base R, pt.2

#### Вектори TL;DR

Вектор є базовим типом структури у R. Скаляри насправді є вектором з довжиною один.

Вектори бувають:

- атомарні, що містять гомогенні дані одного типу
  - character текстові значення, мають бути заключені у " " або ' '
  - logical логічні значення
  - integer цілочислові значення
  - double число з плаваючою комою (у панелі середовища відображено як numeric)
  - complex комплексне число типу n + i
  - raw для представлення "сирої" послідовності байтів
- листи, що можуть містити гетерогенні дані різних типів та інші листи

Створити пустий вектор можливо командою vector() або командою, що відповідає одному з типів описаних вище, визначити тип командою typeof(), визначити довжину командою length()

```
1 x \leftarrow vector (mode = "logical", length = 0L) \# теж саме що <math>x \leftarrow logical (length = 0L)
2 typeof(x)
3 \#>[1] "logical"
4 length(x)
5 \#>[1] 0
```

Чотири основні типи векторів, complex та raw зустрічаються відносно рідко і не показані тут

```
char <- c("This is a String", "This is a second String")</pre>
2 print(char)
 4 typeof(char)
 6 length(char) # зверніть увагу на довжину, вектор містить два елементи
 9 int <- 1:3
10 typeof(int)
12 also int < c(1L, 2L, 3L) # суфікс L експліцитно означає цілочислові значення
13 typeof(also int)
16 dbl \leftarrow c(1.00, 2.5, 0.0002)
17 typeof (dbl)
19 also dbl <- c(1, 2, 3)
20 typeof(also dbl)
   logic <- c(TRUE, FALSE) # R також допускає скорочення Т та F
24 typeof(logic)
```

Оскільки атомарні вектори можуть містити лише об'єкти одного типу, при конкатенації векторів різних типів буде виконана спроба конверсії одного типу у інший

Об'єднання будь-якого типу з типом character конвертує значення у текстові:

Об'єднання типу logical з чисельними значеннями конвертує логічні значення у чисельні:

```
1 c(logic, int)
2 #> [1] 1 0 1 2 3
3 c(TRUE, TRUE, 5, FALSE, FALSE)
4 #> [1] 1 1 5 0 0
```

Об'єднання типу integer з double дає double. Як факт, виконання будь-яких математичних операції між integer та double поверне значення у форматі double:

```
1 typeof(1L + 2)
2 #> [1] "double"
```

Окрім того, R здатен зберігати у форматі **integer** лише значення від -214 748 3647 і до 214 748 3647, x <- **2147483648**L буде збережено як **double** з відповідним попередженням

Спробувати "насильно" перевести вектор з одного типу до іншого, або перевірити чи  $\varepsilon$  вектор вектором конкретного типу можливо командою as.\*(x, ...) та is.\*(x) де \* замінено на відповідний тип

```
1 x <- c(TRUE, FALSE)
2 is.double(x)
3 #> [1] FALSE
4 as.double(x)
5 #> [1] 1 0
6
7 as.logical(c("true", "F", "bbbb")) # у випадку неможливості конверсії дає NA
8 #> [1] TRUE FALSE NA
```

Функції numeric() та as.numeric() дають такий же результат як double() та as.double(), проте is.numeric() загалом перевіряє чи може об'єкт бути інтерпретований як чисельний

```
1 is.numeric(1)
2 #> [1] TRUE
3 is.numeric(1L)
4 #> [1] TRUE
5 is.double(1L)
6 #> [1] FALSE
```

## Перетворення логічних векторів

Так як логічні значення TRUE та FALSE мають загальноприйняті відповідні їм чисельні значення 1 та 0, значна кількість функцій, що виконують дії над чисельними векторами здатні також приймати вектори логічні, автоматично перетворивши їх

Це дозволяє робити так:

```
1 set.seed(5839)
2 logic <- sample(c(TRUE, FALSE), 623, replace = TRUE)
3
4 mean(logic)
5 #> [1] 0.4847512
6
7 sd(logic)
8 #> [1] 0.500169
9
10 sum(logic)
11 #> [1] 302
```

