Lennart Oelschläger (lennart.oelschlaeger@uni-bielefeld.de) 310214 Praktische Übung zu "Einführung in die Mikroökonometrie" Wintersemester 2023/2024

Aufgabenblatt 0

Lösungen

Organisation

Die Praktische Übung zu "Einführung in die Mikroökonometrie" findet zweiwöchentlich statt. Die Termine und Räume finden Sie im eKVV. Ich lade vor den Treffen das aktuelle Aufgabenblatt in Moodle hoch. Während der Treffen haben Sie Zeit an den Aufgaben zu arbeiten, im Anschluss besteht die Möglichkeit die Lösungen gemeinsam zu besprechen.

Sie können eine Studienleistung für 31-M23 oder 31-SW-StatM erwerben. Dazu analysieren Sie einen von mir bereitgestellten Datensatz mit den Methoden aus der Vorlesung.

- Wenn Sie eine Studienleistung erwerben möchten, müssen Sie mir das bis zum 10.11.2023 durch eine Nachricht im Forum mitteilen.
- Zum 20.11.2023 erhalten Sie dann einen Datensatz mit Fragestellungen von mir. Die Fragestellungen umfassen eine Beschreibung der Daten, eine Formulierung geeigneter Methoden zur Analyse der Daten und ein konkretes Modellierungsziel.
- Ihre Bearbeitung der Fragestellungen ist in zwei Teile aufgeteilt, die Sie jeweils im Moodle als einzelne .pdf Datei hochladen.
 - 1. Bis zum 22.12.2023 geben Sie Ihre Beschreibung der Daten ab.
 - 2. Bis zum 12.01.2024 geben Sie Ihre Formulierung der Methoden und Modellierung ab.
- Am 29.01.2024 gibt es eine kleine Abschlussdiskussion der Abgaben.

Aufgaben

Die folgenden Aufgaben sind eine Wiederholung einiger Konzepte aus Mathematik, Wahrscheinlichkeitstheorie und Statistik, die in der Vorlesung eingesetzt werden. Außerdem wiederholen wir das Programmieren in R und das Erstellen von Berichten in R Markdown.

1. Die Dokumentation *simpleR* von John Verzani liefert eine gute Einführung in R, Sie finden das Dokument unter http://cran.r-project.org/doc/contrib/Verzani-SimpleR.pdf. Lesen Sie *Section 2: Data*, um zu lernen, wie Datensätze mit der c() Funktion eingegeben werden können. Erzeugen Sie anschließend folgende zwei Vektoren in R:

$$x^{\top} = \begin{bmatrix} 10 & 8 & 13 & 9 & 11 & 14 & 6 & 4 & 12 & 7 & 5 \end{bmatrix}$$

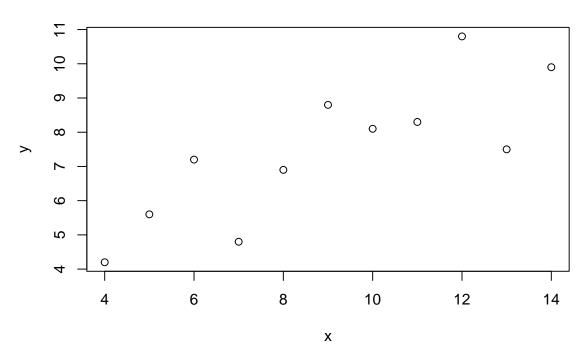
 $y^{\top} = \begin{bmatrix} 8.1 & 6.9 & 7.5 & 8.8 & 8.3 & 9.9 & 7.2 & 4.2 & 10.8 & 4.8 & 5.6 \end{bmatrix}$

```
R> x \leftarrow c(10, 8, 13, 9, 11, 14, 6, 4, 12, 7, 5)
R> y \leftarrow c(8.1, 6.9, 7.5, 8.8, 8.3, 9.9, 7.2, 4.2, 10.8, 4.8, 5.6)
  2. Welche Operation wird durch x + y ausgeführt? Wenden Sie auch -, *, /, %*% an.
R> x + y
# [1] 18.1 14.9 20.5 17.8 19.3 23.9 13.2 8.2 22.8 11.8 10.6
R> x - y
# [1] 1.9 1.1 5.5 0.2 2.7 4.1 -1.2 -0.2 1.2 2.2 -0.6
R> x * y
# [1] 81.0 55.2 97.5 79.2 91.3 138.6 43.2 16.8 129.6 33.6 28.0
R> x / y
# [1] 1.2345679 1.1594203 1.7333333 1.0227273 1.3253012 1.4141414 0.8333333
# [8] 0.9523810 1.1111111 1.4583333 0.8928571
R> x %*% y
      [,1]
# [1,] 794
R> t(x) %*% y
       [,1]
# [1,] 794
R> # x %*% t(y)
R> # t(x) %*% t(y)
```

