCGA-27-2521-01	0.049	0.075	0.375	0.398	0.07	0.033	0.000	0.449	0.907
TCGA-14-0871-01	0.125	0.475	0.027	0.373	0	0	0.000	0.323	0.974
TCGA-32-2638-01	0.1	0.063	0.768	0.009	0.054	0.006	0.000	0.437	0.917
TCGA-28-2510-01	0.081	0.019	0.409	0.17	0.184	0.138	0.000	0.363	0.947

Input Sample	1	2	4	5	3	0	P-value	Correlation	RMSE
TCGA-26-1442-01	0.042	0.032	0.417	0.348	0.122	0.039	0.000	0.324	0.975
TCGA-06-5410-01	0.268	0.084	0.479	0	0.07	0.099	0.000	0.369	0.938
TCGA-41-5651-01	0.075	0	0.31	0.217	0.37	0.029	0.000	0.497	0.893
TCGA-06-2564-01	0.069	0.025	0.695	0.055	0.147	0.009	0.000	0.472	0.906
TCGA-06-0882-01	0.089	0.082	0.645	0.119	0.025	0.041	0.000	0.357	0.952
TCGA-12-0619-01	0.168	0.156	0.543	0	0.127	0.007	0.000	0.325	0.963
TCGA-14-0781-01	0.073	0.173	0.729	0	0.013	0.011	0.000	0.390	0.941
TCGA-41-2571-01	0.073	0.096	0.247	0.233	0.259	0.091	0.000	0.515	0.867
TCGA-06-0129-01	0.142	0	0.352	0.311	0.192	0.003	0.000	0.438	0.912
TCGA-19-2625-01	0.035	0.286	0.598	0	0.048	0.033	0.000	0.316	0.979
TCGA-06-2565-01	0.091	0	0.664	0.134	0.111	0	0.000	0.534	0.870
TCGA-02-2485-01	0.056	0	0.715	0.018	0.211	0	0.000	0.415	0.947
TCGA-06-0210-01	0.083	0.166	0.685	0.047	0	0.019	0.000	0.438	0.908
TCGA-06-0210-02	0.153	0.068	0.543	0	0.184	0.052	0.000	0.355	0.947
TCGA-02-0047-01	0.096	0.094	0.395	0.268	0.117	0.03	0.000	0.320	0.962
TCGA-06-0750-01	0.109	0.133	0.609	0.108	0.029	0.012	0.000	0.326	0.965
TCGA-32-1982-01	0.118	0.06	0.682	0.046	0.091	0.004	0.000	0.430	0.917