

# NGS Genómica Funcional: Transcriptómica

## Uso de navegadores

**Dra. Selene L. Fernández-Valverde**

Unidad de Genómica Avanzada  
Laboratorio Nacional de Genómica para la Biodiversidad  
Cinvestav, Irapuato  
[regRNAlab.github.io](https://github.com/regRNAlab)

# Objetivos de aprendizaje

En esta clase aprenderemos:

- A anotar transcriptomas
- A interpretar los datos de anotación

## ¿Qué es un navegador de secuencias?

- Es un programa que nos permite explorar secuencias por medio de una representación gráfica.
- La comparación gráfica es una manera muy poderosa de identificar patrones globales así como verificar que nuestros transcritos ensamblados son adecuados.
- Existen navegadores para genomas y transcriptomas.

# Navegadores de genomas

- **UCSC genome browser** (<https://ucsc.genome.at.uq.edu.au/>)
- **IGV** (<http://software.broadinstitute.org/software/igv/>)
- Jbrowse (<http://jbrowse.org/>)
- Gbrowse (<http://gmod.org/wiki/GBrowse>)

# Práctica - utilizando navegadores de genomas y transcriptomas

[https://liz-fernandez.github.io/  
Talleres\\_Bioinfo\\_Cuernavaca\\_17/](https://liz-fernandez.github.io/Talleres_Bioinfo_Cuernavaca_17/)