



Yuelong CHEN 陈玥茏

生物信息 · 细胞分子生物

香港中文大学逸夫科学大楼 113 室

☎ (+86) 18500200613 | ✉ yuelong.chen.btr@gmail.com | 🏠 <https://loganylchen.github.io> | 📺 loganylchen

“完成比完美更重要。”

Summary

香港中文大学生物信息学博士研究生，专注于转录组学分析、Nanopore DRS 算法开发及疾病机制研究，整合生物信息学与实验技术解决复杂生物学问题。

- 转录组及转录后调控: 开发基于 Nanopore 直接 RNA 测序 (DRS) 的新型 RNA 修饰检测方法。构建多组学分析流程，解析转录组动态变化与疾病发生发展的关联机制。
- 生物信息学算法开发: 主导开发 Nanopore DRS 数据处理工具链，包括转录本组装、定量及修饰位点识别模块。
- 代谢疾病与肿瘤机制研究: 聚焦糖尿病对肾小管 / 肾小球的差异化损伤机制，通过单细胞转录组揭示细胞异质性; 探索肿瘤的转录调控网络，开发基于转录组/表观转录组特征的预后标志物。
- (基金) 主要贡献: 2022 年香港 RGC GRF 项目 (获批); 2024 年香港 RGC GRF 项目 (在审); 2024 年 1+1+1 联合基金项目 (获批)

Education

香港中文大学生命科学学院

香港, 中国

博士 (细胞分子生物)

2019 年 8 月 - 2025 年 6 月

哈尔滨医科大学生物信息科学与技术学院

哈尔滨, 黑龙江, 中国

硕士 (生物信息学)

2012 年 9 月 - 2015 年 7 月

哈尔滨医科大学生物信息科学与技术学院

哈尔滨, 黑龙江, 中国

学士 (生物技术【生物信息方向】)

2007 年 9 月 - 2012 年 7 月

Work Experience

深圳安吉康尔科技有限公司

深圳, 广东, 中国

生物信息总监

2018 年 5 月 - 2019 年 7 月

- 负责构建遗传病检测全自动检测平台
- 变异检测一体机的开发

欧蒙医学诊断 (中国) 有限公司

北京, 中国

生物信息工程师

2018 年 2 月 - 2018 年 4 月

- 开发, 完善现有的基于 NGS 耳病检测模型

北京橡鑫生物科技有限公司

北京, 中国

血液肿瘤项目生物信息组长

2017 年 3 月 - 2018 年 1 月

- 研发血液肿瘤 FLT3-ITD NGS 检测方法, 并在定量上稳定与金标准毛细管电泳结果一致
- 参与血液肿瘤 IVD 研发

Patents

专利名称	申请号	发明人	专利类型
一种检测拷贝数变异的方法、装置和存储介质	CN202010184960.3	陈玥茳; 刘永初; 李阳; 刘阳; 吕佩涛	发明专利
FH 测序文库的构建方法和引物组及试剂盒	CN201811451798.6	李妍珂; 李全; 陈玥茳; 刘永初; 刘阳; 李阳; 吕佩涛	发明专利
用于检测遗传性疾病基因变异的方法、装置及终端设备	CN201811021290.2	陈玥茳; 刘永初; 刘阳; 李阳; 吕佩涛	发明专利
用于检测血液病相关基因变异的试剂盒	CN201710093319.7	刘伟; 魏少华; 侯光远; 陈玥茳; 刘卉; 玄兆伶; 李大为; 梁峻彬; 陈重建	发明专利
一种用于检测血液病相关体细胞突变的装置	CN201710067161.6	陈玥茳; 侯光远; 李停; 方真; 刘伟; 玄兆伶; 李大为; 梁峻彬; 陈重建	发明专利
一种用于利用循环肿瘤 DNA 样本检测体细胞突变的装置	CN201710067084.4	陈玥茳; 侯光远; 蔡丽丽; 李雪峰; 方真; 玄兆伶; 李大为; 梁峻彬; 陈重建	发明专利
一种用于利用肿瘤 FFPE 样本检测体细胞突变的装置	CN201710067031.2	陈玥茳; 侯光远; 刘卉; 陈玉洁; 王旺; 玄兆伶; 李大为; 梁峻彬; 陈重建	发明专利

Skills

编程语言 Python, R, LaTeX, CUDA, C, 深度学习框架 (Pytorch)

数据分析 NGS 转录组, 单细胞转录组, Nanopore 转录组, NGS 基因组

开发 Docker, Github, Singularity

语言 普通话, 英语

Publications(5 年内)

- Yanshuo Chen, Yixuan Wang, **Yuelong Chen**, Yuqi Cheng, Yumeng Wei, Yunxiang Li, Jiuming Wang, Yingying Wei, Ting-Fung Chan, and Yu Li. “Deep Autoencoder for Interpretable Tissue-Adaptive Deconvolution and Cell-Type-Specific Gene Analysis.” **Nature Communications** 13, no. 1 (November 8, 2022): 6735. **[IF: 15.7]**
- Jizhou Zhang, Xiao Lin, **Yuelong Chen**, Tsz-Ho Li, Alan Chun-Kit Lee, Eugene Yui-Ching Chow, William Chi-Shing Cho, and Ting-Fung Chan. “LAFITE Reveals the Complexity of Transcript Isoforms in Subcellular Fractions.” **Advanced Science** (Weinheim, Baden-Wurttemberg, Germany) 10, no. 3 (January 2023): e2203480. **[IF: 14.1]**
- Keng Po Lai, Nathan Yi Kan Tam, **Yuelong Chen**, Chi Tim Leung, Xiao Lin, Chau Fong Tsang, Yin Cheung Kwok, et al. “miRNA-mRNA Integrative Analysis Reveals the Roles of miRNAs in Hypoxia-Altered Embryonic Development- and Sex Determination-Related Genes of Medaka Fish.” **Frontiers in Marine Science** 8 (January 21, 2022): 736362. **[IF:3.0]**