LOC\_Os08g39890 SPL14 miR156 target GUGCUCUCUCUCUUCUGUCA

CDS Chromosome coordinates: 25274449-25278696

>LOC\_Os08g39890.1

ATGGAGATGGCCAGTGGAGGAGGCGCCGCCGCCGCCGCCGGCGGCGGAGTAGGCGGCAGC

GGCGGCGGTGGTGGTGGAGGGGACGAGCACCGCCAGCTGCACGGTCTCAAGTTCGGCAAG

AAGATCTACTTCGAGGACGCCGCCGCGGCAGCAGGCGGCGGCGGCACTGGCAGTGGCAGT

GGCAGCGCGAGCGCCGCGCCGCCGTCCTCGTCTTCCAAGGCGGCGGGTGGTGGACGCGGC

GGAGGGGGCAAGAACAAGGGGAAGGGCGTGGCCGCGGCGGCGCCACCGCCGCCGCCGCCG

CCGCCGCGGTGCCAGGTGGAGGGGTGCGGCGCGGATCTGAGCGGGATCAAGAACTACTAC

TGCCGCCACAAGGTGTGCTTCATGCATTCCAAGGCTCCCCGCGTCGTCGTCGCCGGCCTC

GAGCAGCGCTTCTGCCAGCAGTGCAGCAGGTTCCACCTGCTGCCTGAATTTGACCAAGGA

AAACGCAGCTGCCGCAGACGCCTTGCAGGTCATAATGAGCGCCGGAGGAGGCCGCAAACC

CCTTTGGCATCACGCTACGGTCGACTAGCTGCATCTGTTGGTGAGCATCGCAGGTTCAGA

AGCTTTACGTTGGATTTCTCCTACCCAAGGGTTCCAAGCAGCGTAAGGAATGCATGGCCA

GCAATTCAACCAGGCGATCGGATCTCCGGTGGTATCCAGTGGCACAGGAACGTAGCTCCT

CATGGTCACTCTAGTGCAGTGGCGGGATATGGTGCCAACACATACAGCGGCCAAGGTAGC

TCTTCTTCAGGGCCACCGGTGTTCGCTGGCCCAAATCTCCCTCCAGGTGGATGTCTCGCA

GGGGTCGGTGCCGCCACCGACTCGAGCTGTGCTCTCTCTCTTCTGTCAACCCAGCCATGG

GATACTACTACCCACAGTGCCGCTGCCAGCCACAACCAGGCTGCAGCCATGTCCACTACC

ACCAGCTTTGATGGCAATCCTGTGGCACCCTCCGCCATGGCGGGTAGCTACATGGCACCA

AGCCCCTGGACAGGTTCTCGGGGCCATGAGGGTGGTGGTCGGAGCGTGGCGCACCAGCTA

CCACATGAAGTCTCACTTGATGAGGTGCACCCTGGTCCTAGCCATCATGCCCACTTCTCC

GGTGAGCTTGAGCTTGCTCTGCAGGGGAACGGTCCAGCCCCAGCACCACGCATCGATCCT

GGGTCCGGCAGCACCTTCGACCAAACCAGCAACACGATGGATTGGTCTCTGTAG

>LOC\_Os08g39890 genomic TTCCGTCTCTTTCCTCTCTCTTCTCTCTCCCCCTCTCCTGGAGGAGAGAGAGGAGAAGAG GAGGGGGGGCCGCGCCAAGAGCCACGCGCGCTACAGTCTCCTTCCCACCCGCGACCGCGA GCAATGGAGATGGCCAGTGGAGGAGGCGCCGCCGCCGCCGCCGGCGGCGGAGTAGGCGGC AGCGGCGGCGGTGGTGGTGGAGGGGACGAGCACCGCCAGCTGCACGGTCTCAAGTTCGGC AAGAAGATCTACTTCGAGGACGCCGCCGCGGCAGCAGGCGGCGGCGGCACTGGCAGTGGC AGTGGCAGCGCGAGCGCCGCGCCGCCGTCCTCGTCTTCCAAGGCGGCGGGTGGTGGACGC GGCGGAGGGGGCAAGAACAAGGGGAAGGGCGTGGCCGCGGCGGCGCCACCGCCGCCGCCG CCGCCGCCGCGGTGCCAGGTGGAGGGGTGCGGCGCGGATCTGAGCGGGATCAAGAACTAC