#### Іменовані вектори

Елементи у векторах можуть мати імена, які можуть бути присвоєні безпосередньо при створенні

```
1 named_vec <- c(a = 1, b = 2, c = 3)
2 named_vec
3 #> a b c
4 #> 1 2 3
```

Або для вже інсуючого вектору, командою names(x) < - або setNames()

```
1 names(named_vec) <- c("a", "b", "c")
2 named_vec
3 #> a b c
4 #> 1 2 3
5 named_vec <- setNames(named_vec, c("x", "y", "z"))
6 named_vec
7 #> x y z
8 #> 1 2 3
```

Переглянути імена елементів об'єкту, його інші атрибути та структуру можливо наступними командами:

```
1 str(named_vec) # cтруктура oб'єкту
2 #> Named num [1:3] 1 2 3
3 #> - attr(*, "names") = chr [1:3] "x" "y" "z"
4 attributes(named_vec) # атрибути об'єкту
5 #> $names
6 #> [1] "x" "y" "z"
7 attr(named_vec, "names") # тільки імена
8 #> [1] "x" "y" "z"
```

#### Листи

Пустий лист бажаної довжини також може бути створений командою тією ж командою vector()

```
1 empty_ls <- vector(mode = "list")
2 empty_ls # пустий лист довжиною 0
3 #> list()
```

Сконструювати лист можливо командою list(...)

```
1 some ls <- list(c(1, 2, 3), 5.0, "a")
2 some 1s
  other ls <- list(nums = 1:3, lettrs = c("a", "a", "b"), logic = T)
  other ls
  #> [1] TRUE
```

#### Лист може мати лист у середні себе

```
bottomless pit <- list(</pre>
       and other other list = list(
         ))))))
10 bottomless pit
1 length(bottomless pit)
 3 str(bottomless pit)
```

## Сабсетинг векторів

Сабсетинг — "витягування" певного елементу структури, може бути виконане у шість різних способів із застосуванням трьох різних операторів, [, [[ та \$ та може бути комбіноване з < -

Оператори [[ та \$ повертають єдиний елемент. Оператор \$ не допускається до використання з атомарними векторами, але для інших структур може використовуватися для доступу до єлементу по імені

Найпростіший варіант сабсетингу вектору— по індексу (позиції) елементу, позитивним цілим числом:

```
1 vec <- c(2.1, 5.2, 2.3, 1.4)

2 vec[[3]] # повернути елемент у позиції 3

3 #> [1] 2.3

4 vec[3] # для атомарних векторів [і] та [[і]] фактично дають однаковий результат

5 #> [1] 2.3

6

7 vec[1:3] # елементи з позиції 1 по 3

8 #> [1] 2.1 5.2 2.3

9 vec[c(2, 4)] # елемент у позиції 2 та 4

10 #> [1] 5.2 1.4

11

12 # менш інтуїтивні приклади

13 vec[c(4, 2, 1)]

14 #> [1] 1.4 5.2 2.1

15 vec[c(2, 2, 2, 2, 2)]

16 #> [1] 5.2 5.2 5.2 5.2 5.2
```

Сабсетинг негативним цілим числом повертає усі елементи крім вказаного:

```
1 vec[-3]
2 #> [1] 2.1 5.2 1.4
3 vec[-c(1, 3)] # теж саме що vec[c(-1, -3)]
4 #> [1] 5.2 1.4
5 vec[-c(1:3)]
6 #> [1] 1.4
```

Сабсетинг текстом дозволяє витягнути елемент по його імені:

```
1 names(vec) <- c("one", "two", "three", "four")
2
3 vec[["two"]]
4 #> [1] 5.2
5 vec[c("one", "one")]
6 #> one one
7 #> 2.1 2.1
```

