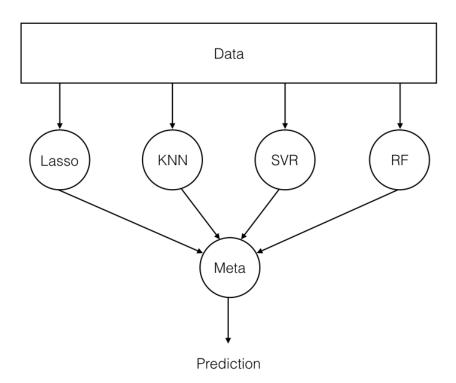
# Ensemble learning

Desi in ML-ul traditional se lucreaza pentru a crea modele care, singure, sa poata sa rezolve cat mai bine un set de probleme, in practica se folosesc frecvent mai multe modele care, impreuna, au sanse mai mari de a da un rezultat mai bun decat oricare din cele care le compun.

Mai clar, un astfel ansamblu de modele de regresie poate arata precum:



#### Sursa imaginii (https://www.dataquest.io/blog/introduction-to-ensembles/)

Exemplu din lumea reala in care se folosesc mai multe modele pentru a lua o decizie: pentru a determina daca merita investiti banii la bursa intr-o anumita companie, se iau in considerare:

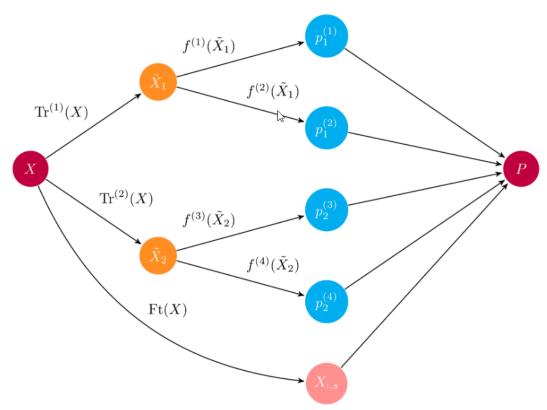
- 1. Informatii despre activitatea companiei, perspective afisate public sau din surse interne
- 2. Studiul evolutiei bursiere
- 3. Informatii despre companie provenind de la competitori
- Cercetare de piata pe domeniul pe care compania activeaza competitori, achizitii recente, preferintele clientilor
- 5. Social media opinia populara despre companie sau diomeniul ei de activitate

Prin combinarea deciziilor de regula se ajunge la rezultate mai bune decat daca se considera o singura opinie de expert. In ML se pot combina mai multe modele de regresie sau clasificare pentru a produce raspunsul final. Majoritatea competitiilor Kagle din ultimii ani au fost castigate prin ansambluri de modele, uneori de dimensiuni foarte mari: <a href="KAGGLE ENSEMBLING GUIDE">KAGGLE ENSEMBLING GUIDE</a> (<a href="https://mlwave.com/kaggle-ensembling-guide/">https://mlwave.com/kaggle-ensembling-guide/</a>).

Efectul succesului combinatiilor se explica prin faptul ca fiecare model din ansamblu are intrinsec o presupunere asupra modului in care variabila dependenta (de iesire) este determinata de variabilele independente (de intrare). In plus, ele pot excela pe anumite de subseturi de date (exemplu: sub-populatii de clienti) dar sa aiba performante mai mici pe alte subseturi; sau, votarea majoritara ori ponderarea valorilor de iesire poate sa duca la atenuarea valorilor extreme produse de un singur model; sau, se poate urmari un melanj inttre modele cae sunt cu acuratete mare - dar computational intensive si lente - si unele mai putin precise, dar rapide.

Cateva situatii clare in care se poate folosi ensemble learning sunt:

- 1. Set de date prea mare: se poate intampla ca un singur model sa nu poata sa fie antrenat pe tot setul de date. Se pot obtine atunci modele diferite pe subseturi de date, ca in final deciziile lor sa fie agregate. Chiar daca se foloseste un acelasi model de baza, rezultatele sunt diferite pentru ca datele de instruire sunt diferite.
- Set de date prea mic: se poate folosi metoda <u>bootstrapping</u>
   (<u>https://en.wikipedia.org/wiki/Bootstrapping\_(statistics)</u>), prin care prin esantionari aleatoare se obtin subseturi de date diferite; se obtin deci modele diferite, la fel ca mai sus.
- 3. Set de date complexe: pot exista cazuri de valori lipsa, sau tipuri de date pentru intrari ce nu pot fi manipulate de catre modele consacrate. Se pot obtine modele care lucreaza pe proiectii ale datelor, sau pe rezultatele unor fluxuri de procesare specifice, fiecare model vazand o parte din intreg.