- x + y ist die elementweise Addition. Analog sind -, *, / die elementweise Subtraktion, Multiplikation und Division. x %*% y ist das Matrikprodukt $x^{\top}y$.
 - 3. Die Einträge der beiden Vektoren können wir als Wertepaare $(x_1, y_1), \ldots, (x_{11}, y_{11})$ betrachten. Erzeugen Sie mit plot() ein Streudiagramm dieser Daten.

R> plot(x, y, main = "Streudiagramm")

Streudiagramm



4. Lesen Sie Section 5: Multivariate Data und lernen Sie den Datentyp data.frame kennen. Erstellen Sie einen data.frame aus x und y.

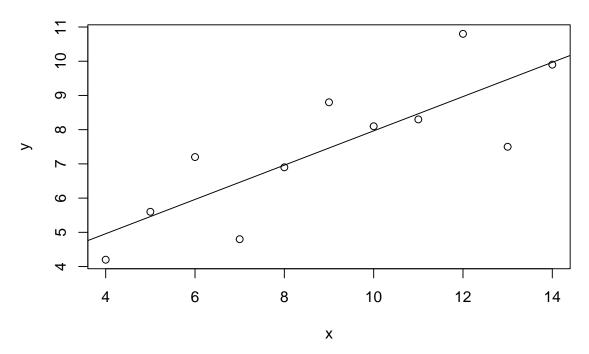
```
R> data <- data.frame(x = x, y = y) R> data
```

```
X
            У
      10
          8.1
  1
  2
          6.9
          7.5
  3
      13
  4
       9
          8.8
  5
          8.3
      11
  6
      14
          9.9
          7.2
  7
  8
       4
          4.2
  9
      12 10.8
# 10
       7
          4.8
      5
          5.6
# 11
```

5. Schätzen Sie die Koeffizienten β_0 und β_1 des linearen Modells $y = \beta_0 + \beta_1 x + u$ mithilfe der Funktion lm() (steht für *lineares Modell*). Erklärungen finden Sie in Section 13: Regres-

sion Analysis. Zeichnen Sie dann mithilfe von abline() die angepasste Regressionsgerade in Ihr Streudiagramm ein.

```
R> model <- lm(formula = y ~ x, data = data)
R> plot(data)
R> abline(model)
```



6. Erklären Sie den Output von summary(), angewendet auf Ihr geschätztes Modell.

R> summary(model)

```
# Call:
# lm(formula = y \sim x, data = data)
# Residuals:
       Min
                 1Q
                      Median
                                   ЗQ
                                           Max
 -1.96727 -0.46227 -0.06273
                              0.68955
# Coefficients:
              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
# (Intercept)
                2.9555
                           1.1330
                                    2.609 0.02834 *
# x
                0.5009
                           0.1188
                                    4.217 0.00225 **
# Signif. codes: 0 '*** 0.001 '** 0.01 '* 0.05 '.' 0.1 ' 1
```

```
# Residual standard error: 1.246 on 9 degrees of freedom
# Multiple R-squared: 0.664, Adjusted R-squared: 0.6267
# F-statistic: 17.79 on 1 and 9 DF, p-value: 0.002248
```

Eine Erklärung des Outputs liefert https://www.youtube.com/watch?v=NEfjirpOj7s.