Сабсетинг логічними значеннями повертає елементи позиція яких відповідає значенню TRUE:

```
1 vec[c(TRUE, FALSE, TRUE, FALSE)]
2 #> [1] 2.1 2.3
3 vec[c(FALSE, TRUE)] # pecaŭknihr do FALSE TRUE FALSE TRUE
4 #> [1] 5.2 1.4
5
6 vec[TRUE]
7 #> [1] 2.1 5.2 2.3 1.4
8 vec[[TRUE]]
9 #> [1] 2.1
```

Ніщо повертає оригінальний вектор:

```
1 vec[]
2 #> [1] 2.1 5.2 2.3 1.4
```

Нуль повертає вектор довжиною нуль:

```
1 vec[0]
2 #> numeric(0)
```

Об'єкт, що подається до [ є звичайним вектором, що дозволяє використовувати для сабсетингу значення, що зберігаються у інших векторах, подавати до [ функції, якщо дані функції повертають вектор логічного, чисельного чи текстового типу та виконувати у [ логічні та арифметичні операції:

```
1 y <- c(1, 2, 2, 3, 4)
2 vec[y]
3 #> [1] 2.1 5.2 5.2 2.3 1.4
4
5 vec[2+2]
6 #> [1] 1.4
```

Як вже було зазначено, можливо використовувати сабсетинг разом із < -

```
1 vec[[4]] <- 10
2 vec[[5]] <- 5.5
3 vec
4 #> [1] 2.1 5.2 2.3 10.0 5.5
5 vec[[1]] <- "a"
6 vec
7 #> [1] "a" "5.2" "2.3" "10" "5.5"
```

# which() та деякі інші команди

Функція which(x) повертає індекс елементів вектору, що задовольняють вказану логічну умову:

```
1 set.seed(2312)
2 x <- sample(100, 10)
3 x
4 #> [1] 71 44 95 13 74 41 17 85 10 35
5
6 which(x > 10 & x < 35)
7 #> [1] 4 7
8 which.max(x)
9 #> [1] 3
10 which.min(x)
11 #> [1] 9
```

Низка інших функцій для роботи з векторами

```
1 order(x) # повертає індекси сортованого вектору
2 #> [1] 9 4 7 10 6 2 1 5 8 3
3 sort(x) # повертає сортований вектор
4 #> [1] 10 13 17 35 41 44 71 74 85 95
5 rev(c(3, 10, 1)) # перегортає вектор
6 #> [1] 1 10 3
7 unique(rep(letters[5:9], 10)) # повертає унікальні значення
8 #> [1] "e" "f" "g" "h" "i"
9 table(rep(letters[5:9], 10)) # крос-табуляція, докладніше пізніше
10 #>
11 #> e f g h i
12 #> 10 10 10 10 10
```

#### Сабсетинг листів

Майже як вектори, але [ завжди повертає структуру типу лист

```
1 example_ls <- list(a = "a", b = 1:3, c = list("One", 2))
2 example_ls[1]
3 #> $a
4 #> [1] "a"
5 example_ls[3]
6 #> $c
7 #> $c[[1]]
8 #> [1] "One"
9 #>
10 #> $c[[2]]
11 #> [1] 2
12 typeof(example_ls[3])
13 #> [1] "list"
14 typeof(example_ls[1])
15 #> [1] "list"
```

Оператор [[ повертає єдиний елемент з відповідним типом

```
1 example_ls[[1]] # референсинг по індексу
2 #> [1] "a"
3 example_ls[["b"]] # референсинг по імені
4 #> [1] 1 2 3
5 typeof(example_ls[[1]])
6 #> [1] "character"
7 typeof(example_ls[["b"]])
8 #> [1] "integer"
```

```
1 example_ls[["c"]]
2 #> [[1]]
3 #> [1] "One"
4 #>
5 #> [[2]]
6 #> [1] 2
7 typeof(example_ls[["c"]])
8 #> [1] "list"
9 example_ls[["c"]][[1]]
10 #> [1] "One"
11 typeof(example_ls[["c"]][[1]])
12 #> [1] "character"
```

Оператор \$ фактично є скороченням оператору [ [ для доступу по імені

```
1 example_ls$a
2 #> [1] "a"
3 example_ls$c[[2]]
4 #> [1] 2
```

Як і у випадку з атомарним вектором, <- може бути використано для заміни або додавання елементів, окрім того <- може бути комбіноване з NULL для видалення елементу листа

```
1 example_ls$c <- NULL # це видалить елемент
2 example_ls$w <- list(NULL) # а це буквально додасть елемент зі значенням NULL
```

Прямокутні структури, що мають колонки та рядки. Фактично є векторами, що мають атрибут розмірності **dim**. Як і атомарні вектори, матриці можуть містити дані лише одного типу.