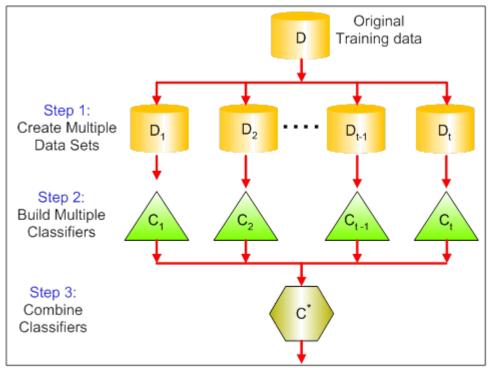
4. Masurarea gradului de incredere pentru predictia rezultata din ansamblu: daca din 5 modele de clasificare 4 decid ca intrarea este de o aceeasi clasa, avem o indicatie de incredere in rezultatul clasificarii.

# 1 Metode de realizare de ansambluri

### 1.1 Bagging

Se bazeaza pe bootstrap aggregating (https://en.wikipedia.org/wiki/Bootstrapping\_(statistics)) - se face o esantionare (extragere) cu intoarcere din populatia initiala; pentru un set de date, se extrag n elemente (posibil unele sa fie duplicate) din populatia initiala. Pe fiecare din cele t seturi de t0 elemente extrase ca mai sus se antreneaza cate un model. Cele t1 modele se agrega:

- pentru o problema de clasificare se poate considera clasa majoritar prezisa
- pentru o problema de regresie se ia media aritmetica a celor t modele de regresie



Sursa imaginii (https://www.datacamp.com/community/tutorials/ensemble-learning-python)

### **▼** 1.2 Boosting

Plecand de la modele de inferenta al caror comportament e chiar si doar un pic mai bun decat o ghicire aleatoare (weak learner), se poate obtine un ansamblu care sa obtina o acuratete arbitrar de mare. Ideea de baza este de a determina care din datele din setul de instruire sunt dificil de invatat, ca apoi sa se asigneze acestora o pondere mai mare. Modelul ajunge sa sa se concentreze mai mult pe invatarea datelor cu pondere mai mare (pondere data din cauza ca acele date sunt mai dificile). Modelul cel mai popular este <a href="AdaBoost">AdaBoost</a> (<a href="https://en.wikipedia.org/wiki/AdaBoost">https://en.wikipedia.org/wiki/AdaBoost</a>).

Algoritmul AdaBoost are doua componente majore: determinarea ponderilor datelor din setul de instruire si calculul coeficientilor modelelor rezultate. Algoritmul pentru o problema de clasificare in doua clase este schitat in figura de mai jos:

**Input:** Data set  $D = \{(x_1, y_1), (x_2, y_2), \dots, (x_m, y_m)\};$ Base learning algorithm *L*; Number of learning rounds *T*.

#### **Process:**

- $\mathcal{D}_1(i) = 1/m$ . % Initialize the weight distribution 1.
- for  $t = 1, \dots, T$ : 2.
- % Train a learner  $h_t$  from D using distribution  $\mathcal{D}_t$  $h_t = L(D, \mathcal{D}_t);$ 3.
- $\epsilon_t = \Pr_{\boldsymbol{x} \sim \mathcal{D}_t, y} \boldsymbol{I}[h_t(\boldsymbol{x}) \neq y];$ % Measure the error of  $h_t$ 4.
- if  $\epsilon_t > 0.5$  then break 5.
- 6.

