Database	0.72	0.58	0.78	1.00	0.89	0.74	0.90	0.94	0.45	0.00	0.00	0.36	0.15	0.77	- 1.0
coverage															ı
Duplication ratio	1.00	1.00	0.91	0.00	0.70	0.96	0.59	0.34	0.70	0.20	0.20	0.94	0.94	0.88	ı
95 %-assembled isoforms	0.84	0.25	0.58	1.00	0.96	0.85	0.76	0.89	0.28	0.00	0.00	0.28	0.07	0.73	
Misassemblies	0.23	1.00	0.85	0.07	0.10	0.28	0.33	0.15	0.95	1.00	1.00	0.93	0.97	0.00	- 0.8
Mean ORF (%)	0.00	0.58	0.29	0.26	0.09	0.03	0.28	0.29	0.54	1.00	1.00	0.28	0.52	0.15	
Assembly score	0.87	0.23	0.75	0.14	0.57	0.82	0.14	0.14	0.05	0.06	0.06	0.06	0.00	1.00	
Uncovered bases (%)	0.94	0.90	0.85	0.00	0.56	0.90	0.25	0.13	0.49	1.00	1.00	0.79	0.77	0.80	
KC score	1.00	0.98	0.97	0.81	0.95	1.00	0.92	0.88	0.36	0.00	0.00	0.61	0.11	0.98	- 0.6
RSEM EVAL	0.97	0.82	0.94	0.90	0.99	1.00	0.94	0.93	0.31	0.00	0.00	0.56	0.09	0.98	
Nucleotide F1	1.00	0.94	0.93	0.55	0.81	0.99	0.76	0.66	0.63	0.00	0.00	0.66	0.34	0.91	
Contig F1	0.71	0.80	0.97	0.93	0.80	0.70	0.99	1.00	0.60	0.00	0.00	0.57	0.31	0.78	- 0.4
BUSCOs (CS)	0.94	0.55	0.77	0.14	0.62	1.00	0.72	0.26	0.15	0.00	0.00	0.37	0.14	0.80	
BUSCOs (CD)	0.92	0.94	0.78	0.00	0.54	0.97	0.67	0.15	0.96	0.99	0.99	0.93	1.00	0.81	
BUSCOs (F)	0.41	0.00	0.25	0.45	0.45	0.43	0.39	0.41	0.27	1.00	1.00	0.67	0.73	0.33	
BUSCOs (M)	0.99	0.74	0.98	1.00	1.00	1.00	1.00	1.00	0.33	0.00	0.00	0.44	0.18	0.97	- 0.2
Ex90N50	0.56	1.00	0.72	0.99	0.80	0.59	0.87	0.92	0.84	0.03	0.03	0.27	0.00	0.80	
Remapping rate	0.40	0.56	0.31	0.00	0.17	0.36	0.13	0.06	0.12	1.00	1.00	0.50	0.22	0.30	ı
SUM SCORE	12.49	11.86	12.65	8.24	11.00	12.63	10.63	9.12	8.06	6.28	6.28	9.20	6.54	11.99	0.0
ي.	Ades (rans ci	ritid in	ined *	200	, 90 , 100	Just .	Just C	ustl a	uper .	sei*	Millio .	Ma*	ocol	- 0.0

Tinity Coupliner Cornitest of Tinches Charles Charles Charles Charles Charles Comber Fature Machine Land Constituent Contract Con rnaspade novo tra