TACTGCCGCCACAAGGTGTGCTTCATGCATTCCAAGGCTCCCCGCGTCGTCGTCGCCGGC CTCGAGCAGCGCTTCTGCCAGCAGTGCAGCAGGTCACTCTCTCACTCACCTCGCCATTGC TGATGTCACCACTGCTTTTGCTTTGCTTTGCTTGCTCTCCCTCCTCTTTCACCTATCTCT CTTGTTTATTTGCTTCTTGTTCTTGTTTAGTGCTAGTACATGTGTTGTTATTGTTGTGCC GTTTTGTCTTTTGGGTTATTGTGTTGTTGTTACTACTCGTTTTACTATAGGTTTTTAAGG TTTATGAGCACGGCCACCACATTAGATGCACTGTCAAGTGGTGTGTGTGGGACCTTTCCT GCTAAAACAAGCTGATTTCAACTCTCTGAAACTTCCTGCATTTCATCTATTTTTATCTTT GATTGTGTTGGGAGTACTACACTAGTAGTGTTAATATTTTGACTGGTGCTTATGAGATTT TTAAGTTGGTAGGTTGATGAGGAAAATACTCCTTTATATGGTTGAGTGATGTGACTTGCC TGTCTGCCTGCCTGCCTGCCGCTTTGCATAAGATTCCTCTGTGTTAGTAAGAGCCACTGT TTATTTGTACTGGTGCTTACTCTACTTAGTTAATTAGCCATTAGCTATAAAATTCCGTTG ATGTTGCAAGCTTAGCAATGGCCACGGTAAGAATGGGAGAGAGAAGTTGGCTAAAGCTGT TGCTTTGTAGTTTGTACTATATATGTGTCTTTGTGTTGCAAGATATGCAACTCCTACTAT GCTGTGACTTGAGCTCAAGGTTTTCAGTTATCTATAGATCCTTACTACTACTGAGCATAC TACCACTTCTGTATGGTAGCATATGGTAGCATAGTCCAAGTTCCAACGCCTCGCCAGTTG TTCATAATCTATACTACCACTTCTGTGCATTTGTTACTTTTATTTAATAGTTTGTCTCAT TAGCTGACAAGCATATGCCTGTTTTGATATCTGCCCCTCTTGTAATAGTCTATGGATAGC TTGGACTGTTTGATGCTTTAATTTTTTACTAGCAACACTTAGGGCCCCTTTGAAATGGAG GATTAGCAAAGGAATTTTGGAGGATTCATTTTCCTAAGGATTTTTTCCTATAGAGCCCTT TGATTCATAGAAAGAGGATAGGAAAACTTCCGTAGGATTGCATTCCTATGATCAATTCCA TAGGAAAATAAGCAAGAGGTTAGACCTCTTGTGAAACTTTCCTTTGTTGAGTGTATCTTG TGGTATAATCAAAGGGCTCTTCTCTCCATTTCATGTGTTTTCAATTCCTGTAGGATTGGA AAAACATACAACTTCAATTCCTACGTTTTTCCTATTCCTATGTTTTTCCTATCCTGCGTT TCAAAGGGGCCCTTAAGGATGAAGGGAAGTAAGAGAAACATACTAGAGAATATGTAGTAG TATTTCTACATTCCATATTTGTAGCACTAGCCCACAAATATCTTTGCCTTGTACTTACTT CATACCAGTTCCCCCCTTTTCAGAGCAAACCAACAATTTCTGTTGCCTTATATATCTAGT GTCTTCGTACTAATATATCTGTTCCAAAATGTACCTGTCCAAATTCATAGCTAGAAATAG CTTTATTTAGGACGGAAGTAATAACTGTTGTTAGAGACTTGGTTCAGACTTTTGGTTATG TTGAGGCTACTATCATTTCCTTTACGGGCCAAATTACTACAAATGAGAATTCATAAAAAT GTCAAGATTTTATGATTGTTGTAGCTTTATTTAGGACGGAGGTAGTAATTGTTGTTAGAG ACTTGGTTCAGACTTTTGGTTACGTTGAAGCTACTATCATTTCCTTTATGGTCAAATTAC