6. 
$$\alpha_t = \frac{1}{2} \ln \left( \frac{1 - \epsilon_t}{\epsilon_t} \right)$$
; % Determine the weight of  $h_t$ 

7.  $\mathcal{D}_{t+1}(i) = \frac{\mathcal{D}_t(i)}{Z_t} \times \begin{cases} \exp(-\alpha_t) \text{ if } h_t(x_i) = y_i \\ \exp(\alpha_t) \text{ if } h_t(x_i) \neq y_i \end{cases}$ 

$$\frac{\mathcal{D}_t(i)\exp(-\alpha_t y_i h_t(x_i))}{Z_t} \text{ % Update the distribution, where }$$
%  $Z_t$  is a normalization factor which % enables  $\mathcal{D}_{t+1}$  to be distribution

#### 8. end

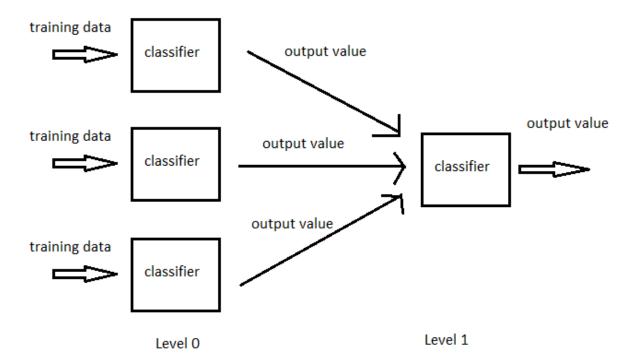
**Output:** 
$$H(x) = \text{sign} \left( \sum_{t=1}^{T} \alpha_t h_t(x) \right)$$

Sursa (https://www.amazon.com/Algorithms-Mining-Chapman-Knowledge-Discovery/dp/1420089641/ref=sr 1 1? crid=13FRIM1B488BK&keywords=the+top+ten+algorithms+in+data+mining&gid=1559746296&s=ga <u>1)</u>

# 1.3 Stacking

O modalitate simpla de agregare a "opiniilor" date de catre fiecare model dintr-un ansamblu este votarea sau calcularea mediei iesirilor acestor modele. O varianta mai elaborata este ca un model suplimentar sa invete cum sa agrege "opiniile" date de catre modelele din ansamblu, inlocuind o agregare simpla cu una invatata. Modelele care compun ansamblul sunt de nivel 0, modelul care invata sa pondereze iesirile date de cele de nivel 0 este de nivel 1:

# **Concept Diagram of Stacking**



<u>Sursa (https://medium.com/@gurucharan\_33981/stacking-a-super-learning-technique-dbed06b1156d)</u>

O schita a pasilor este data mai jos:

# Algorithm Stacking

- 1: Input: training data  $D = \{x_i, y_i\}_{i=1}^m$
- 2: Ouput: ensemble classifier H
- 3: Step 1: learn base-level classifiers
- 4: for t = 1 to T do
- 5: learn  $h_t$  based on D
- 6: end for
- 7: Step 2: construct new data set of predictions
- 8: for i = 1 to m do
- 9:  $D_h = \{x_i', y_i\}, \text{ where } x_i' = \{h_1(x_i), ..., h_T(x_i)\}$
- 10: end for
- 11: Step 3: learn a meta-classifier
- 12: learn H based on  $D_h$
- 13: return H

Sursa (https://blog.statsbot.co/ensemble-learning-d1dcd548e936)

Se pot, desigur, adauga si alte niveluri de modele de agregare peste nivelul 0.

# 2 Exemplu

### 2.1 Incarcarea si preprocesarea datelor

Se exemplifica folosirea unui ansamblu de clasificatori pentru problema <u>Breast Cancer Wisconsin (Original) Data Set (https://archive.ics.uci.edu/ml/datasets/breast+cancer+wisconsin+(original))</u>. Datele sunt descarcate local in directorul ./data

```
In [1]:

import pandas as pd
import numpy as np
from sklearn.impute import SimpleImputer
from sklearn.preprocessing import MinMaxScaler
executed in 1.96s, finished 17:49:07 2021-05-17
```

### Out[2]:

		Sample code number	Clump Thickness	Uniformity of Cell Size	Uniformity of Cell Shape	Marginal Adhesion	Single Epithelial Cell Size	Bare Nuclei	Bland Chromatin	Normal Nucleoli	N
-	0	1000025	5	1	1	1	2	1	3	1	
	1	1002945	5	4	4	5	7	10	3	2	
	2	1015425	3	1	1	1	2	2	3	1	
	3	1016277	6	8	8	1	3	4	3	7	
	4	1017023	4	1	1	3	2	1	3	1	
4											•