7. R Markdown ist eine Kombination aus R, unserer Programmiersprache für Datenanalyse, und Markdown, einer einfachen Auszeichnungssprache für die Erstellung von Berichten. Durch die Kombination können wir R Code direkt in Textdokumente integrieren und mit minimalem Aufwand dynamische Analyseberichte generieren. Entwickelt wurde R Markdown 2014 von Yihui Xie, der einen einfachen Weg gesucht hat, seine R Hausaufgaben aufzuschreiben. Das Buch R for Data Science von Hadley Wickham bietet unter anderem eine gute Einführung in R Markdown. Das Buch ist kostenlos online unter https://r4ds.had.co.nz/ verfügbar. Lesen Sie Chapter 27: R Markdown, um zu lernen, wie ein R Markdown Dokument erstellt werden kann. Verwenden Sie die Vorlage aus Abschnitt 27.2 und erstellen Sie selbst ein R Markdown Dokument im .html-Format.

Dazu in R Studio links oben File > New File > R Markdown wählen. Es öffnet sich ein Fenster, dort links unten auf Create Empty Document klicken. Es öffnet sich eine leere Datei, dort die Vorlage einfügen. Anschließend auf Knit klicken.

8. Fügen Sie in das R Markdown Dokument Ihre Lösungen aus Aufgabe 1 ein.

```
title: "Aufgabenblatt 0"
date: "13.10.2023"
author: "Lennart"
output: html_document
---
Aufgabe 1

'''{ r }
x <- c(10, 8, 13, 9, 11, 14, 6, 4, 12, 7, 5)
y <- c(8.1, 6.9, 7.5, 8.8, 8.3, 9.9, 7.2, 4.2, 10.8, 4.8, 5.6)
'''</pre>
```

9. Wie können Sie ein .pdf-Dokument erstellen?

Indem output: html_document durch output: pdf_document ersetzt wird.

10. Wie wird das multiple lineare Regressionsmodell definiert, und wie können die Modellparameter geschätzt werden?

Eine Variable y wird mit k Regressoren x_k durch $y = \sum_{j=1}^k x_j \beta_j + u$ erklärt. Der u Term beinhaltet den Modellfehler, die β_j 's sind Modellparameter. Es sollen konkrete Werte für die Parameter gefunden werden, die am besten zu gegebenen Daten passen. Die populärste Methode ist der Kleinste-Quadrate-Schätzer: Er bestimmt solche Schätzwerte, sodass die Summe der quadrierten Residuen minimal ist.

11. Welche Eigenschaften hat der Kleinste-Quadrate Schätzer, und welche Voraussetzungen müssen dafür erfüllt sein?

Unter den Annahmen MLR.1 (lineares Modell), MLR.2 (Zufallsstichprobe), MLR.3 (Information in den Regressoren, keine Multikollinearität) und MLR.4 (bedingte Fehlererwartung ist Null) ist der KQ-Schätzer erwartungstreu. Gilt zusätzlich MLR.5 (Homoskedastie), so ist die Varianz des KQ-Schätzers die minimale Varianz unter allen linearen und erwartungstreuen Schätzern (Gauss-Markov Theorem). Gilt auch MLR.6 (Fehler sind normalverteilt), so ist der KQ-Schätzer normalverteilt. Unter einer technischen Annahme an die Daten ist er konsistent.

12. Bitte prognostizieren Sie den y Wert für $x_1 = 6$ und $x_2 = -1$, gegeben die Daten

$$x_1 = \begin{pmatrix} 1 & 2 & 3 & 4 & 5 & 1 & 2 & 3 & 4 & 5 \end{pmatrix},$$

 $x_2 = \begin{pmatrix} 1 & 1 & 2 & 2 & 3 & 3 & 4 & 4 & 5 & 5 \end{pmatrix},$
 $y = \begin{pmatrix} 1 & 3 & 1 & 5 & 2 & -3 & -3 & -1 & -2 & -2 \end{pmatrix}.$

```
R> x_1 \leftarrow c(1, 2, 3, 4, 5, 1, 2, 3, 4, 5)

R> x_2 \leftarrow c(1, 1, 2, 2, 3, 3, 4, 4, 5, 5)

R> y \leftarrow c(1, 3, 1, 5, 2, -3, -3, -1, -2, -2)

R> data \leftarrow data.frame(y, x_1, x_2)

R> model \leftarrow lm(y \sim x_1 + x_2, data)

R> model$coefficients %*% c(1, 6, -1)
```

```
# [,1]
# [1,] 11.96667
```