Створення матриці командою matrix(), дефолтно матриця будується по колонкам

```
1 m <- matrix(c(1, 2, 3, 2 1, 2, 3, 4 вказати кількість колонок або рядків, базове значення 1 1, 2, 3), nrow = 3)

4 m

5 #> [,1] [,2] [,3]

6 #> [1,] 1 1 1

7 #> [2,] 2 2 2

8 #> [3,] 3 3 3
```

Можливо вказати byrow=TRUE, щоб матриця була побудована по рядках

```
1 attributes(m) # матриця 3x3
2 #> $dim
3 #> [1] 3 3
4 dim(m)
5 #> [1] 3 3
6 nrow(m) # кількість рядків
7 #> [1] 3
8 ncol(m) # кількість колонок
9 #> [1] 3
```

Звичайний атомарний вектор не має просторової розмірності взагалі

```
1 n <-1:9
2 dim(n)
3 #> NULL
4
5 dim(n) <- c(1, 9) # Temep Mac
6 n
7 #> [,1] [,2] [,3] [,4] [,5] [,6] [,7] [,8] [,9]
8 #> [1,] 1 2 3 4 5 6 7 8 9
9
10 dim(n) <- c(3, 3)
11 n
12 #> [,1] [,2] [,3]
13 #> [1,] 1 4 7
14 #> [2,] 2 5 8
15 #> [3,] 3 6 9
```

Так як матриці є векторами у розумінні R звичайні арифметичні та логічні операції дають такий самий результат як з векторами

```
1 m * n # елемент n[i, j] буде помножено на елемент m[i, j]
2 #> [,1] [,2] [,3]
3 #> [1,] 1 8 21
4 #> [2,] 2 10 24
5 #> [3,] 3 12 27
```

Для виконання дій лінійної алгебри є низка своїх операторів, зокрема %\*% для множення матриці

```
1 m %*% n
2 #> [,1] [,2] [,3]
3 #> [1,] 14 32 50
4 #> [2,] 14 32 50
5 #> [3,] 14 32 50
```

```
1 crossprod(X, Y = NULL) # крос-продукт
2 tcrossprod(X, Y = NULL)
3 outer(X, Y) # зовнішній продукт
4 %0%
```

Матриця може бути транспонована командою t(x)

```
1 t(n)
2 #> [,1] [,2] [,3]
3 #> [1,] 1 2 3
4 #> [2,] 4 5 6
5 #> [3,] 7 8 9
```

Колонки та рядки матриці можуть мати імена, які можуть бути встановлені відповідно командами colnames() та rownames(), аналогічно names() для векторів. Додати нову колонку або рядок до матриці можливо застосуванням cbind() та rbind()

```
1 n <- cbind(n, c(0, 0, 0))
2 rownames(n) <- LETTERS[1:3]
3 colnames(n) <- letters[1:4]
4 n
5 #> a b c d
6 #> A 1 4 7 0
7 #> B 2 5 8 0
8 #> C 3 6 9 0
```

## Сабсетинг матриць

Як вектори, але мають додатковий вимір, тому у [ ідуть два значення, перше вказує на рядок, друге на колонку

```
1 n[[2, 3]] # другий елемент третьої колонки
 3 n[1:2, 1:2]
   n[2,] # другий рядок повністю
10 n[,3] # третя колонка повністю
   n[, 3, drop = FALSE] \# збереження розмірності
   typeof(n) \# матриця не \varepsilon типом, як не дивно
21 class(n)
23 class(n[, 3])
25 class(n[, 3, drop = FALSE])
```