Coloana 'Sample code number' poate fi inlaturata, deoarece nu poarta informatie utila.:

In [3]: data.drop(['Sample code number'],axis = 1, inplace = True)
data.head()

executed in 26ms, finished 17:49:07 2021-05-17

### Out[3]:

	Clump Thickness	Uniformity of Cell Size	Uniformity of Cell Shape	Marginal Adhesion	Single Epithelial Cell Size	Bare Nuclei	Bland Chromatin	Normal Nucleoli	Mitoses	С
0	5	1	1	1	2	1	3	1	1	
1	5	4	4	5	7	10	3	2	1	
2	3	1	1	1	2	2	3	1	1	
3	6	8	8	1	3	4	3	7	1	
4	4	1	1	3	2	1	3	1	1	
4										•

Obtinem niste statistici despre date:

In [4]: data.describe()
executed in 77ms, finished 17:49:07 2021-05-17

### Out[4]:

	Clump Thickness	Uniformity of Cell Size	Uniformity of Cell Shape	Marginal Adhesion	Single Epithelial Cell Size	Bland Chromatin	Normal Nucleoli	Mit
count	699.000000	699.000000	699.000000	699.000000	699.000000	699.000000	699.000000	699.00
mean	4.417740	3.134478	3.207439	2.806867	3.216023	3.437768	2.866953	1.58
std	2.815741	3.051459	2.971913	2.855379	2.214300	2.438364	3.053634	1.71
min	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.000000	1.00
25%	2.000000	1.000000	1.000000	1.000000	2.000000	2.000000	1.000000	1.00
50%	4.000000	1.000000	1.000000	1.000000	2.000000	3.000000	1.000000	1.00
75%	6.000000	5.000000	5.000000	4.000000	4.000000	5.000000	4.000000	1.00
max	10.000000	10.000000	10.000000	10.000000	10.000000	10.000000	10.000000	10.00
4								•

Remarcam ca atributul 'Bare Nuclei' lipseste din descriere, ceea ce inseamna ca nu toate valorile de pe coloana sunt numerice.

```
In [5]:
          data.info()
        executed in 26ms, finished 17:49:07 2021-05-17
         <class 'pandas.core.frame.DataFrame'>
        RangeIndex: 699 entries, 0 to 698
        Data columns (total 10 columns):
              Column
                                            Non-Null Count Dtype
              ____
                                            _____
                                                             _ _ _ _ _
         0
              Clump Thickness
                                            699 non-null
                                                             int64
              Uniformity of Cell Size
                                            699 non-null
                                                             int64
         1
         2
              Uniformity of Cell Shape
                                            699 non-null
                                                             int64
         3
              Marginal Adhesion
                                            699 non-null
                                                             int64
              Single Epithelial Cell Size
         4
                                           699 non-null
                                                             int64
         5
              Bare Nuclei
                                            699 non-null
                                                             object
              Bland Chromatin
         6
                                            699 non-null
                                                             int64
         7
              Normal Nucleoli
                                            699 non-null
                                                             int64
         8
                                            699 non-null
              Mitoses
                                                             int64
         9
              Class
                                            699 non-null
                                                             int64
         dtypes: int64(9), object(1)
        memory usage: 54.7+ KB
```

Remarcam ca toate atributele sunt numerice, mai putin 'Bare nuclei'. Acest lucru se datoreaza faptului ca pe coloana numita se gasesc valori nule:

```
In [6]:
           data['Bare Nuclei'].unique()
         executed in 8ms, finished 17:49:07 2021-05-17
Out[6]: array(['1', '10', '2', '4', '3', '9', '7', '?', '5', '8', '6'],
                dtype=object)
In [7]:
           data['Bare Nuclei'].describe()
         executed in 24ms, finished 17:49:07 2021-05-17
Out[7]: count
                    699
         unique
                     11
         top
                       1
         freq
                    402
         Name: Bare Nuclei, dtype: object
```