13. Die Schlusskurse von Bitcoin und Ethereum aus 2022 haben eine Kovarianz von 7718820. Kann daraus ein starker, positiver Zusammenhang geschlossen werden?

Eine positive Kovarianz zeigt einen positiven Zusammenhang an. Sie ist aber nicht normiert, daher bleibt die relative Stärke des Zusammenhanges unbekannt.

```
R> btc <- fHMM::download_data("BTC-USD", from = "2022-01-01", to = "2022-12-31") R> eth <- fHMM::download_data("ETH-USD", from = "2022-01-01", to = "2022-12-31") R> cov(btc$Close, eth$Close)
```

[1] 7718820

R> cor(btc\$Close, eth\$Close)

- # [1] 0.9759673
 - 14. Finden Sie ein Beispiel, dass im Allgemeinen $\text{Var}(X+Y) \neq \text{Var}(X) + \text{Var}(Y)$ für zwei Zufallsvariablen X und Y gilt.

Sei
$$X = Y \sim N(0,1)$$
. Dann ist $Var(X) = Var(Y) = 1$, aber $Var(X + Y) = 4$.

15. Finden Sie zwei Zufallsvariablen, die unkorreliert, aber nicht unabhängig sind.

Wähle
$$X, Y$$
 unabhängig mit $\Pr(X = 0) = \Pr(X = 1) = 0.5$, $\Pr(Y = -1) = \Pr(Y = 1) = 0.5$ und definiere $Z := XY$. Dann ist $\operatorname{Cov}(Z, X) = \operatorname{E}(Z(X - 0.5)) = \operatorname{E}(X^2 - 0.5X)\operatorname{E}(Y) = 0$ aber $\Pr(Z = 1 \mid X = 0) = 0 \neq 0.5 = \Pr(Z = 1 \mid X = 1)$.

16. Finden Sie zwei reelle Vektoren x und y, jeweils der Länge 10, sodass die empirische Korrelation $\widehat{\mathrm{Cor}}(x,y)$ exakt -1 bzw. 0 bzw. +1 beträgt.

```
R> x <- 1:10
R> y <- x
R> cor(x, y)
# [1] 1
```

[1] -1

R> y <-
$$(x - mean(x))^2$$

R> $cor(x, y)$

[1] 0

17. Es seien X, Y zwei unabhängige Zufallsvariablen, die mit gleicher Wahrscheinlichkeit die Werte in $\{1, 2, 3\}$ annehmen. Berechnen Sie $E(1 + 4X + 2Y \mid X = 2)$.

$$E(1 + 4X + 2Y \mid X = 2) = 9 + 2E(Y) = 13$$

18. Ein Losverkäufer behauptet, dass mindestens 20% seiner Lose Gewinne seien. Die Käufer aber vermuten, dass der Anteil geringer ist. Es werden n=100 Lose überprüft. Führen Sie einen statistischen Test zum Signifikanzniveau $\alpha=5\%$ zur Streitschlichtung durch, wobei Sie die Aussage des Losverkäufers als Nullhypothese wählen.

