LMM recap

OBIETTIVO: cercare di indagare l'effetto di ITI e CSI sui tempi di risposta.

Abbiamo eseguito degli LMM considerando (separatamente) come random effect i seguenti fattori :

- Subject (nell'anova che vi avevamo mostrato consideriamo ogni soggetto viene utilizzato per calcolare più di un tempo di riposta -> osservazioni non indipendenti)
- opzione 2: parametri dell'esperimento (non ci interessano di per sè, ma potrebbero influire sulla varianza dei tempi di risposta)
- ▶ ITI (tempo di riposo, fissato a 4? livelli)
- CSI (tempo in cui viene mostrato lo stimolo, fissato a due livelli)

DUBBI:

- -E' vero che se una covariata ha significatività nel modello lineare di partenza non possiamo considerarlo come random effect nel LMM?
- o forse può essere trattato come random effect a patto che sia inclusa anche come covariata normale nel modello?

- Ha senso considerare CSI e ITI come random effect se è una covariata con due soli livelli?

LMM con CSI come random effect

PUNTO DI PARTENZA: Linear Model con DIAGNOSI e CSI come covariate:

Vogliamo controllare se CSI abbia effetto nullo sulla media (hp di random intercept)

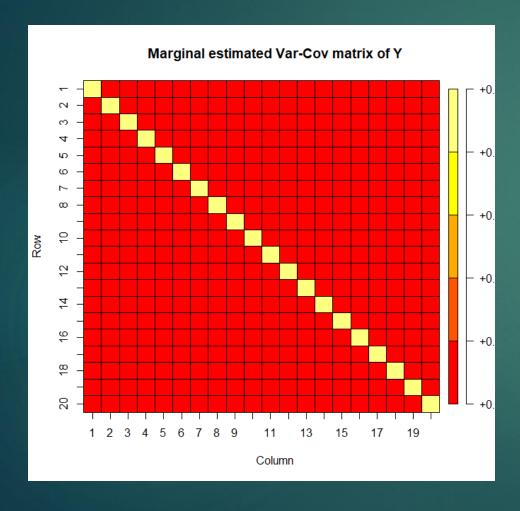
```
csi.lm <- lm(tempi.csi ~ diagn_csi + CSI.label)
     summary(csi.lm)
     summary(csi.lm)$sigma^2
      coef=csi.lm$coefficients
  48
      (Top Level) $
Console Terminal ×
               Render × Jobs ×
call:
lm(formula = tempi.csi ~ diagn_csi + CSI.label)
Residuals:
           10 Median
   Min
                               Max
-0.5271 -0.1506 -0.0027 0.1370 0.4980
coefficients:
             Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept)
            0.72072 0.01559 46.217
CSI.labelSHORT 0.17666
                     0.02013 8.775 <2e-16 ***
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' '1
Residual standard error: 0.1883 on 347 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.3511, Adjusted R-squared: 0.3474
F-statistic: 93.88 on 2 and 347 DF, p-value: < 2.2e-16
> summary(csi.lm)$sigma^2
[1] 0.03546467
```

LMM con CSI come random effect

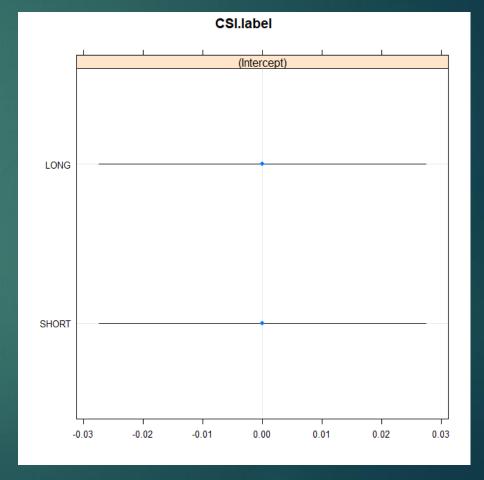
```
65
     #inizio con il modelllo Random Effects
      csi.lmer <- lmer(tempi.csi ~ diagn_csi + CSI.label + (1|CSI.label))
      summary(csi.lmer)
      # (Untitled) $
 71:1
       Terminal ×
Console
                Render × Jobs ×
Linear mixed model fit by REML ['lmerMod']
Formula: tempi.csi ~ diagn_csi + CSI.label + (1 | CSI.label)
REML criterion at convergence: -159.4
Scaled residuals:
              10 Median
    Min
-2.79891 -0.79969 -0.01436 0.72746 2.64469
Random effects:
                     Variance Std. Dev.
Groups
          Name
CSI.label (Intercept) 0.005696 0.07547
Residual
                     0.035465 0.18832
Number of obs: 350, groups: CSI.label, 2
Fixed effects:
              Estimate Std. Error t value
              0.72072
                         0.07706 9.352
(Intercept)
diagn_csiSCHZ 0.23452
                         0.02228 10.525
CSI.labelSHORT 0.17666
                         0.10861 1.626
Correlation of Fixed Effects:
           (Intr) d_SCHZ
dign_csscHZ -0.083
CSI. 1bSHORT -0.705 0.000
```

CSI come random effect

Perché la matrice è diagonale se c'è interazione fra i gruppi?