P.s Ви могли помітити, що об'єкт окрім класу matrix також мав клас array — масив. Окрім двомірних матриць можливо створювати структури вищої розмірності. Сабсетинг такий самий, просто з оглядом на додаткові виміри

```
1 arr <- array(1:18, c(3, 3, 2)) # простий приклад, може бути гірше
  arr
 arr[1, 3, 2]
```

# Кадри даних (Data Frames)

Прямокутні структури, що мають колонки та рядки. Подібні за властивостями до листів, фактично кажучи колонки кадрів даних і є векторами листів — таким чином *колонки* мають включати у себе об'єкти одного типу, у той час як *рядки* можуть містити об'єкти різних типів.

Створити кадр даних можливо командою data.frame(), вказавши імена та значення для колонок:

```
1 df <- data.frame(
2   char = c(letters[1:4]),
3   int = 1:4,
4   dbl = runif(4))
5 df
6 #> char int   dbl
7 #> 1   a  1 0.2103072
8 #> 2   b  2 0.2104003
9 #> 3   c  3 0.4291486
10 #> 4   d  4 0.1698004
```

Краще зрозуміти як можуть виглядати кадри даних можливо через ознайомлення з класичними датасетами представленими у R, наприклад mtcars або iris. Або взяти щось менш популярне.

```
1 data(crabs, package = "MASS") # це експліцитно завантажить ці данні у Ваш робочій простір 🗅
2 #?MASS::crabs щоб дізнатися більше про набір даних
```

Щоб інтерактивно переглянути кадр даних у більш звичному стилі електронної таблиці викличте View(x)

## Кадри даних

Швидке знайомство з кадром даних можливо провести переглянувши декілька перших рядків у консолі

Або краще, переглянувши його структуру

```
1 str(crabs)
2 #> 'data.frame': 200 obs. of 8 variables:
3 #> $ sp : Factor w/ 2 levels "B", "O": 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
4 #> $ sex : Factor w/ 2 levels "F", "M": 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 ...
5 #> $ index: int 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 ...
6 #> $ FL : num 8.1 8.8 9.2 9.6 9.8 10.8 11.1 11.6 11.8 11.8 ...
7 #> $ RW : num 6.7 7.7 7.8 7.9 8 9 9.9 9.1 9.6 10.5 ...
8 #> $ CL : num 16.1 18.1 19 20.1 20.3 23 23.8 24.5 24.2 25.2 ...
9 #> $ CW : num 19 20.8 22.4 23.1 23 26.5 27.1 28.4 27.8 29.3 ...
10 #> $ BD : num 7 7.4 7.7 8.2 8.2 9.8 9.8 10.4 9.7 10.3 ...
```

## Кадри даних

Для приєднання нових колонок / рядків використовуються тіж команди, що і у випадку матриці

Сабсетинг є дещо міксом між матрицями та листами, але зазвичай це не стає проблемою

```
1 small_crabs <- head(crabs, n = 3) # маленький шматок для демонстрації \Box
```

#### Сабсетинг кадрів даних

```
small crabs[4:9] # колонки з 4 по 9, сабсетинг як лист
   small crabs[, 4:9] # теж саме, сабсетинг як матриця
  small crabs[2, 1:4]
15 str(small crabs["index"]) # σδερίταε cτργκτγργ
  str(small\ crabs[,\ "index"]) # симліфікація до атомарного вектору, як і у випадку матриці
  str(small crabs[, "index", drop = FALSE])
  str(small crabs$index) # також дроп структури
```

#### Сабсетинг кадрів даних

```
1 typeof(small crabs["index"]) \# можна впевнитися, що колонки кадрів дійсно \in листами
   small crabs$species <- NULL</pre>
   small crabs
   small crabsnew val <- NA \# NA для прикладу, сюди можна присвоїти значення одразу
   small crabs
20 mean(small crabs$rear wd)
22 max(small crabs$front lobe)
```