Inlocuim valoarea lipsa '?' cu np.nan si convertim coloana 'Bare Nuclei' la tipul de date float:

```
In [8]: # data.replace(to_replace='?', value=np.nan, inplace=True)
    data['Bare Nuclei'].replace(to_replace='?', value=np.nan, inplace=True)
    data['Bare Nuclei'] = data['Bare Nuclei'].astype(float)

    executed in 11ms, finished 17:49:07 2021-05-17
```

Vom face missing value imputation, inlocuind valorile lipsa cu media lor:

```
In [9]: from sklearn.pipeline import Pipeline
    pipeline = Pipeline([('imputer', SimpleImputer()), ('scaler', MinMaxScaler())])
    values = data.values # pentru a le da algoritmului de missing value imputation
    executed in 11ms, finished 17:49:07 2021-05-17
```

### 2.2 Model singular

Utilizam un model de clasificare singular - arbore de decizie - si observam care sunt performantele lui:

```
In [10]:
            from sklearn import model_selection
            from sklearn.tree import DecisionTreeClassifier
          executed in 25ms, finished 17:49:07 2021-05-17
In [11]: ▼ # Separa datele de intrare de etichete
            X = values[:,0:-1]
            Y = values[:,-1]
          executed in 6ms, finished 17:49:07 2021-05-17
In [12]:
            seed = 7
          executed in 8ms, finished 17:49:07 2021-05-17
In [13]:
            kfold = model_selection.KFold(n_splits=10, random_state=seed, shuffle=True)
            cart = DecisionTreeClassifier()
            pipeline = Pipeline([('imputer', SimpleImputer()), ('cart', cart)])
            results = model selection.cross val score(pipeline, X, Y, cv=kfold)
            print(f'Acuratetea modelului singular: {results.mean()}')
          executed in 74ms, finished 17:49:08 2021-05-17
```

Acuratetea modelului singular: 0.9542236024844721

# 2.3 Ansamblu prin bagging

Acuratetea ansamblului obtinut prin bagging: 0.9584679089026915

### 2.4 Ansamblu prin AdaBoost

Acuratetea ansamblului obtinut prin AdaBoost: 0.9499171842650103

### 2.5 Ansamblu prin votare

Pregatim mai multe modele diferite. Rezultatele acestora sunt agregate prin votare.

```
In [17]:
           from sklearn.linear model import LogisticRegression
           from sklearn.tree import DecisionTreeClassifier
           from sklearn.svm import SVC
           from sklearn.ensemble import VotingClassifier
           kfold = model selection.KFold(n splits=10, random state=seed, shuffle=True)
           # creare modele de nivel 0
           estimators = []
           model1 = LogisticRegression(solver='lbfgs')
           pipeline1 = Pipeline([('imputer', SimpleImputer()), ('scaler', MinMaxScaler());
           estimators.append(('logistic', pipeline1))
           model2 = DecisionTreeClassifier()
           pipeline2 = Pipeline([('imputer', SimpleImputer()), ('decision tree', model2)])
           estimators.append(('cart', pipeline2))
           model3 = SVC(gamma='auto')
           pipeline3 = Pipeline([('imputer', SimpleImputer()), ('scaler', MinMaxScaler()),
           estimators.append(('svm', pipeline3))
           # creare ansamblu de tip stack
           ensemble = VotingClassifier(estimators)
           results = model selection.cross val score(ensemble, X, Y, cv=kfold)
           print(f'Acuratetea ansamblului obtinut prin votare: {results.mean()}')
         executed in 310ms, finished 17:49:09 2021-05-17
```

Acuratetea ansamblului obtinut prin votare: 0.9656521739130435

## 3 De retinut

- Nu este adevarat ca intotdeauna ensemble learning functioneaza mai bine. Frecvent insa, acest lucru e adevarat, dar fara a putea spune apriori ce strategie de ensemble e cea mai buna.
- 2. Daca modelele au varianta mare (aka au tendinta de a face overfit), atunci bagging e mai indicat. Daca modele sunt biased (fac underfitting), atunci boosting e mai indicat.

3. Nu orice strategie de asamblare se potriveste cu orice tip de model: modele biased (care fac underfitting) impreuna cu bagging nu functioneaza in practica prea bine.

In [ ]:	