E' corretto il fatto che CSI dia questo dotplot? E è conseguenza del fatto che abbiamo considerato il CSI sia come covariata che come random effect?



- ▶ IL nostro percorso p stato:
- siamo partiti dal potizare un modello in cui le osservazioni fossero indipendenti
- abbiamo poi quantificato attraverso gli LMM sui soggetti quanto questa assunzione non sia verificata

LMM con subject come random effect

PUNTO DI PARTENZA: Linear Model con DIAGNOSI e SWITCH come covariate (= anova vista scorsa volta)

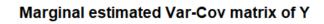
```
lm.switch <- lm(tempi ~ diagn + switch.label)</pre>
       summary(1m.switch)
       summary(lm.switch)$sigma^2
       (Top Level) $
Console
        Terminal ×
                  Render ×
                          Jobs ×
R 4.1.3 · G:/Il mio Drive/Brain Connectivity/materiale/ @
call:
lm(formula = tempi ~ diagn + switch.label)
Residuals:
     Min
               10 Median
                                          Max
-0.57563 -0.14678 -0.01809 0.15188 0.46282
Coefficients:
                   Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept)
                    0.78220
                               0.01596 49.006 < 2e-16 ***
diagnscHZ
                    0.23088
                               0.02281 10.123 < 2e-16 ***
switch.labelswitch 0.10496
                               0.02061 5.094 5.78e-07 ***
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' '1
Residual standard error: 0.1928 on 347 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.2701, Adjusted R-squared: 0.2659
F-statistic: 64.21 on 2 and 347 DF, p-value: < 2.2e-16
> summary(lm.switch)$sigma^2
[1] 0.03715308
```

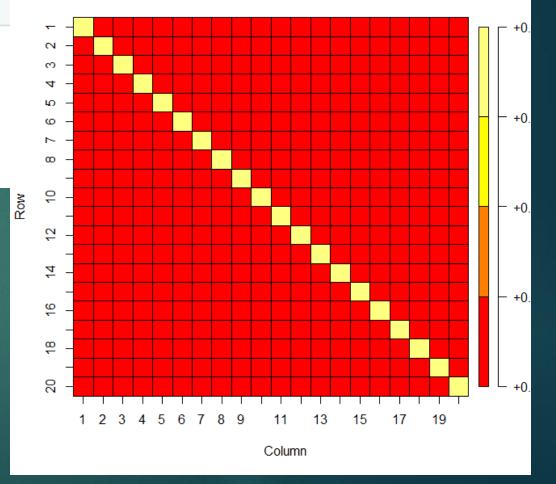
LMM con subject come random effect

```
#inizio con il modello Random Effects
  51
      lmer.switch <- lmer(as.numeric(tempi) ~ diagn + switch.label + (1|subject), data = df)</pre>
      summary(lmer.switch)
 55:1
      # (Untitled) $
       Terminal ×
                 Render × Jobs ×
Console
R 4.1.3 · G:/II mio Drive/Brain Connectivity/materiale/ @
REML criterion at convergence: -364.3
Scaled residuals:
               10 Median
                                          Max
-2.27556 -0.48194 -0.05614 0.41158 2.85846
Random effects:
Groups Name
                      Variance Std.Dev.
subject (Intercept) 0.03159 0.17775
Residual
                      0.00565 0.07516
Number of obs: 350, groups: subject, 175
Fixed effects:
                   Estimate Std. Error t value
(Intercept)
                   0.782204
                              0.017073 45.815
diagnschz
                   0.230877
                               0.031044
                                         7.437
switch.labelSWITCH 0.104959
                              0.008035 13.062
Correlation of Fixed Effects:
            (Intr) dgSCHZ
diagnschz
            -0.520
swtc.SWITCH -0.235 0.000
```

```
## the conditional variance-covariance matrix of Y (diagonal matrix)
SigmaErr = sgma^2 * (I.n)
SigmaErr[1:4, 1:4] ## visualization of individual 1
76 
(Untitled) $
```

Jobs × Terminal × Console R 4.1.3 · G:/II mio Drive/Brain Connectivity/materiale/ > SigmaErr[1:4, 1:4] ## visualization of individual 2 4 x 4 diagonal matrix of class "ddiMatrix" [,1] [,2] [,3] [1,] 0.005649753 [2,] . 0.005649753 [3,] . 0.005649753 . 0.005649753 [4,]





```
> PVRE <- sigma2_b/(sigma2_b+sigma2_eps)
> PVRE # 84%
[1] 0.8483049
```



-0.2

-0.6

-0.4

0.0

0.2

0.4

Should we introduce a correction on the Correlation matrix to address the problem of dipendence between observations of the same group?