Der Anteil an Gewinnlosen sei binomialverteilt zu n=100 und p=20%. Die Wahrscheinlichkeit, höchstens 14 Erfolge zu haben, beträgt somit 8%, und höchstens 13 Erfolge zu haben, 4.7%. Zu $\alpha=5\%$ geben wir also dem Losverkäufer recht, falls in der Stichprobe mindestens 14 Gewinne sind, ansonsten den Käufern. Siehe https://www.youtube.com/watch?v=MBf9Iin6bpg für mehr Details.

```
R> pbinom(13, size = 100, prob = 0.2)

# [1] 0.04691224

R> pbinom(14, size = 100, prob = 0.2)

# [1] 0.08044372

R> binom.test(13, n = 100, p = 0.2, alternative = "less")

# # Exact binomial test

# data: 13 and 100

# number of successes = 13, number of trials = 100, p-value = 0.04691

# alternative hypothesis: true probability of success is less than 0.2

# 95 percent confidence interval:

# 0.0000000 0.1987198

# sample estimates:

# probability of success

# 0.13

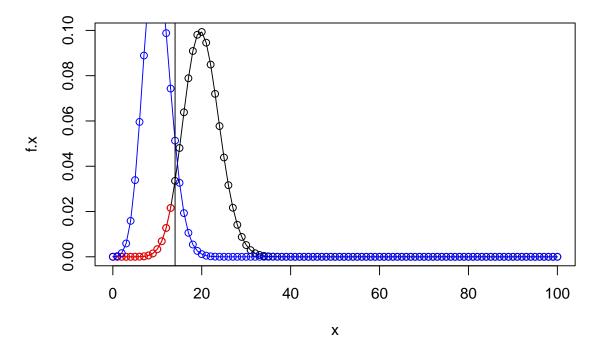
R> binom.test(14, n = 100, p = 0.2, alternative = "less")
```

```
#
# Exact binomial test
#
# data: 14 and 100
# number of successes = 14, number of trials = 100, p-value = 0.08044
# alternative hypothesis: true probability of success is less than 0.2
# 95 percent confidence interval:
# 0.0000000 0.2101739
# sample estimates:
# probability of success
# 0.14
```

19. Angenommen, der wahre Anteil an Gewinnlosen beträgt nur 10%. Berechnen Sie die Wahrscheinlichkeit, mit der Ihr Test dem Losverkäufer fälschlicherweise recht gibt.

Das ist die Wahrscheinlichkeit, unter der Binomialverteilung mit n=100 und p=10% mindestens 14 Erfolge zu beobachten. Sie beträgt 12.4%.

```
R> f.x <- function(x, p) dbinom(x, size = 100, prob = p)
R> plot(0:100, f.x(x = 0:100, p = 0.2), type = "o", xlab = "x", ylab = "f.x")
R> lines(0:13, f.x(x = 0:13, p = 0.2), type = "o", col = "red")
R> lines(0:100, f.x(x = 0:100, p = 0.1), type = "o", col = "blue")
R> abline(v = 14)
```



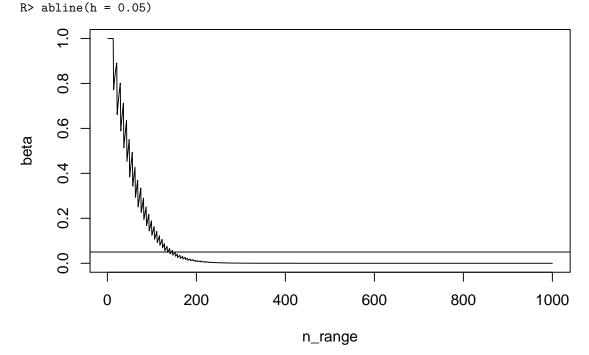
Erstellt am 13.10.2023 9 / 10

```
R> 1 - pbinom(13, size = 100, prob = 0.1)
```

[1] 0.1238768

20. Sie möchten die in b) berechnete Wahrscheinlichkeit auf unter 5% reduzieren. Auf welche Werte müssen Sie dafür entweder α oder n verändern?

```
R> pbinom(15, size = 100, prob = 0.2)
# [1] 0.1285055
R> 1 - pbinom(15, size = 100, prob = 0.1)
# [1] 0.03989053
R> n_range <- 1:1000
R> crit <- qbinom(0.05, size = n_range, prob = 0.2)
R> beta <- 1 - pbinom(crit - 1, size = n_range, prob = 0.1)
R> plot(n_range, beta, type = "l")
```



R> min(which(beta < 0.05))

[1] 135

Entweder α auf mindestens 13% oder n auf mindestens 135 erhöhen.