

PHÂN LOẠI

Ông John sở hữu n con bò đen và n con bò trắng và ông ta tin rằng màu của mỗi con bò được quyết định bởi một vị trí nào đó trong bộ gen của bò. Ông ta đã lập bản đồ gen từ DNA của cả $2n$ con bò, mỗi con bò có bộ gen là một chuỗi m ký tự $\in \{A, C, G, T\}$ đánh số từ 0 tới $m - 1$. Mỗi ký tự tượng trưng cho một đa phân tử hữu cơ gọi là đơn phân (nucleotide).

Chẳng hạn

```
Vị trí: 0 1 2 3 4 5 6 ... m-1
-----
Đen 1: A A T C C C A ... T
Đen 2: G A T T G C A ... A
Đen 3: G G T C G C A ... A
Trắng 1: A C T C C C A ... G
Trắng 2: A C T C G C A ... T
Trắng 3: A C T T C C A ... T
```

Ta gọi một vị trí i ($0 \leq i < m$) là vị trí phân loại nếu không tồn tại một con bò đen và một con bò trắng nào có cùng nucleotide ở vị trí đó. Như ví dụ trên thì vị trí 1 có thể là vị trí phân loại, trong khi đó vị trí 0 không phải vị trí phân loại do con bò đen 1 và con bò trắng 1 đều có nucleotide số 0 là A, vị trí cuối cũng không phải vị trí phân loại do con bò đen 1 và con bò trắng 2 đều có nucleotide tương ứng là T.

Yêu cầu: Đếm số vị trí phân loại

Dữ liệu: Vào từ file văn bản CLASSIFY.INP

- ✿ Dòng 1 chứa hai số nguyên dương $n \leq 100$; $m \leq 100$
- ✿ n dòng tiếp theo, mỗi dòng chứa m ký tự $\in \{A, C, G, T\}$ ứng với bộ gen của một con bò đen
- ✿ n dòng tiếp theo, mỗi dòng chứa m ký tự $\in \{A, C, G, T\}$ ứng với bộ gen của một con bò trắng

Kết quả: Ghi ra file văn bản CLASSIFY.OUT một số nguyên duy nhất là số vị trí phân loại

Ví dụ

CLASSIFY.INP	CLASSIFY.OUT
3 8 AATCCCAT GATTGCAA GGTCGCAA ACTCCCAG ACTCGCAT ACTTCCAT	1