



简 历

基本信息：

- | | |
|--------------------|--------------------------|
| ● 性 别：男 | 籍 贯：湖北 |
| ● 出生日期：1986/12/26 | 民 族：汉 |
| ● 联系电话：13528880537 | 邮 箱：zhouyong@genomics.cn |
| ● 毕业院校：华中科技大学 | 学 历：本科 |
| ● 毕业时间：2010 | 专 业：生物信息 |

教育背景：

2006.09—2010.07 华中科技大学 生物信息专业 学士学位

工作经历及总结：

2010.09—至今 华大基因

- 负责日本千叶癌症研究中心 130 例神经母细胞瘤全外显子测序信息分析。
- 负责山西医科大学食管鳞癌 104 对全基因组以及全外显子测序信息分析（973 项目）。
- 负责北京肿瘤医院胃癌 170 对全基因组信息分析（863 项目）。
- 负责南方医科大学 11 例原发与转移结直肠癌基因组信息分析。

研究方向：

- 癌基因组标志物鉴定以及相关机制研究。
 - 癌症起源于基因组变异，为了研究与食管癌相关的基因组标志物，我们对 104 对食管鳞癌进行测序分析，通过一系列信息分析，我们发现了与食管癌发生相关的明星基因 ZNF750，进一步功能实验验证了 ZNF750 突变在食管鳞癌细胞中的抑癌作用；同时我们也签定了与食管癌突变产生的三条信号。相关结果发表在 2015 年美国遗传学杂志上。
- 癌基因组结构变异研究：
 - 拷贝数或结构变异是癌基因组突变显著标志，与癌症发生发展以及癌症临床表型密切相关。为了更精准研究癌基因组结构变异，我们开发了一套成熟流程用于癌基因组结构变异检测，以及结构变异机制研究。将这套流程用于 31 例食管鳞癌全基因组测序中，我们发现了各种不同模型的结构变异导致癌基因的扩增，如 CCND1,EGFR,ERBB2 等。同时我们也签定了与食管癌发生相关的拷贝数扩增基因 CDCA7，相关的成果已发表在 2016 年美国遗传学杂志上。

兴趣爱好：

爬山，跑步，阅读

已发表文献：

Zhang L*, **Zhou Y***, Cheng C*, et al. Genomic analyses reveal mutational signatures and frequently altered genes in esophageal squamous cell carcinoma[J]. The American Journal of Human Genetics, 2015, 96(4): 597-611. (co-first author)

Cheng C*, **Zhou Y***, Li H*, et al. Whole-Genome Sequencing Reveals Diverse Models of Structural Variations in Esophageal Squamous Cell Carcinoma[J]. The American Journal of Human Genetics, 2016, 98(2): 256-274. (co-first author)