TAACAATGAGTATTCATAAAAATGTCAAGATTTTATAATTGAGCTGTGCCAGTGCTAAGT GTGTCACTATCTGATGCCATAATGCATCATTATAAAAGCCAGATGGACCATTAGCTTTTA TGTGTAGGACACCTGCCGTCCAATTAGATGGATAACCATCTAGTGTTTGTGTACTGTTAT TTTAAGCCCGACATCTCACAACTCCATGAATGATTACAGTCTTCCTTTCACATGGTGTCC TTTTGTTGTGTTAGGAATAGCATTTTTTATTTATGGGTGTAATTATGAAAGGCACTAGGA GAGTTGCTGCTTTATCTTGATGGGATTTGTAGTAATACCATCTTTAGGATGACAAGAAAT CTTGTTCTGAGTTAGCATGGGCTGCCTTTTGACCTGAGCTACGGTTTGCTATGTTTGGCT TGCATCATGCAGATCTATTAGGATAATAAGCATATAAAAGTTGCTTGCATTGTGCATTGC TTGTTTTACCTTGATTCATGTAGGAGTAATTTGCTCGCCATGCCTCGTTTTGCTTTCTGA GTCAACAGCCAAATTTAGATGATGTACCTTCTGTTGCTTCAAAAACTCAGTCACTGCACA GCAGCAGTGGATAGGATTCAGAATCAATCTATCCATGATTCTCTGTTCACATAATATGAC AGGTTCCACCTGCTGCCTGAATTTGACCAAGGAAAACGCAGCTGCCGCAGACGCCTTGCA GGTCATAATGAGCGCCGGAGGAGGCCGCAAACCCCTTTGGCATCACGCTACGGTCGACTA GCTGCATCTGTTGGTGGTATCATCAGAGGCTCTTGTTTTCTTTGCATCTTGTGTGTTTGT TGGTAACTACTGGTTGCATTCGCTGATGTGTTGTTTGTTGCGATTCTTGATCCAGAAGAG CATCGCAGGTTCAGAAGCTTTACGTTGGATTTCTCCTACCCAAGGGTTCCAAGCAGCGTA AGGAATGCATGGCCAGCAATTCAACCAGGCGATCGGATCTCCGGTGGTATCCAGTGGCAC AGGAACGTAGCTCCTCATGGTCACTCTAGTGCAGTGGCGGGATATGGTGCCAACACATAC AGCGGCCAAGGTAGCTCTTCTTCAGGGCCACCGGTGTTCGCTGGCCCAAATCTCCCTCCA GGTGGATGTCTCGCAGGGGTCGGTGCCGCCACCGACTCGAGCTGTGCTCTCTCTCTTCTG TCAACCCAGCCATGGGATACTACTACCCACAGTGCCGCTGCCAGCCACAACCAGGCTGCA GCCATGTCCACTACCACCAGCTTTGATGGCAATCCTGTGGCACCCTCCGCCATGGCGGGT AGCTACATGGCACCAAGCCCCTGGACAGGTTCTCGGGGCCATGAGGGTGGTGGTCGGAGC GTGGCGCACCAGCTACCACATGAAGTCTCACTTGATGAGGTGCACCCTGGTCCTAGCCAT CATGCCCACTTCTCCGGTGAGCTTGAGCTTGCTCTGCAGGGGAACGGTCCAGCCCCAGCA CCACGCATCGATCCTGGGTCCGGCAGCACCTTCGACCAAACCAGCAACACGATGGATTGG TCTCTGTAGAGGCTGTTCCAGCTGCCATCGATCTGTCGTCCCGCAAGGCGAGTCATGGAA CTGAAGAACCTCATGCTGCCTGCCCTTATTTTGTGTTCAAATTTTCCTTTCCAGTATGGA AAGGAAATTCTAAGGTGACTGGCGATTAATCTCCCTGTGATGAATAATAATGCGCGCCCT TGAACTCAATTAATTGCTGTGCCGCATCCATCTATGTAACTCTCCATGAATTTTTAAGTA TCAGTGTTAATGCTGTATTGTCGAGGACTTCTGCTCGATATGTTATTTCTCTTATGTTGT TCATCATGAATCTTTTTCTGCTTATTATTCTGGTGCCGGGTTGTCCTT